



PCT

特許協力条約に基づいて公開された国際出願

<p>(51) 国際特許分類7 C12N 15/12, C07K 14/705, 16/28, C12Q 1/02, 1/68, C12N 5/10, 1/21, C12P 21/02, C07H 21/04, A61K 38/00</p>	<p>A1</p>	<p>(11) 国際公開番号 WO00/24891</p> <p>(43) 国際公開日 2000年5月4日(04.05.00)</p>
<p>(21) 国際出願番号 PCT/JP99/05938</p> <p>(22) 国際出願日 1999年10月27日(27.10.99)</p> <p>(30) 優先権データ 特願平10/306543 1998年10月28日(28.10.98) JP 特願平11/20356 1999年1月28日(28.01.99) JP</p> <p>(71) 出願人 (米国を除くすべての指定国について) 武田薬品工業株式会社 (TAKEDA CHEMICAL INDUSTRIES, LTD.)[JP/JP] 〒541-0045 大阪府大阪市中央区道修町四丁目1番1号 Osaka, (JP)</p> <p>(72) 発明者 ; および (75) 発明者 / 出願人 (米国についてのみ) 渡辺卓也(WATANABE, Takuya)[JP/JP] 〒305-0821 茨城県つくば市春日1丁目7番地9-404号 Ibaraki, (JP) 松本芳男(MATSUMOTO, Yoshio)[JP/JP] 〒563-0029 大阪府池田市五月丘5丁目1番3-438号 Osaka, (JP) 寺尾寧子(TERAOKA, Yasuko)[JP/JP] 〒305-0034 茨城県つくば市大字小野崎985番地-307号 Ibaraki, (JP)</p>		<p>新谷 靖(SHINTANI, Yasushi)[JP/JP] 〒305-0821 茨城県つくば市春日1丁目7番地9-703号 Ibaraki, (JP)</p> <p>(74) 代理人 弁理士 朝日奈忠夫, 外(ASAHI, Tadao et al.) 〒532-0024 大阪府大阪市淀川区十三本町2丁目17番85号 武田薬品工業株式会社 大阪工場内 Osaka, (JP)</p> <p>(81) 指定国 AE, AL, AM, AU, AZ, BA, BB, BG, BR, BY, CA, CN, CR, CU, CZ, DM, EE, GD, GE, HR, HU, ID, IL, IN, IS, JP, KG, KR, KZ, LC, LK, LR, LT, LV, MA, MD, MG, MK, MN, MX, NO, NZ, PL, RO, RU, SG, SI, SK, SL, TJ, TM, TR, TT, TZ, UA, US, UZ, VN, YU, ZA, 欧州特許 (AT, BE, CH, CY, DE, DK, ES, FI, FR, GB, GR, IE, IT, LU, MC, NL, PT, SE), OAPI特許 (BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, GW, ML, MR, NE, SN, TD, TG), ARIPO特許 (GH, GM, KE, LS, MW, SD, SL, SZ, TZ, UG, ZW), ユーラシア特許 (AM, AZ, BY, KG, KZ, MD, RU, TJ, TM)</p> <p>添付公開書類 国際調査報告書</p>
<p>(54) Title: NOVEL G PROTEIN-COUPLED RECEPTOR PROTEINS AND DNAS THEREOF</p> <p>(54) 発明の名称 新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質およびそのDNA</p> <p>(57) Abstract Rat brain stem vicinity-origin and human fetus-origin G protein-coupled receptor proteins, peptide fragments thereof or salts of the same; nucleic acids encoding the receptor proteins and derivatives thereof, etc. The above G protein-coupled receptor proteins or nucleic acids encoding the same and the derivatives thereof are usable in determining ligands (agonists) to the above G protein-coupled receptor proteins, as preventives and/or remedies for diseases in association with the dysfunction of the G protein-coupled receptor proteins, as gene diagnostics, in screening compounds capable of altering the expression dose of the above receptor proteins or peptide fragments thereof, etc.</p>		

(57)要約

本発明はラット脳幹周辺部由来およびヒト胎児由来のG蛋白質共役型レセプター蛋白質、その部分ペプチドまたはそれらの塩、該レセプター蛋白質をコードする核酸およびその誘導体などに関する。

本発明のラット脳幹周辺部由来およびヒト胎児由来のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはそれをコードする核酸及びその誘導体は、本発明のレセプター蛋白質に対するリガンド（アゴニスト）の決定、本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質の機能不全に関連する疾患の予防および／または治療剤、遺伝子診断剤、本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの発現量を変化させる化合物のスクリーニング方法などに用いることができる。

PCTに基づいて公開される国際出願のパンフレット第一頁に掲載されたPCT加盟国を同定するために使用されるコード(参考情報)

AE	アラブ首長国連邦	DM	ドミニカ	KZ	カザフスタン	RU	ロシア
AL	アルバニア	EE	エストニア	LC	セントルシア	SD	スーダン
AM	アルメニア	ES	スペイン	LI	リヒテンシュタイン	SE	スウェーデン
AT	オーストリア	FI	フィンランド	LK	スリ・ランカ	SG	シンガポール
AU	オーストラリア	FR	フランス	LR	リベリア	SI	スロヴェニア
AZ	アゼルバイジャン	GA	ガボン	LS	レソト	SK	スロヴァキア
BA	ボスニア・ヘルツェゴビナ	GB	英国	LT	リトアニア	SL	シエラ・レオネ
BB	バルバドス	GD	グレナダ	LU	ルクセンブルグ	SN	セネガル
BE	ベルギー	GE	グルジア	LV	ラトヴィア	SZ	スワジランド
BF	ブルキナ・ファソ	GH	ガーナ	MA	モロッコ	TD	チャード
BG	ブルガリア	GN	ガンビア	MC	モナコ	TG	トーゴ
BJ	ベナン	CN	ギニア	MD	モルドヴァ	TJ	タジキスタン
BR	ブラジル	GW	ギニア・ビサウ	MG	マダガスカル	TZ	タンザニア
BY	ベラルーシ	GR	ギリシャ	MK	マケドニア旧ユーゴスラヴィア	TM	トルクメニスタン
CA	カナダ	HR	クロアチア		共和国	TR	トルコ
CF	中央アフリカ	HU	ハンガリー	ML	マリ	TT	トリニダード・トバゴ
CG	コンゴ	ID	インドネシア	MN	モンゴル	UA	ウクライナ
CH	スイス	IE	アイルランド	MR	モリタニア	UG	ウガンダ
CI	コートジボワール	IL	イスラエル	MW	マラウイ	US	米国
CM	カメルーン	IN	インド	MX	メキシコ	UZ	ウズベキスタン
CN	中国	IS	アイスランド	NE	ニジェール	VN	ヴェトナム
CR	コスタ・リカ	IT	イタリア	NL	オランダ	YU	ユーゴスラビア
CU	キューバ	JP	日本	NO	ノルウェー	ZA	南アフリカ共和国
CY	キプロス	KE	ケニア	NZ	ニュージーランド	ZW	ジンバブエ
CZ	チェッコ	KG	キルギスタン	PL	ポーランド		
DE	ドイツ	KP	北朝鮮	PT	ポルトガル		
DK	デンマーク	KR	韓国	RO	ルーマニア		

明細書

新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質およびそのDNA

5 技術分野

本発明は、ラット脳幹周辺部由来およびヒト胎児由来の新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩およびそれをコードするDNAに関する。

背景技術

- 10 多くのホルモンや神経伝達物質などの生理活性物質は、細胞膜に存在する特異的なレセプター蛋白質を通じて生体の機能を調節している。これらのレセプター蛋白質のうち多くは共役しているguanine nucleotide-binding protein（以下、G蛋白質と略称する場合がある）の活性化を通じて細胞内のシグナル伝達を行ない、また7個の膜貫通領域を有する共通した構造をもっていることから、
- 15 G蛋白質共役型レセプター蛋白質あるいは7回膜貫通型レセプター蛋白質（7TMR）と総称される。

- G蛋白質共役型レセプター蛋白質は生体の細胞や臓器の各機能細胞表面に存在し、それら細胞や臓器の機能を調節する分子、例えばホルモン、神経伝達物質および生理活性物質等の標的として生理的に重要な役割を担っている。レセ
- 20 プターは生理活性物質との結合を介してシグナルを細胞内に伝達し、このシグナルにより細胞の賦活や抑制といった種々の反応が惹起される。

- 各種生体の細胞や臓器の内の複雑な機能を調節する物質と、その特異的レセプター蛋白質、特にG蛋白質共役型レセプター蛋白質との関係を明らかにすることは、各種生体の細胞や臓器の機能を解明し、それら機能と密接に関連した医薬品開発に非常に重要な手段を提供することとなる。
- 25

例えば、生体の種々の器官では、多くのホルモン、ホルモン様物質、神経伝達物質あるいは生理活性物質による調節のもとで生理的な機能の調節が行なわれている。特に、生理活性物質は生体内の様々な部位に存在し、それぞれに対応するレセプター蛋白質を通してその生理機能の調節を行っている。生体内に

は未だ未知のホルモンや神経伝達物質その他の生理活性物質も多く、それらのレセプター蛋白質の構造に関しても、これまで報告されていないものが多い。さらに、既知のレセプター蛋白質においてもサブタイプが存在するかどうかについて分かっていないものが多い。

- 5 生体における複雑な機能を調節する物質と、その特異的レセプター蛋白質との関係を明らかにすることは、医薬品開発に非常に重要な手段である。また、レセプター蛋白質に対するアゴニスト、アンタゴニストを効率よくスクリーニングし、医薬品を開発するためには、生体内で発現しているレセプター蛋白質の遺伝子の機能を解明し、それらを適当な発現系で発現させることが必要であ
- 10 った。

- 近年、生体内で発現している遺伝子を解析する手段として、cDNAの配列をランダムに解析する研究が活発に行なわれており、このようにして得られたcDNAの断片配列がExpressed Sequence Tag (EST) としてデータベースに登録され、公開されている。しかし、多くのESTは配列情報のみであり、
- 15 その機能を推定することは困難である。

- 従来、G蛋白質共役型レセプターと生理活性物質（即ち、リガンド）との結合を阻害する物質や、結合して生理活性物質（即ち、リガンド）と同様なシグナル伝達を引き起こす物質は、これらレセプターの特異的なアンタゴニストまたはアゴニストとして、生体機能を調節する医薬品として活用されてきた。従
- 20 って、このように生体内での生理発現において重要であるばかりでなく、医薬品開発の標的ともなりうるG蛋白質共役型レセプター蛋白質を新規に見出し、その遺伝子（例えばcDNA）をクローニングすることは、新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質の特異的リガンドや、アゴニスト、アンタゴニストを見出す際に、非常に重要な手段となる。

- 25 しかし、G蛋白質共役型レセプターはその全てが見出されているわけではなく、現時点でもなお、未知のG蛋白質共役型レセプター、また対応するリガンドが同定されていない、いわゆるオーファンレセプターが多数存在しており、新たなG蛋白質共役型レセプターの探索および機能解明が切望されている。

G蛋白質共役型レセプターは、そのシグナル伝達作用を指標とする、新たな

生理活性物質（即ち、リガンド）の探索、また該レセプターに対するアゴニストまたはアンタゴニスト）の探索に有用である。一方、生理的なリガンドが見出されなくても、該レセプターの不活化実験（ノックアウト動物）から該レセプターの生理作用を解析することにより、該レセプターに対するアゴニストまたはアンタゴニストを作製することも可能である。これら該レセプターに対するリガンド、アゴニストまたはアンタゴニストなどは、G蛋白質共役型レセプターの機能不全に関連する疾患の予防／治療薬や診断薬として活用することが期待できる。

さらにまた、G蛋白質共役型レセプターの遺伝子変異に基づく、生体での該レセプターの機能の低下または昂進が、何らかの疾患の原因となっている場合も多い。この場合には、該レセプターに対するアンタゴニストやアゴニストの投与だけでなく、該レセプター遺伝子の生体内（またはある特定の臓器）への導入や、該レセプター遺伝子に対するアンチセンス核酸の導入による、遺伝子治療に応用することもできる。この場合には該レセプターの塩基配列は遺伝子上の欠失や変異の有無を調べるために必要不可欠な情報であり、該レセプターの遺伝子は、該レセプターの機能不全に関連する疾患の予防／治療薬や診断薬に応用することもできる。

発明の開示

本発明は、上記のように有用な新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質を提供するものである。即ち、新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩、該G蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその部分ペプチドをコードするポリヌクレオチド（DNA、RNAおよびそれらの誘導体）を含有するポリヌクレオチド（DNA、RNAおよびそれらの誘導体）、該ポリヌクレオチドを含有する組換えベクター、該組換えベクターを保持する形質転換体、該G蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩の製造法、該G蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩に対する抗体、該G蛋白質共役型レセプター蛋白質の発現量を変化させる化合物、該G蛋白質共役型レセプターに対するリガンドの決定方法、リガンドと該G蛋白

質共役型レセプター蛋白質との結合性を変化させる化合物（アンタゴニスト、アゴニスト）またはその塩のスクリーニング方法、該スクリーニング用キット、該スクリーニング方法もしくはスクリーニングキットを用いて得られうるリガンドと該G蛋白質共役型レセプター蛋白質との結合性を変化させる化合物（アンタゴニスト、アゴニスト）またはその塩、およびリガンドと該G蛋白質共役型レセプター蛋白質との結合性を変化させる化合物（アンタゴニスト、アゴニスト）もしくは該G蛋白質共役型レセプター蛋白質の発現量を変化させる化合物またはその塩を含有してなる医薬などを提供する。

本発明者らは、鋭意研究を重ねた結果、degenerated PCR法によって作成したEST情報に基づいて、ラット脳幹周辺部およびヒト胎児由来の新規なG蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードするcDNAを単離し、その全塩基配列を解析することに成功した。そして、この塩基配列をアミノ酸配列に翻訳したところ、第1～第7膜貫通領域が疎水性プロット上で確認され、これらのcDNAにコードされる蛋白質が7回膜貫通型のG蛋白質共役型レセプター蛋白質であることを確認した。本発明者らは、これらの知見に基づいて、さらに研究を重ねた結果、本発明を完成するに至った。

すなわち、本発明は、

(1) 配列番号：1で表わされるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有することを特徴とするG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩、

(2) 配列番号：1で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列が配列番号：2または配列番号：7で表わされるアミノ酸配列である上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩、

(3) 上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質の部分ペプチドまたはその塩、

(4) 上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードする塩基配列を有するポリヌクレオチドを含有するポリヌクレオチド、

(5) DNAである上記(4)記載のポリヌクレオチド、

(6) 配列番号：3、配列番号：4または配列番号：8で表される塩基配列を

- 有する上記（４）記載のポリヌクレオチド、
- （７）上記（４）記載のポリヌクレオチドを含有する組換えベクター、
- （８）上記（７）記載の組換えベクターで形質転換させた形質転換体、
- （９）上記（８）記載の形質転換体を培養し、上記（１）記載のG蛋白質共役
- 5 型レセプター蛋白質を生成せしめることを特徴とする上記（１）記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩の製造法、
- （１０）上記（１）記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは上記（３）記載の部分ペプチドまたはその塩に対する抗体、
- （１１）上記（１）記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質のシグナル伝達を
- 10 不活性化する中和抗体である上記（１０）記載の抗体、
- （１２）上記（１０）記載の抗体を含有してなる診断薬、
- （１３）上記（１）記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは上記（３）記載の部分ペプチドまたはその塩を用いることにより得られうる上記（１）記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩に対するリガンド、
- 15 （１４）上記（１３）記載のG蛋白質共役型レセプターのリガンドを含有してなる医薬、
- （１５）上記（１）記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは上記（３）記載の部分ペプチドまたはその塩を用いることを特徴とする、上記（１）記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩に対するリガンドの決定方法、
- 20 （１６）上記（１）記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは上記（３）記載の部分ペプチドまたはその塩を用いることを特徴とする、リガンドと上記（１）記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、
- （１７）上記（１）記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは上記（３）
- 25 記載の部分ペプチドまたはその塩を含有することを特徴とする、リガンドと上記（１）記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング用キット、
- （１８）上記（１６）記載のスクリーニング方法または上記（１７）記載のスクリーニング用キットを用いて得られうる、リガンドと上記（１）記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を決定する方法、

白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を变化させる化合物またはその塩、

(19) 上記(16)記載のスクリーニング方法または上記(17)記載のスクリーニング用キットを用いて得られうる、リガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を变化させる化合物またはその塩を含有してなる医薬、

(20) 上記(4)記載のポリヌクレオチドとハイストリンジェントな条件下でハイブリダイズするポリヌクレオチド、

(21) 上記(4)記載のポリヌクレオチドと相補的な塩基配列またはその一部を含有してなるポリヌクレオチド、

(22) 上記(4)記載のポリヌクレオチドまたはその一部を用いることを特徴とする上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質のmRNAの定量方法、

(23) 上記(10)記載の抗体を用いることを特徴とする上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質の定量方法、

(24) 上記(22)または上記(23)記載の定量方法を用いることを特徴とする上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプターの機能が関連する疾患の診断剤、

(25) 上記(22)記載の定量方法を用いることを特徴とする、上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質の発現量を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、

(26) 上記(23)記載の定量方法を用いることを特徴とする、細胞膜における上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質量を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、

(27) 上記(25)記載のスクリーニング方法を用いて得られうる、上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質の発現量を変化させる化合物またはその塩、

(28) 上記(26)記載のスクリーニング方法を用いて得られうる、細胞膜における上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質量を変化させる化

合物またはその塩に関する。

さらには、

(29) 蛋白質が、①配列番号：1で表わされるアミノ酸配列、配列番号：1
で表わされるアミノ酸配列中の1または2個以上（好ましくは、1～30個程
5 度、より好ましくは1～9個程度、さらに好ましくは数個（1～5個））のア
ミノ酸が欠失したアミノ酸配列、②配列番号：1で表わされるアミノ酸配列に
1または2個以上（好ましくは、1～30個程度、より好ましくは1～10個
程度、さらに好ましくは数個（1～5個））のアミノ酸が付加したアミノ酸配
列、③配列番号：1で表わされるアミノ酸配列中の1または2個以上（好まし
10 くは、1～30個程度、より好ましくは1～10個程度、さらに好ましくは数
個（1～5個））のアミノ酸が他のアミノ酸で置換されたアミノ酸配列、また
は④それらを組み合わせたアミノ酸配列を含有する蛋白質である上記（1）記
載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩、

(30) 上記（1）記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくはその塩ま
15 たは上記（3）記載の部分ペプチドもしくはその塩と、試験化合物とを接触さ
せることを特徴とする上記（15）記載のリガンドの決定方法、

(31) リガンドが例えばアンギオテンシン、ボンベシン、カナビノイド、コ
レシストキニン、グルタミン、セロトニン、メラトニン、ニューロペプチドY、
オピオイド、プリン、バソプレッシン、オキシトシン、PACAP、セクレチ
20 ン、グルカゴン、カルシトニン、アドレノメジュリン、ソマトスタチン、GH
RH、CRF、ACTH、GRP、PTH、VIP（バソアクティブ インテ
スティナル ポリペプチド）、ソマトスタチン、ドーパミン、モチリン、アミ
リン、ブラジキニン、CGRP（カルシトニンジーンリレーティッドペプチド）、
ロイコトリエン、パンクレアスタチン、プロスタグランジン、トロンボキサン、
25 アデノシン、アドレナリン、 α および β -ケモカイン（chemokine）（例えば、
IL-8、GRO α 、GRO β 、GRO γ 、NAP-2、ENA-78、PF
4、IP10、GCP-2、MCP-1、HC14、MCP-3、I-309、
MIP1 α 、MIP-1 β 、RANTESなど）、エンドセリン、エンテログ
アストリン、ヒスタミン、ニューロテンシン、TRH、パンクレアティックポリ

ペプチドまたはガラニンである上記（30）記載のリガンドの決定方法、

（32）（i）上記（1）記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくはその塩または上記（3）記載の部分ペプチドもしくはその塩と、リガンドとを接触させた場合と、（ii）上記（1）記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくはその塩または上記（3）記載の部分ペプチドもしくはその塩と、リガンドおよび試験化合物とを接触させた場合との比較を行なうことを特徴とする上記（16）記載のスクリーニング方法、

（33）（i）標識したリガンドを上記（1）記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくはその塩または上記（3）記載の部分ペプチドもしくはその塩に接触させた場合と、（ii）標識したリガンドおよび試験化合物を上記（1）記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくはその塩または上記（3）記載の部分ペプチドもしくはその塩に接触させた場合における、標識したリガンドの上記（1）記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくはその塩または上記（3）記載の部分ペプチドもしくはその塩に対する結合量を測定し、比較することを特徴とするリガンドと上記（1）記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、

（34）（i）標識したリガンドを上記（1）記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質を含有する細胞に接触させた場合と、（ii）標識したリガンドおよび試験化合物を上記（1）記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質を含有する細胞に接触させた場合における、標識したリガンドの該細胞に対する結合量を測定し、比較することを特徴とするリガンドと上記（1）記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、

（35）（i）標識したリガンドを上記（1）記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質を含有する細胞の膜画分に接触させた場合と、（ii）標識したリガンドおよび試験化合物を上記（1）記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質を含有する細胞の膜画分に接触させた場合における、標識したリガンドの該細胞の膜画分に対する結合量を測定し、比較することを特徴とするリガンドと上記

(1) 記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、

(36) (i) 標識したリガンドを上記(8)記載の形質転換体を培養することによって該形質転換体の細胞膜に発現したG蛋白質共役型レセプター蛋白質に接触させた場合と、(ii) 標識したリガンドおよび試験化合物を上記(8)記載の形質転換体を培養することによって該形質転換体の細胞膜に発現したG蛋白質共役型レセプター蛋白質に接触させた場合における、標識したリガンドの該G蛋白質共役型レセプター蛋白質に対する結合量を測定し、比較することを特徴とするリガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、

(37) (i) 上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩を活性化する化合物を上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質を含有する細胞に接触させた場合と、(ii) 上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩を活性化する化合物および試験化合物を上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質を含有する細胞に接触させた場合における、G蛋白質共役型レセプター蛋白質を介した細胞刺激活性を測定し、比較することを特徴とするリガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、

(38) 上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩を活性化する化合物を上記(8)記載の形質転換体を培養することによって該形質転換体の細胞膜に発現したG蛋白質共役型レセプター蛋白質に接触させた場合と、上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩を活性化する化合物および試験化合物を上記(8)記載の形質転換体を培養することによって該形質転換体の細胞膜に発現したG蛋白質共役型レセプター蛋白質に接触させた場合における、G蛋白質共役型レセプター蛋白質を介する細胞刺激活性を測定し、比較することを特徴とするリガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、

- (39) 上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質を活性化する化合物が、アシギオテンシン、ボンベシン、カナビノイド、コレシストキニン、グルタミン、セロトニン、メラトニン、ニューロペプチドY、オピオイド、プリン、バソプレッシン、オキシトシン、PACAP、セクレチン、グルカゴン、
- 5 カルシトニン、アドレノメジュリン、ソマトスタチン、GHRH、CRF、ACTH、GRP、PTH、VIP (バソアクティブ インテスティナル ポリペプチド)、ソマトスタチン、ドーパミン、モチリン、アミリン、ブラジキニン、CGRP (カルシトニンジーンリレーティッドペプチド)、ロイコトリエン、パンクレアスタチン、プロスタグランジン、トロンボキサン、アデノシン、
- 10 アドレナリン、 α および β -ケモカイン (chemokine) (例えば、IL-8、GRO α 、GRO β 、GRO γ 、NAP-2、ENA-78、PF4、IP10、GCP-2、MCP-1、HC14、MCP-3、I-309、MIP1 α 、MIP-1 β 、RANTESなど)、エンドセリン、エンテログastrin、ヒスタミン、ニューロテンシン、TRH、パンクレアティックポリペプチドまたはガラニンである上記(37)または(38)記載のスクリーニング方法、
- 15 (40) 上記(32)～(39)記載のスクリーニング方法で得られうる、リガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩、
- (41) 上記(32)～上記(39)記載のスクリーニング方法で得られうる、
- 20 リガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩を含有することを特徴とする医薬、
- (42) 上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質を含有する細胞を含有することを特徴とする上記(17)記載のスクリーニング用キット、
- (43) 上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質を含有する細胞の
- 25 膜画分を含有することを特徴とする上記(17)記載のスクリーニング用キット、
- (44) 上記(8)記載の形質転換体を培養することによって該形質転換体の細胞膜に発現したG蛋白質共役型レセプター蛋白質を含有することを特徴とする上記(17)記載のスクリーニング用キット、

(45) 上記(42)～(44)記載のスクリーニング用キットを用いて得られる、リガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩、

5 (46) 上記(42)～(44)記載のスクリーニング用キットを用いて得られる、リガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩を含有することを特徴とする医薬、

(47) 上記(10)記載の抗体と、上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは上記(3)記載の部分ペプチドまたはその塩とを接触させることを特徴とする上記(1)のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは上記(3)記載の部分ペプチドまたはその塩の定量法、

(48) 上記(10)記載の抗体と、被検液および標識化された上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは上記(3)記載の部分ペプチドまたはその塩とを競合的に反応させ、該抗体に結合した標識化された上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは上記(3)記載の部分ペプチドまたはその塩の割合を測定することを特徴とする被検液中の上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは上記(3)記載の部分ペプチドまたはその塩の定量法、および

20 (49) 被検液と担体上に不溶化した上記(10)記載の抗体および標識化された上記(10)記載の抗体とを同時あるいは連続的に反応させたのち、不溶化担体上の標識剤の活性を測定することを特徴とする被検液中の上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは上記(3)記載の部分ペプチドまたはその塩の定量法などを提供する。

25 図面の簡単な説明

図1は実施例1で得られた本発明のラット脳幹周辺部由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質 rOT7T009CをコードするDNAの塩基配列、およびそれから推定されるアミノ酸配列を示す(図2に続く)。

図2は実施例1で得られた本発明のラット脳幹周辺部由来G蛋白質共役型レ

セプター蛋白質 rOT7T009C をコードする DNA の塩基配列、およびそれから推定されるアミノ酸配列を示す（図 1 の続き、図 3 に続く）。

図 3 は実施例 1 で得られた本発明のラット脳幹周辺部由来 G 蛋白質共役型レセプター蛋白質 rOT7T009C をコードする DNA の塩基配列、およびそれ
5 5 から推定されるアミノ酸配列を示す（図 2 の続き、図 4 に続く）。

図 4 は実施例 1 で得られた本発明のラット脳幹周辺部由来 G 蛋白質共役型レセプター蛋白質 rOT7T009C をコードする DNA の塩基配列、およびそれから推定されるアミノ酸配列を示す（図 3 の続き）。

図 5 は実施例 1 で得られた本発明のラット脳幹周辺部由来 G 蛋白質共役型レセプター蛋白質 rOT7T009T をコードする DNA の塩基配列、およびそれ
10 10 から推定されるアミノ酸配列を示す（図 6 に続く）。

図 6 は実施例 1 で得られた本発明のラット脳幹周辺部由来 G 蛋白質共役型レセプター蛋白質 rOT7T009T をコードする DNA の塩基配列、およびそれから推定されるアミノ酸配列を示す（図 5 の続き、図 7 に続く）。

図 7 は実施例 1 で得られた本発明のラット脳幹周辺部由来 G 蛋白質共役型レセプター蛋白質 rOT7T009T をコードする DNA の塩基配列、およびそれ
15 15 から推定されるアミノ酸配列を示す（図 6 の続き、図 8 に続く）。

図 8 は実施例 1 で得られた本発明のラット脳幹周辺部由来 G 蛋白質共役型レセプター蛋白質 rOT7T009T をコードする DNA の塩基配列、およびそれ
20 20 から推定されるアミノ酸配列を示す（図 7 の続き）。

図 9 は図 1 ～図 8 に示したアミノ酸配列をもとに作成した、本発明のラット脳幹周辺部由来 G 蛋白質共役型レセプター蛋白質 rOT7T009C および rOT7T009T の疎水性プロットを示す。

図 10 は実施例 2 で得られた本発明のヒト胎児由来新規 G 蛋白質共役型レセプター蛋白質 hOT7T009 をコードする DNA の塩基配列、およびそれ
25 25 から推定されるアミノ酸配列を示す（図 11 に続く）。

図 11 は実施例 2 で得られた本発明のヒト胎児由来新規 G 蛋白質共役型レセプター蛋白質 hOT7T009 をコードする DNA の塩基配列、およびそれから推定されるアミノ酸配列を示す（図 10 の続き、図 12 に続く）。

図12は実施例2で得られた本発明のヒト胎児由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質hOT7T009をコードするDNAの塩基配列、およびそれから推定されるアミノ酸配列を示す(図11の続き)。

図13は図10～図12に示したアミノ酸配列をもとに作成した、本発明の
5 ヒト胎児由来G蛋白質共役型レセプター蛋白質hOT7T009の疎水性プロットを示す。

発明の実施をするための最良の形態

本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質(以下、レセプター蛋白質と略記
10 する場合がある)は、配列番号:1で表わされるアミノ酸配列(図1～図4中のアミノ酸配列)と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列(例えば、配列番号:2で表わされるアミノ酸配列(図5～図8中のアミノ酸配列)または配列番号:7で表わされるアミノ酸配列(図10～図12中のアミノ酸配列)等)を含有するレセプター蛋白質である。

15 本発明のレセプター蛋白質は、例えば、ヒトや哺乳動物(例えば、モルモット、ラット、マウス、ウサギ、ブタ、ヒツジ、ウシ、サルなど)のあらゆる細胞(例えば、脾細胞、神経細胞、グリア細胞、膵臓β細胞、骨髄細胞、メサングウム細胞、ランゲルハンス細胞、表皮細胞、上皮細胞、内皮細胞、繊維芽細胞、繊維細胞、筋細胞、脂肪細胞、免疫細胞(例、マクロファージ、T細胞、
20 B細胞、ナチュラルキラー細胞、肥満細胞、好中球、好塩基球、好酸球、単球)、巨核球、滑膜細胞、軟骨細胞、骨細胞、骨芽細胞、破骨細胞、乳腺細胞、肝細胞もしくは間質細胞、またはこれら細胞の前駆細胞、幹細胞もしくはガン細胞など)や血球系の細胞、またはそれらの細胞が存在するあらゆる組織、例えば、
25 脳、脳の各部位(例、嗅球、扁桃核、大脳基底核、海馬、視床、視床下部、視床下核、大脳皮質、延髄、小脳、後頭葉、前頭葉、側頭葉、被殻、尾状核、脳染、黒質)、脊髓、下垂体、胃、膵臓、腎臓、肝臓、生殖腺、甲状腺、胆のう、骨髄、副腎、皮膚、筋肉、肺、消化管(例、大腸、小腸)、血管、心臓、胸腺、脾臓、顎下腺、末梢血、末梢血球、前立腺、睾丸、精巣、卵巣、胎盤、子宮、骨、関節、骨格筋など(特に、脳や脳の各部位)に由来するタンパク質であっ

てもよく、また合成タンパク質であってもよい。

配列番号：1で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列としては、例えば、配列番号：1で表わされるアミノ酸配列と約50%以上、好ましくは約70%以上、より好ましくは約80%以上、さらに好ましくは約90%
5 以上、最も好ましくは約95%以上の相同性を有するアミノ酸配列などが挙げられ、具体的には、配列番号：2または配列番号：7で表されるアミノ酸配列などがあげられる。

本発明の配列番号：1で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を含有するタンパク質としては、例えば、配列番号：1で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を有し、配列番号：1で表わされるアミノ酸配列と実質的に同質の活性を有するタンパク質などが好ましい。
10

実質的に同質の活性としては、例えば、リガンド結合活性、シグナル情報伝達作用などが挙げられる。実質的に同質とは、それらの活性が性質的に同質であることを示す。したがって、リガンド結合活性やシグナル情報伝達作用などの活性が同等（例、約0.01～100倍、好ましくは約0.5～20倍、より好ましくは約0.5～2倍）であることが好ましいが、これらの活性の程度やタンパク質の分子量などの量的要素は異なってもよい。
15

リガンド結合活性やシグナル情報伝達作用などの活性の測定は、自体公知の方法に準じて行なうことができるが、例えば、後述するリガンドの決定方法やスクリーニング方法に従って測定することができる。
20

また、本発明のレセプター蛋白質としては、①配列番号：1で表わされるアミノ酸配列中の1または2個以上（好ましくは、1～30個程度、より好ましくは1～10個程度、さらに好ましくは数個（1～5個））のアミノ酸が欠失したアミノ酸配列、②配列番号：1で表わされるアミノ酸配列に1または2個
25 以上（好ましくは、1～30個程度、より好ましくは1～10個程度、さらに好ましくは数個（1～5個））のアミノ酸が付加したアミノ酸配列、③配列番号：1で表わされるアミノ酸配列中の1または2個以上（好ましくは、1～30個程度、より好ましくは1～10個程度、さらに好ましくは数個（1～5個））のアミノ酸が他のアミノ酸で置換されたアミノ酸配列、または④それらを組み

合わせたアミノ酸配列を含有する蛋白質なども用いられる。

本明細書におけるレセプター蛋白質は、ペプチド標記の慣例に従って左端がN末端（アミノ末端）、右端がC末端（カルボキシル末端）である。配列番号：1で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質をはじめとする、本
5 発明のレセプタータンパク質は、C末端が通常カルボキシル基（ $-\text{COOH}$ ）またはカルボキシレート（ $-\text{COO}^-$ ）であるが、C末端がアミド（ $-\text{CONH}_2$ ）またはエステル（ $-\text{COOR}$ ）であってもよい。

ここでエステルにおけるRとしては、例えば、メチル、エチル、 n -プロピル、イソプロピルもしくは n -ブチルなどの C_{1-6} アルキル基、例えば、シクロ
10 ベンチル、シクロヘキシルなどの C_{3-8} シクロアルキル基、例えば、フェニル、 α -ナフチルなどの C_{6-12} アリール基、例えば、ベンジル、フェネチルなどのフェニル- C_{1-2} アルキル基もしくは α -ナフチルメチルなどの α -ナフチル- C_{1-2} アルキル基などの C_{7-14} アラルキル基のほか、経口用エステルとして汎用されるピバロイルオキシメチル基などが用いられる。

15 本発明のレセプター蛋白質がC末端以外にカルボキシル基（またはカルボキシレート）を有している場合、カルボキシル基がアミド化またはエステル化されているものも本発明のレセプター蛋白質に含まれる。この場合のエステルとしては、例えば上記したC末端のエステルなどが用いられる。

さらに、本発明のレセプタータンパク質には、上記したタンパク質において、
20 N末端のメチオニン残基のアミノ基が保護基（例えば、ホルミル基、アセチルなどの C_{2-6} アルカノイル基などの C_{1-6} アシル基など）で保護されているもの、N端側が生体内で切断され生成したグルタミル基がピログルタミン酸化したもの、分子内のアミノ酸の側鎖上の置換基（例えば、 $-\text{OH}$ 、 $-\text{SH}$ 、アミノ基、イミダゾール基、インドール基、グアニジノ基など）が適当な保護基（例えば、
25 ホルミル基、アセチルなどの C_{2-6} アルカノイル基などの C_{1-6} アシル基など）で保護されているもの、あるいは糖鎖が結合したいわゆる糖タンパク質などの複合タンパク質なども含まれる。

本発明のレセプター蛋白質の具体例としては、例えば、配列番号：1で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質、配列番号：2で表わされる

アミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質、配列番号：7で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質などが用いられる。

本発明のレセプター蛋白質の部分ペプチド（以下、部分ペプチドと略記する場合がある）としては、前記した本発明のレセプター蛋白質の部分ペプチドであ
5 れば何れのものであってもよいが、例えば、本発明のレセプター蛋白質分子のうち、細胞膜の外に露出している部位であって、レセプター結合活性を有するものなどが用いられる。

具体的には、配列番号：1で表わされるアミノ酸配列を有するレセプター蛋白質の部分ペプチドとしては、図9で示される疎水性プロット解析において細胞外領域（親水性、(Hydrophilic) 部位）であると分析された部分を含むペプチ
10 ドである。また、疎水性 (Hydrophobic) 部位を一部に含むペプチドも同様に用いることができる。個々のドメインを個別に含むペプチドも用い得るが、複数のドメインを同時に含む部分のペプチドでも良い。

本発明の部分ペプチドのアミノ酸の数は、前記した本発明のレセプター蛋白質の構成アミノ酸配列のうち少なくとも20個以上、好ましくは50個以上、
15 より好ましくは100個以上のアミノ酸配列を有するペプチドなどが好ましい。

実質的に同一のアミノ酸配列とは、これらアミノ酸配列と約50%以上、好ましくは約70%以上、より好ましくは約80%以上、さらに好ましくは約90%以上、最も好ましくは約95%以上の相同性を有するアミノ酸配列を示す。
20 ここで、「実質的に同質の活性」とは、前記と同意義を示す。「実質的に同質の活性」の測定は前記と同様に行なうことができる。

また、本発明の部分ペプチドは、上記アミノ酸配列中の1または2個以上（好ましくは、1～10個程度、さらに好ましくは数個（1～5個））のアミノ酸が欠失し、または、そのアミノ酸配列に1または2個以上（好ましくは、1～
25 20個程度、より好ましくは1～10個程度、さらに好ましくは数個（1～5個））のアミノ酸が付加し、または、そのアミノ酸配列中の1または2個以上（好ましくは、1～10個程度、より好ましくは数個、さらに好ましくは1～5個程度）のアミノ酸が他のアミノ酸で置換されていてもよい。

また、本発明の部分ペプチドはC末端が通常カルボキシル基（-COOH）

またはカルボキシレート ($-\text{COO}^-$) であるが、前記した本発明のタンパク質のごとく、C末端がアミド ($-\text{CONH}_2$) またはエステル ($-\text{COOR}$) であってもよい。

- さらに、本発明の部分ペプチドには、前記した本発明のレセプター蛋白質と同様に、N末端のメチオニン残基のアミノ基が保護基で保護されているもの、
- 5 N端側が生体内で切断され生成したGlnがピログルタミン酸化したもの、分子内のアミノ酸の側鎖上の置換基が適当な保護基で保護されているもの、あるいは糖鎖が結合したいわゆる糖ペプチドなどの複合ペプチドなども含まれる。

- また、本発明の部分ペプチドはC末端が通常カルボキシル基 ($-\text{COOH}$)
- 10 またはカルボキシレート ($-\text{COO}^-$) であるが、前記した本発明のタンパク質のごとく、C末端がアミド ($-\text{CONH}_2$) またはエステル ($-\text{COOR}$) であってもよい。

- 本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの塩としては、酸または塩基との生理学的に許容される塩が挙げられ、とりわけ生理学的に許容される
- 15 酸付加塩が好ましい。この様な塩としては、例えば無機酸（例えば、塩酸、リン酸、臭化水素酸、硫酸）との塩、あるいは有機酸（例えば、酢酸、ギ酸、プロピオン酸、フマル酸、マレイン酸、コハク酸、酒石酸、クエン酸、リンゴ酸、蔞酸、安息香酸、メタンスルホン酸、ベンゼンスルホン酸）との塩などが用いられる。

- 20 本発明のレセプター蛋白質またはその塩は、前述したヒトや哺乳動物の細胞または組織から自体公知のレセプター蛋白質の精製方法によって製造することもできるし、後述する本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAを含有する形質転換体を培養することによっても製造することができる。また、後述のタンパク質合成法またはこれに準じて製造することもできる。

- 25 ヒトや哺乳動物の組織または細胞から製造する場合、ヒトや哺乳動物の組織または細胞をホモジナイズした後、酸などで抽出を行ない、該抽出液を逆相クロマトグラフィー、イオン交換クロマトグラフィーなどのクロマトグラフィーを組み合わせることにより精製単離することができる。

本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩またはそ

のアミド体の合成には、通常市販のタンパク質合成用樹脂を用いることができる。そのような樹脂としては、例えば、クロロメチル樹脂、ヒドロキシメチル樹脂、ベンズヒドリルアミン樹脂、アミノメチル樹脂、4-ベンジルオキシベンジルアルコール樹脂、4-メチルベンズヒドリルアミン樹脂、PAM樹脂、4-ヒドロキシメチルメチルフェニルアセトアミドメチル樹脂、ポリアクリルアミド樹脂、4-(2',4'-ジメトキシフェニル-ヒドロキシメチル)フェノキシ樹脂、4-(2',4'-ジメトキシフェニル-Fmocアミノエチル)フェノキシ樹脂などを挙げるができる。このような樹脂を用い、 α -アミノ基と側鎖官能基を適当に保護したアミノ酸を、目的とするタンパク質の配列通りに、自体公知の各種縮合方法に従い、樹脂上で縮合させる。反応の最後に樹脂からタンパク質を切り出すと同時に各種保護基を除去し、さらに高希釈溶液中で分子内ジスルフィド結合形成反応を実施し、目的のタンパク質またはそのアミド体を取得する。

上記した保護アミノ酸の縮合に関しては、タンパク質合成に使用できる各種活性化試薬を用いることができるが、特に、カルボジイミド類がよい。カルボジイミド類としては、DCC、N,N'-ジイソプロピルカルボジイミド、N-エチル-N'-(3-ジメチルアミノプロリル)カルボジイミドなどが用いられる。これらによる活性化にはラセミ化抑制添加剤（例えば、HOBt、HOOBt）とともに保護アミノ酸を直接樹脂に添加するかまたは、対称酸無水物またはHOBtエステルあるいはHOOBtエステルとしてあらかじめ保護アミノ酸の活性化を行なった後に樹脂に添加することができる。

保護アミノ酸の活性化や樹脂との縮合に用いられる溶媒としては、タンパク質縮合反応に使用しうることが知られている溶媒から適宜選択されうる。例えば、N,N-ジメチルホルムアミド、N,N-ジメチルアセトアミド、N-メチルピロリドンなどの酸アミド類、塩化メチレン、クロロホルムなどのハロゲン化炭化水素類、トリフルオロエタノールなどのアルコール類、ジメチルスルホキシドなどのスルホキシド類、ピリジン、ジオキサン、テトラヒドロフランなどのエーテル類、アセトニトリル、プロピオニトリルなどのニトリル類、酢酸メチル、酢酸エチルなどのエステル類あるいはこれらの適宜の混合物などが

用いられる。反応温度はタンパク質結合形成反応に使用され得ることが知られている範囲から適宜選択され、通常約 -20°C ～ 50°C の範囲から適宜選択される。活性化されたアミノ酸誘導体は通常1.5～4倍過剰で用いられる。ニンヒドリン反応を用いたテストの結果、縮合が不十分な場合には保護基の脱離を行うことなく縮合反応を繰り返すことにより十分な縮合を行なうことができる。反応を繰り返しても十分な縮合が得られないときには、無水酢酸またはアセチルイミダゾールを用いて未反応アミノ酸をアセチル化することができる。

原料のアミノ基の保護基としては、例えば、Z、Boc、ターシャリーベンチルオキシカルボニル、イソボルニルオキシカルボニル、4-メトキシベンジルオキシカルボニル、Cl-Z、Br-Z、アダマンチルオキシカルボニル、トリフルオロアセチル、フタロイル、ホルミル、2-ニトロフェニルスルフェニル、ジフェニルホスフィノチオイル、Fmocなどが用いられる。

カルボキシ基は、例えば、アルキルエステル化（例えば、メチル、エチル、プロピル、ブチル、ターシャリーブチル、シクロペンチル、シクロヘキシル、シクロヘプチル、シクロオクチル、2-アダマンチルなどの直鎖状、分枝状もしくは環状アルキルエステル化）、アラルキルエステル化（例えば、ベンジルエステル、4-ニトロベンジルエステル、4-メトキシベンジルエステル、4-クロロベンジルエステル、ベンズヒドリルエステル化）、フェナシルエステル化、ベンジルオキシカルボニルヒドラジド化、ターシャリーブトキシカルボニルヒドラジド化、トリチルヒドラジド化などによって保護することができる。

セリンの水酸基は、例えば、エステル化またはエーテル化によって保護することができる。このエステル化に適する基としては、例えば、アセチル基などの低級アルカノイル基、ベンゾイル基などのアロイル基、ベンジルオキシカルボニル基、エトキシカルボニル基などの炭酸から誘導される基などが用いられる。また、エーテル化に適する基としては、例えば、ベンジル基、テトラヒドロピラニル基、t-ブチル基などである。

チロシンのフェノール性水酸基の保護基としては、例えば、Bzl、Cl₂-Bzl、2-ニトロベンジル、Br-Z、ターシャリーブチルなどが用いられる。

ヒスチジンのイミダゾールの保護基としては、例えば、Tos、4-メトキシ-

2, 3, 6-トリメチルベンゼンスルホニル、DNP、ベンジルオキシメチル、Bom、Boc、Trt、Fmocなどが用いられる。

原料のカルボキシル基の活性化されたものとしては、例えば、対応する酸無水物、アジド、活性エステル〔アルコール（例えば、ペンタクロロフェノール、
5 2, 4, 5-トリクロロフェノール、2, 4-ジニトロフェノール、シアノメチルアルコール、パラニトロフェノール、HONB、N-ヒドロキシスクシミド、N-ヒドロキシフタルイミド、HOBt）とのエステル〕などが用いられる。原料のアミノ基の活性化されたものとしては、例えば、対応するリン酸アミドが用いられる。

保護基の除去（脱離）方法としては、例えば、Pd-黒あるいはPd-炭素などの触媒の存在下での水素気流中での接触還元や、また、無水フッ化水素、メタンスルホン酸、トリフルオロメタンスルホン酸、トリフルオロ酢酸あるいはこれらの混合液などによる酸処理や、ジイソプロピルエチルアミン、トリエチルアミン、ピペリジン、ピペラジンなどによる塩基処理、また液体アンモニア中ナトリウムによる還元なども用いられる。上記酸処理による脱離反応は、
15 一般に約 -20°C ～ 40°C の温度で行なわれるが、酸処理においては、例えば、アニソール、フェノール、チオアニソール、メタクレゾール、パラクレゾール、ジメチルスルフィド、1, 4-ブタンジチオール、1, 2-エタンジチオールなどのようなカチオン捕捉剤の添加が有効である。また、ヒスチジンのイミダゾール保護基として用いられる2, 4-ジニトロフェニル基はチオフェノール処理により除
20 去され、トリプトファンのインドール保護基として用いられるホルミル基は上記の1, 2-エタンジチオール、1, 4-ブタンジチオールなどの存在下の酸処理による脱保護以外に、希水酸化ナトリウム溶液、希アンモニアなどによるアルカリ処理によっても除去される。

原料の反応に関与すべきでない官能基の保護ならびに保護基、およびその保護基の脱離、反応に関与する官能基の活性化などは公知の基または公知の手段
25 から適宜選択しうる。

タンパク質のアミド体を得る別の方法としては、例えば、まず、カルボキシ末端アミノ酸の α -カルボキシル基をアミド化して保護した後、アミノ基側にペプチド（タンパク質）鎖を所望の鎖長まで延ばした後、該ペプチド鎖のN末

端の α -アミノ基の保護基のみを除いたタンパク質とC末端のカルボキシル基の保護基のみを除去したタンパク質とを製造し、この両タンパク質を上記したような混合溶媒中で縮合させる。縮合反応の詳細については上記と同様である。縮合により得られた保護タンパク質を精製した後、上記方法によりすべての保護基を除去し、所望の粗タンパク質を得ることができる。この粗タンパク質は既知の各種精製手段を駆使して精製し、主要画分を凍結乾燥することで所望のタンパク質のアミド体を得ることができる。

タンパク質のエステル体を得るには、例えば、カルボキシ末端アミノ酸の α -カルボキシル基を所望のアルコール類と縮合しアミノ酸エステルとした後、タンパク質のアミド体と同様にして、所望のタンパク質のエステル体を得ることができる。

本発明のタンパク質の部分ペプチドまたはその塩は、自体公知のペプチドの合成法に従って、あるいは本発明のタンパク質を適当なペプチダーゼで切断することによって製造することができる。ペプチドの合成法としては、例えば、固相合成法、液相合成法のいずれによっても良い。すなわち、本発明のタンパク質を構成し得る部分ペプチドもしくはアミノ酸と残余部分とを縮合させ、生成物が保護基を有する場合は保護基を脱離することにより目的のペプチドを製造することができる。公知の縮合方法や保護基の脱離としては、例えば、以下の①～⑤に記載された方法が挙げられる。

- ①M. Bodanszky および M. A. Ondetti、ペプチド シンセシス (Peptide Synthesis), Interscience Publishers, New York (1966年)
- ②SchroederおよびLuebke、ザ ペプチド (The Peptide), Academic Press, New York (1965年)
- ③泉屋信夫他、ペプチド合成の基礎と実験、丸善(株) (1975年)
- ④矢島治明 および榊原俊平、生化学実験講座 1、タンパク質の化学IV、205、(1977年)
- ⑤矢島治明監修、続医薬品の開発 第14巻 ペプチド合成 広川書店

また、反応後は通常の前製法、たとえば、溶媒抽出・蒸留・カラムクロマトグラフィー・液体クロマトグラフィー・再結晶などを組み合わせて本発明の部

分ペプチドを精製単離することができる。上記方法で得られる部分ペプチドが遊離体である場合は、公知の方法によって適当な塩に変換することができるし、逆に塩で得られた場合は、公知の方法によって遊離体に変換することができる。

本発明のレセプター蛋白質をコードするポリヌクレオチドとしては、前述した本発明のレセプター蛋白質をコードする塩基配列（DNAまたはRNA、好ましくはDNA）を含有するものであればいかなるものであってもよい。該ポリヌクレオチドとしては、本発明のレセプター蛋白質をコードするDNA、mRNA等のRNAであり、二本鎖であっても、一本鎖であってもよい。二本鎖の場合は、二本鎖DNA、二本鎖RNAまたはDNA：RNAのハイブリッドでもよい。一本鎖の場合は、センス鎖（即ち、コード鎖）であっても、アンチセンス鎖（即ち、非コード鎖）であってもよい。

本発明のレセプター蛋白質をコードするポリヌクレオチドを用いて、例えば、公知の実験医学増刊「新PCRとその応用」15(7)、1997記載の方法またはそれに準じた方法により、本発明のレセプター蛋白質のmRNAを定量することができる。

本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAとしては、ゲノムDNA、ゲノムDNAライブラリー、前記した細胞・組織由来のcDNA、前記した細胞・組織由来のcDNAライブラリー、合成DNAのいずれでもよい。ライブラリーに使用するベクターは、バクテリオファージ、プラスミド、コスミド、ファージミドなどいずれであってもよい。また、前記した細胞・組織よりtotal RNAまたはmRNA画分を調製したものをを用いて直接Reverse Transcriptase Polymerase Chain Reaction（以下、RT-PCR法と略称する）によって増幅することもできる。

具体的には、本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAとしては、例えば、配列番号：3、配列番号：4または配列番号：8で表わされる塩基配列を含有するDNA、または配列番号：3、配列番号：4または配列番号：8で表わされる塩基配列とハイストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を有し、本発明のレセプター蛋白質と実質的に同質の活性（例、リガンド結合活性、シグナル情報伝達作用など）を有するレセプター蛋白質をコードす

るDNAであれば何れのものでもよい。

配列番号：3、配列番号：4または配列番号：8で表わされる塩基配列とハイブリダイズできるDNAとしては、例えば、配列番号：3、配列番号：4または配列番号：8で表わされる塩基配列と約70%以上、好ましくは約80%以上、より好ましくは約90%以上、最も好ましくは約95%以上の相同性を有する塩基配列を含有するDNAなどが用いられる。

ハイブリダイゼーションは、自体公知の方法あるいはそれに準じる方法、例えば、モレキュラー・クローニング (Molecular Cloning) 2nd (J. Sambrook et al., Cold Spring Harbor Lab. Press, 1989) に記載の方法などに従って行なうことができる。また、市販のライブラリーを使用する場合、添付の使用説明書に記載の方法に従って行なうことができる。より好ましくは、ハイストリンジェントな条件に従って行なうことができる。

該ハイストリンジェントな条件とは、例えば、ナトリウム濃度が約19~40mM、好ましくは約19~20mMで、温度が約50~70℃、好ましくは約60~65℃の条件を示す。特に、ナトリウム濃度が約19mMで温度が約65℃の場合が最も好ましい。

より具体的には、配列番号：1で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質をコードするDNAとしては、配列番号：3で表わされる塩基配列を含有するDNAなどが用いられ、配列番号：2で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質をコードするDNAとしては、配列番号：4で表わされる塩基配列を含有するDNAなどが用いられ、配列番号：7で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質をコードするDNAとしては、配列番号：8で表わされる塩基配列を含有するDNAなどが用いられる。

本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAの塩基配列の一部、または該DNAと相補的な塩基配列の一部を含有してなるポリヌクレオチドとは、下記の本発明の部分ペプチドをコードするDNAを包含するだけでなく、RNAをも包含する意味で用いられる。

本発明に従えば、G蛋白質共役型レセプター蛋白質遺伝子の複製又は発現を阻害することのできるアンチセンス・ポリヌクレオチド（核酸）を、クローン

化したあるいは決定されたG蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードするDNAの塩基配列情報に基づき設計し、合成しうる。そうしたポリヌクレオチド(核酸)は、G蛋白質共役型レセプター蛋白質遺伝子のRNAとハイブリダイズすることができ、該RNAの合成又は機能を阻害することができるか、あるいは

5 G蛋白質共役型レセプター蛋白質関連RNAとの相互作用を介してG蛋白質共役型レセプター蛋白質遺伝子の発現を調節・制御することができる。G蛋白質共役型レセプター蛋白質関連RNAの選択された配列に相補的なポリヌクレオチド、及びG蛋白質共役型レセプター蛋白質関連RNAと特異的にハイブリダイズすることができるポリヌクレオチドは、生体内及び生体外でG蛋白質共役

10 型レセプター蛋白質遺伝子の発現を調節・制御するのに有用であり、また病気などの治療又は診断に有用である。用語「対応する」とは、遺伝子を含めたヌクレオチド、塩基配列又は核酸の特定の配列に相同性を有するあるいは相補的であることを意味する。ヌクレオチド、塩基配列又は核酸とペプチド(蛋白質)との間で「対応する」とは、ヌクレオチド(核酸)の配列又はその相補体から

15 誘導される指令にあるペプチド(蛋白質)のアミノ酸を通常指している。G蛋白質共役型レセプター蛋白質遺伝子の5'端ヘアピンループ、5'端6-ベースペア・リピート、5'端非翻訳領域、ポリペプチド翻訳開始コドン、蛋白質コード領域、ORF翻訳開始コドン、3'端非翻訳領域、3'端パリンδροーム領域、及び3'端ヘアピンループは好ましい対象領域として選択しうるが、

20 G蛋白質共役型レセプター蛋白質遺伝子内の如何なる領域も対象として選択しうる。

目的核酸と、対象領域の少なくとも一部に相補的なポリヌクレオチドとの関係は、対象物とハイブリダイズすることができるポリヌクレオチドとの関係は、「アンチセンス」であるということができる。アンチセンス・ポリヌクレオチドは、2-デオキシ-D-リボースを含有しているポリデオキシヌクレオチド、

25 D-リボースを含有しているポリデオキシヌクレオチド、プリン又はピリミジン塩基のN-グリコシドであるその他のタイプのポリヌクレオチド、あるいは非ヌクレオチド骨格を有するその他のポリマー(例えば、市販の蛋白質核酸及び合成配列特異的な核酸ポリマー)又は特殊な結合を含有するその他のポリマ

- ー（但し、該ポリマーはDNAやRNA中に見出されるような塩基のペアリングや塩基の付着を許容する配置をもつヌクレオチドを含有する）などが挙げられる。それらは、2本鎖DNA、1本鎖DNA、2本鎖RNA、1本鎖RNA、さらにDNA:RNAハイブリッドであることができ、さらに非修飾ポリヌクレオチド（又は非修飾オリゴヌクレオチド）、さらには公知の修飾の付加されたもの、例えば当該分野で知られた標識のあるもの、キャップの付いたもの、メチル化されたもの、1個以上の天然のヌクレオチドを類縁物で置換したもの、分子内ヌクレオチド修飾のされたもの、例えば非荷電結合（例えば、メチルホスホネート、ホスホトリエステル、ホスホルアミデート、カルバメートなど）を持つもの、電荷を有する結合又は硫黄含有結合（例えば、ホスホロチオエート、ホスホロジチオエートなど）を持つもの、例えば蛋白質（ヌクレアーゼ、ヌクレアーゼ・インヒビター、トキシン、抗体、シグナルペプチド、ポリーラーリジンなど）や糖（例えば、モノサッカライドなど）などの側鎖基を有しているもの、インターカレント化合物（例えば、アクリジン、プソラレンなど）を持つもの、キレート化合物（例えば、金属、放射活性をもつ金属、ホウ素、酸化性の金属など）を含有するもの、アルキル化剤を含有するもの、修飾された結合を持つもの（例えば、 α アノマー型の核酸など）であってもよい。ここで「ヌクレオシド」、「ヌクレオチド」及び「核酸」とは、プリン及びピリミジン塩基を含有するのみでなく、修飾されたその他の複素環型塩基をもつようなものを含んでいて良い。こうした修飾物は、メチル化されたプリン及びピリミジン、アシル化されたプリン及びピリミジン、あるいはその他の複素環を含むものであってよい。修飾されたヌクレオチド及び修飾されたヌクレオチドはまた糖部分が修飾されていてよく、例えば1個以上の水酸基がハロゲンとか、脂肪族基などで置換されていたり、あるいはエーテル、アミンなどの官能基に変換されていてよい。

本発明のアンチセンス・ポリヌクレオチド（核酸）は、RNA、DNA、あるいは修飾された核酸（RNA、DNA）である。修飾された核酸の具体例としては核酸の硫黄誘導体やチオホスフェート誘導体、そしてポリヌクレオシドアミドやオリゴヌクレオシドアミドの分解に抵抗性のものが挙げられるが、そ

れに限定されるものではない。本発明のアンチセンス核酸は次のような方針で好ましく設計されうる。すなわち、細胞内でのアンチセンス核酸をより安定なものにする、アンチセンス核酸の細胞透過性をより高める、目標とするセンス鎖に対する親和性をより大きなものにする、そしてもし毒性があるならアンチ

5 センス核酸の毒性をより小さなものにする。

こうして修飾は当該分野で数多く知られており。例えば J. Kawakami et al., Pharm Tech Japan, Vol. 8, pp. 247, 1992; Vol. 8, pp. 395, 1992; S. T. Crooke et al. ed., Antisense Research and Applications, CRC Press, 1993 などに開示がある。

10 本発明のアンチセンス核酸は、変化せしめられたり、修飾された糖、塩基、結合を含有していて良く、リポソーム、ミクロスフェアのような特殊な形態で供与されたり、遺伝子治療により適用されたり、付加された形態で与えられることができる。こうして付加形態で用いられるものとしては、リン酸基骨格の電荷を中和するように働くポリリジンのようなポリカチオン体、細胞膜との

15 相互作用を高めたり、核酸の取込みを増大せしめるような脂質（例えば、ホスホリピド、コレステロールなど）といった粗水性のものが挙げられる。付加するに好ましい脂質としては、コレステロールやその誘導体（例えば、コレステリルクロロホルメート、コール酸など）が挙げられる。こうしたものは、核酸の3'端あるいは5'端に付着させることができ、塩基、糖、分子内ヌクレオ

20 シド結合を介して付着させることができる。その他の基としては、核酸の3'端あるいは5'端に特異的に配置されたキャップ用の基で、エキソヌクレアーゼ、RNaseなどのヌクレアーゼによる分解を阻止するためのものが挙げられる。こうしたキャップ用の基としては、ポリエチレングリコール、テトラエチレングリコールなどのグリコールをはじめとした当該分野で知られた水酸基

25 の保護基が挙げられるが、それに限定されるものではない。

アンチセンス核酸の阻害活性は、本発明の形質転換体、本発明の生体内や生体外の遺伝子発現系、あるいはG蛋白質共役型レセプター蛋白質の生体内や生体外の翻訳系を用いて調べることができる。該核酸それ自体公知の各種の方法で細胞に適用できる。

本発明の部分ペプチドをコードするDNAとしては、前述した本発明の部分ペプチドをコードする塩基配列を含有するものであればいかなるものであってもよい。また、ゲノムDNA、ゲノムDNAライブラリー、前記した細胞・組織由来のcDNA、前記した細胞・組織由来のcDNAライブラリー、合成DNAのいずれでもよい。ライブラリーに使用するベクターは、バクテリオファージ、プラスミド、コスミド、ファージミドなどいずれであってもよい。また、前記した細胞・組織よりmRNA画分を調製したものをを用いて直接Reverse Transcriptase Polymerase Chain Reaction（以下、RT-PCR法と略称する）によって増幅することもできる。

- 10 具体的には、本発明の部分ペプチドをコードするDNAとしては、例えば、
（１）配列番号：３、配列番号：４または配列番号：８で表わされる塩基配列を有するDNAの部分塩基配列を有するDNA、または（２）配列番号：３、配列番号：４または配列番号：８で表わされる塩基配列とハイストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を有し、本発明のレセプター蛋白質
15 ペプチドと実質的に同質の活性（例、リガンド結合活性、シグナル情報伝達作用など）を有するレセプター蛋白質をコードするDNAの部分塩基配列を有するDNAなどが用いられる。

配列番号：３、配列番号：４または配列番号：８で表わされる塩基配列ハイブリダイズできるDNAとしては、例えば、配列番号：３、配列番号：４または
20 は配列番号：８で表わされる塩基配列と約７０％以上、好ましくは約８０％以上、より好ましくは約９０％以上、最も好ましくは約９５％以上の相同性を有する塩基配列を含有するDNAなどが用いられる。

本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチド（以下、本発明のレセプター蛋白質と略記する場合がある）を完全にコードするDNAのクローニング
25 の手段としては、本発明のレセプター蛋白質の部分塩基配列を有する合成DNAプライマーを用いてPCR法によって増幅するか、または適当なベクターに組み込んだDNAを本発明のレセプター蛋白質の一部あるいは全領域をコードするDNA断片もしくは合成DNAを用いて標識したものとのハイブリダイゼーションによって選別することができる。ハイブリダイゼーションの方法は、

例えば、モレキュラー・クローニング (Molecular Cloning) 2nd (J. Sambrook et al., Cold Spring Harbor Lab. Press, 1989) に記載の方法などに従って行なうことができる。また、市販のライブラリーを使用する場合、添付の使用説明書に記載の方法に従って行なうことができる。

- 5 DNAの塩基配列の変換は、公知のキット、例えば、MutanTM-G (宝酒造 (株))、MutanTM-K (宝酒造 (株)) などを用いて、Gapped duplex法やKunkel法などの自体公知の方法あるいはそれらに準じる方法に従って行なうことができる。

クローン化されたレセプター蛋白質をコードするDNAは目的によりそのまま、または所望により制限酵素で消化したり、リンカーを付加したりして使用
10 することができる。該DNAはその5'末端側に翻訳開始コドンとしてのATGを有し、また3'末端側には翻訳終止コドンとしてのTAA、TGAまたはTAGを有していてもよい。これらの翻訳開始コドンや翻訳終止コドンは、適当な合成DNAアダプターを用いて付加することもできる。

- 本発明のレセプター蛋白質の発現ベクターは、例えば、(イ) 本発明のレセ
15 プター蛋白質をコードするDNAから目的とするDNA断片を切り出し、(ロ) 該DNA断片を適当な発現ベクター中のプロモーターの下流に連結することにより製造することができる。

ベクターとしては、大腸菌由来のプラスミド (例、pBR322, pBR325, pUC12, pUC13)、枯草菌由来のプラスミド (例、pUB11
20 0, pTP5, pC194)、酵母由来プラスミド (例、pSH19, pSH15)、 λ ファージなどのバクテリオファージ、レトロウイルス、ワクシニアウイルス、バキュロウイルスなどの動物ウイルスなどの他、pA1-11、pXT1、pRc/CMV、pRc/RSV、pcDNAI/Neoなどが用いられる。

- 25 本発明で用いられるプロモーターとしては、遺伝子の発現に用いる宿主に対応して適切なプロモーターであればいかなるものでもよい。例えば、動物細胞を宿主として用いる場合は、SR α プロモーター、SV40プロモーター、LTRプロモーター、CMVプロモーター、HSV-TKプロモーターなどが挙げられる。

これらのうち、CMVプロモーター、SR α プロモーターなどを用いるのが好ましい。宿主がエシェリヒア属菌である場合は、trpプロモーター、lacプロモーター、recAプロモーター、 λ P_Lプロモーター、lppプロモーターなどが、宿主がバチルス属菌である場合は、SPO1プロモーター、SPO2プロモーター、penPプロモーターなど、宿主が酵母である場合は、PHO5プロモーター、PGKプロモーター、GAPプロモーター、ADHプロモーターなどが好ましい。宿主が昆虫細胞である場合は、ポリヘドリンプロモーター、P10プロモーターなどが好ましい。

発現ベクターには、以上の他に、所望によりエンハンサー、スプライシングシグナル、ポリA付加シグナル、選択マーカー、SV40複製オリジン（以下、SV40oriと略称する場合がある）などを含有しているものを用いることができる。選択マーカーとしては、例えば、ジヒドロ葉酸還元酵素（以下、dhfrと略称する場合がある）遺伝子〔メソトレキセート（MTX）耐性〕、アンピシリン耐性遺伝子（以下、Amp^rと略称する場合がある）、ネオマイシン耐性遺伝子（以下、Neo^rと略称する場合がある、G418耐性）等が挙げられる。特に、CHO（dhfr⁻）細胞を用いてdhfr遺伝子を選択マーカーとして使用する場合、目的遺伝子をチミジンを含まない培地によっても選択できる。

また、必要に応じて、宿主に合ったシグナル配列を、本発明のレセプター蛋白質のN端末側に付加する。宿主がエシェリヒア属菌である場合は、PhoA・シグナル配列、OmpA・シグナル配列などが、宿主がバチルス属菌である場合は、 α -アミラーゼ・シグナル配列、サブチリシン・シグナル配列などが、宿主が酵母である場合は、MF α ・シグナル配列、SUC2・シグナル配列など、宿主が動物細胞である場合には、インシュリン・シグナル配列、 α -インターフェロン・シグナル配列、抗体分子・シグナル配列などがそれぞれ利用できる。

このようにして構築された本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAを含有するベクターを用いて、形質転換体を製造することができる。

宿主としては、例えば、エシェリヒア属菌、バチルス属菌、酵母、昆虫細胞、昆虫、動物細胞などが用いられる。

エシェリヒア属菌の具体例としては、エシェリヒア・コリ (*Escherichia coli*) K12・DH1 [プロシーディングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンス・オブ・ザ・ユーエスエー (Proc. Natl. Acad. Sci. USA), 60巻, 160(1968)], JM103 [ヌクイレック・アシッツ・リサーチ, (Nucleic Acids Research), 9巻, 309(1981)], JA221 [ジャーナル・オブ・モレキュラー・バイオロジー (Journal of Molecular Biology)], 120巻, 517(1978)], HB101 [ジャーナル・オブ・モレキュラー・バイオロジー, 41巻, 459(1969)], C600 [ジェネティックス (Genetics), 39巻, 440(1954)] などが用いられる。

10 バチルス属菌としては、例えば、バチルス・ズブチルス (*Bacillus subtilis*) MI114 [ジーン, 24巻, 255(1983)], 207-21 [ジャーナル・オブ・バイオケミストリー (Journal of Biochemistry), 95巻, 87(1984)] などが用いられる。

酵母としては、例えば、サッカロマイセス セレビシエ (*Saccharomyces cerevisiae*) AH22, AH22R⁻, NA87-11A, DKD-5D, 20B-12、シゾサッカロマイセス ポンベ (*Schizosaccharomyces pombe*) NCYC1913, NCYC2036、ピキア パストリス (*Pichia pastoris*) などが用いられる。

昆虫細胞としては、例えば、ウイルスがAcNPVの場合は、夜盗蛾の幼虫由来株化細胞 (*Spodoptera frugiperda* cell; Sf細胞)、*Trichoplusia ni*の中腸由来のMG1細胞、*Trichoplusia ni*の卵由来のHigh FiveTM細胞、*Mamestra brassicae*由来の細胞または*Estigmena acrea*由来の細胞などが用いられる。ウイルスがBmNPVの場合は、蚕由来株化細胞 (*Bombyx mori* N; BmN細胞) などが用いられる。該Sf細胞としては、例えば、Sf9細胞 (ATCC CRL1711)、Sf21細胞 (以上、Vaughn, J.L. ら、イン・ヴィボ (In Vivo), 13, 213-217, (1977)) などが用いられる。

昆虫としては、例えば、カイコの幼虫などが用いられる [前田ら、ネイチャー (Nature), 315巻, 592(1985)]。

動物細胞としては、例えば、サル細胞COS-7, Vero, チャイニーズハム

スター細胞CHO（以下、CHO細胞と略記）、dhfr遺伝子欠損チャイニーズハムスター細胞CHO（以下、CHO(dhfr⁻)細胞と略記）、マウスL細胞、マウスAtT-20、マウスミエローマ細胞、ラットGH3、ヒトFL細胞などが用いられる。

- 5 エシェリヒア属菌を形質転換するには、例えば、プロシーディングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンシイズ・オブ・ザ・ユーエスエー (Proc. Natl. Acad. Sci. USA), 69巻, 2110(1972)やジーン (Gene), 17巻, 107(1982)などに記載の方法に従って行なうことができる。バチルス属菌を形質転換するには、例えば、モレキュラー・アンド・
- 10 ジェネラル・ジェネティックス (Molecular & General Genetics), 168巻, 111(1979)などに記載の方法に従って行なうことができる。

- 酵母を形質転換するには、例えば、メソズ・イン・エンザイモロジー (Methods in Enzymology), 194巻, 182-187(1991)、プロシーディングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンシイズ・オブ・ザ・ユー
- 15 エスエー (Proc. Natl. Acad. Sci. USA), 75巻, 1929(1978)などに記載の方法に従って行なうことができる。

昆虫細胞または昆虫を形質転換するには、例えば、バイオ/テクノロジー (Bio/Technology), 6, 47-55(1988)などに記載の方法に従って行なうことができる。

- 20 動物細胞を形質転換するには、例えば、細胞工学別冊8新細胞工学実験プロトコル, 263-267(1995) (秀潤社発行)、ヴィロロジー (Virology), 52巻, 456(1973)に記載の方法に従って行なうことができる。

このようにして、G蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードするDNAを含有する発現ベクターで形質転換された形質転換体を得られる。

- 25 宿主がエシェリヒア属菌、バチルス属菌である形質転換体を培養する際、培養に使用される培地としては液体培地が適当であり、その中には該形質転換体の生育に必要な炭素源、窒素源、無機物その他が含有せしめられる。炭素源としては、例えば、グルコース、デキストリン、可溶性澱粉、ショ糖など、窒素源としては、例えば、アンモニウム塩類、硝酸塩類、コーンスチープ・リカー、

ペプトン、カゼイン、肉エキス、大豆粕、バレイショ抽出液などの無機または有機物質、無機物としては、例えば、塩化カルシウム、リン酸二水素ナトリウム、塩化マグネシウムなどが挙げられる。また、酵母、ビタミン類、生長促進因子などを添加してもよい。培地のpHは約5～8が望ましい。

- 5 エシェリヒア属菌を培養する際の培地としては、例えば、グルコース、カザミノ酸を含むM9培地〔ミラー (Miller), ジャーナル・オブ・エクスペリメンツ・イン・モレキュラー・ジェネティックス (Journal of Experiments in Molecular Genetics), 431-433, Cold Spring Harbor Laboratory, New York 1972〕が好ましい。ここに必要によりプロモーターを効率よく働かせるために、例えば、3β-インドリル アクリル酸のような薬剤を加えることができる。宿主がエシェリヒア属菌の場合、培養は通常約15～43℃で約3～24時間行ない、必要により、通気や攪拌を加えることもできる。

宿主がバチルス属菌の場合、培養は通常約30～40℃で約6～24時間行ない、必要により通気や攪拌を加えることもできる。

- 15 宿主が酵母である形質転換体を培養する際、培地としては、例えば、バークホルダー (Burkholder) 最小培地〔Bostian, K. L. ら、「プロシーディングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンシズ・オブ・ザ・ユーエスエー (Proc. Natl. Acad. Sci. USA), 77巻, 4505(1980)〕や0.5%カザミノ酸を含有するSD培地〔Bitter, G. A. ら、「プロシーディングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンシズ・オブ・ザ・ユーエスエー (Proc. Natl. Acad. Sci. USA), 81巻, 5330(1984)〕が挙げられる。培地のpHは約5～8に調整するのが好ましい。培養は通常約20℃～35℃で約24～72時間行ない、必要に応じて通気や攪拌を加える。

- 25 宿主が昆虫細胞または昆虫である形質転換体を培養する際、培地としては、Grace's Insect Medium (Grace, T. C. C., ネイチャー (Nature), 195, 788(1962)) に非動化した10%ウシ血清等の添加物を適宜加えたものなどが用いられる。培地のpHは約6.2～6.4に調整するのが好ましい。培養は通常約27℃で約3～5日間行ない、必要に応じて通気や攪拌を加える。

宿主が動物細胞である形質転換体を培養する際、培地としては、例えば、約5～20%の胎児牛血清を含むMEM培地〔サイエンス (Science), 122巻, 501(1952)], DMEM培地〔ヴィロロジー (Virology), 8巻, 396(1959)], RPMI 1640培地〔ジャーナル・オブ・ザ・アメリカン・メ
5 メディカル・アソシエーション (The Journal of the American Medical Association) 199巻, 519(1967)], 199培地〔プロシーディング・オブ・ザ・ソサイエティ・フォー・ザ・バイオリジカル・メディシン (Proceeding of the Society for the Biological Medicine), 73巻, 1(1950)]などが用いられる。pHは約6～8であるのが好ましい。培養は通常約30℃～
10 40℃で約15～60時間行ない、必要に応じて通気や攪拌を加える。

以上のようにして、形質転換体の細胞膜に本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質を生成せしめることができる。

上記培養物から本発明のレセプター蛋白質を分離精製するには、例えば、下記の方法により行なうことができる。

15 本発明のレセプター蛋白質を培養菌体あるいは細胞から抽出するに際しては、培養後、公知の方法で菌体あるいは細胞を集め、これを適当な緩衝液に懸濁し、超音波、リゾチームおよび/または凍結融解などによって菌体あるいは細胞を破壊したのち、遠心分離やろ過によりレセプター蛋白質の粗抽出液を得る方法などが適宜用いられる。緩衝液の中に尿素や塩酸グアニジンなどの蛋白質変性
20 剤や、トリトンX-100™などの界面活性剤が含まれていてもよい。培養液中にレセプター蛋白質が分泌される場合には、培養終了後、それ自体公知の方法で菌体あるいは細胞と上清とを分離し、上清を集める。

このようにして得られた培養上清、あるいは抽出液中に含まれるレセプター蛋白質の精製は、自体公知の分離・精製法を適切に組み合わせて行なうことが
25 できる。これらの公知の分離、精製法としては、塩析や溶媒沈澱法などの溶解度を利用する方法、透析法、限外ろ過法、ゲルろ過法、およびSDS-ポリアクリルアミドゲル電気泳動法などの主として分子量の差を利用する方法、イオン交換クロマトグラフィーなどの荷電の差を利用する方法、アフィニティークロマトグラフィーなどの特異的新和性を利用する方法、逆相高速液体クロマト

グラフィーなどの疎水性の差を利用する方法、等電点電気泳動法などの等電点の差を利用する方法などが用いられる。

- かくして得られるレセプター蛋白質が遊離体で得られた場合には、自体公知の方法あるいはそれに準じる方法によって塩に変換することができ、逆に塩で得られた場合には自体公知の方法あるいはそれに準じる方法により、遊離体または他の塩に変換することができる。

- なお、組換え体が産生するレセプター蛋白質を、精製前または精製後に適当な蛋白修飾酵素を作用させることにより、任意に修飾を加えたり、ポリペプチドを部分的に除去することもできる。蛋白修飾酵素としては、例えば、トリプシン、キモトリプシン、アルギニルエンドペプチダーゼ、プロテインキナーゼ、グリコシダーゼなどが用いられる。

かくして生成する本発明のレセプター蛋白質またはその塩の活性は、標識したリガンドとの結合実験および特異抗体を用いたエンザイムイムノアッセイなどにより測定することができる。

- 15 本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩に対する抗体は、本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩を認識し得る抗体であれば、ポリクローナル抗体、モノクローナル抗体の何れであってもよい。

- 20 本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩（以下、本発明のレセプター蛋白質等と略記する場合がある）に対する抗体は、本発明のレセプター蛋白質等を抗原として用い、自体公知の抗体または抗血清の製造法に従って製造することができる。

〔モノクローナル抗体の作製〕

（a）モノクローナル抗体産生細胞の作製

- 25 本発明のレセプター蛋白質等は、哺乳動物に対して投与により抗体産生が可能な部位にそれ自体あるいは担体、希釈剤とともに投与される。投与に際して抗体産生能を高めるため、完全フロイントアジュバントや不完全フロイントアジュバントを投与してもよい。投与は通常2～6週毎に1回ずつ、計2～10回程度行なわれる。用いられる哺乳動物としては、例えば、サル、ウサギ、イ

ヌ、モルモット、マウス、ラット、ヒツジ、ヤギが挙げられるが、マウスおよびラットが好ましく用いられる。

モノクローナル抗体産生細胞の作製に際しては、抗原を免疫された温血動物、例えば、マウスから抗体価の認められた個体を選択し最終免疫の2～5日後に
5 脾臓またはリンパ節を採取し、それらに含まれる抗体産生細胞を骨髓腫細胞と融合させることにより、モノクローナル抗体産生ハイブリドーマを調製することができる。抗血清中の抗体価の測定は、例えば、後記の標識化レセプター蛋白質等と抗血清とを反応させたのち、抗体に結合した標識剤の活性を測定することにより行なうことができる。融合操作は既知の方法、例えば、ケーラーと
10 ミルスタインの方法〔ネイチャー (Nature)、256巻、495頁(1975年)〕に従い実施することができる。融合促進剤としては、例えば、ポリエチレングリコール (PEG) やセンダイウィルスなどが挙げられるが、好ましくはPEGが用いられる。

骨髓腫細胞としては、例えば、NS-1、P3U1、SP2/0などが挙げ
15 られるが、P3U1が好ましく用いられる。用いられる抗体産生細胞（脾臓細胞）数と骨髓腫細胞数との好ましい比率は1：1～20：1程度であり、PEG（好ましくは、PEG1000～PEG6000）が10～80％程度の濃度で添加され、約20～40℃、好ましくは約30～37℃で約1～10分間インキュベートすることにより効率よく細胞融合を実施できる。

20 モノクローナル抗体産生ハイブリドーマのスクリーニングには種々の方法が使用できるが、例えば、レセプター蛋白質等の抗原を直接あるいは担体とともに吸着させた固相（例、マイクロプレート）にハイブリドーマ培養上清を添加し、次に放射性物質や酵素などで標識した抗免疫グロブリン抗体（細胞融合に用いられる細胞がマウスの場合、抗マウス免疫グロブリン抗体が用いられる）
25 またはプロテインAを加え、固相に結合したモノクローナル抗体を検出する方法、抗免疫グロブリン抗体またはプロテインAを吸着させた固相にハイブリドーマ培養上清を添加し、放射性物質や酵素などで標識したレセプター蛋白質等を加え、固相に結合したモノクローナル抗体を検出する方法などが挙げられる。

モノクローナル抗体の選別は、自体公知あるいはそれに準じる方法に従って

- 行なうことができるが、通常はHAT（ヒポキサンチン、アミノプテリン、チミジン）を添加した動物細胞用培地などで行なうことができる。選別および育種用培地としては、ハイブリドーマが生育できるものならばどのような培地を用いても良い。例えば、1～20%、好ましくは10～20%の牛胎児血清を含むRPMI 1640培地、1～10%の牛胎児血清を含むGIT培地（和光純薬工業（株））またはハイブリドーマ培養用無血清培地（SFM-101、日水製薬（株））などを用いることができる。培養温度は、通常20～40℃、好ましくは約37℃である。培養時間は、通常5日～3週間、好ましくは1週間～2週間である。培養は、通常5%炭酸ガス下で行なうことができる。ハイブリドーマ培養上清の抗体価は、上記の抗血清中の抗体価の測定と同様にして測定できる。

(b) モノクローナル抗体の精製

- モノクローナル抗体の分離精製は、通常のポリクローナル抗体の分離精製と同様に免疫グロブリンの分離精製法〔例、塩析法、アルコール沈殿法、等電点沈殿法、電気泳動法、イオン交換体（例、DEAE）による吸脱着法、超遠心法、ゲルろ過法、抗原結合固相またはプロテインAあるいはプロテインGなどの活性吸着剤により抗体のみを採取し、結合を解離させて抗体を得る特異的精製法〕に従って行なうことができる。

〔ポリクローナル抗体の作製〕

- 本発明のポリクローナル抗体は、それ自体公知あるいはそれに準じる方法にしたがって製造することができる。例えば、免疫抗原（レセプター蛋白質等の抗原）とキャリアー蛋白質との複合体をつくり、上記のモノクローナル抗体の製造法と同様に哺乳動物に免疫を行ない、該免疫動物から本発明のレセプター蛋白質等に対する抗体含有物を採取して、抗体の分離精製を行なうことにより製造できる。

哺乳動物を免疫するために用いられる免疫抗原とキャリアー蛋白質との複合体に関し、キャリアー蛋白質の種類およびキャリアーとハプテンとの混合比は、キャリアーに架橋させて免疫したハプテンに対して抗体が効率良くできれば、どのようなものをどのような比率で架橋させてもよいが、例えば、ウシ血清アルブ

ミン、ウシサイログロブリン、キーホール・リンペット・ヘモシアニン等を重量比でハプテン1に対し、約0.1～20、好ましくは約1～5の割合でカプルさせる方法が用いられる。

また、ハプテンとキャリアーのカプリングには、種々の縮合剤を用いることができるが、グルタルアルデヒドやカルボジイミド、マレイミド活性エステル、チオール基、ジチオビリジル基を含有する活性エステル試薬等が用いられる。

縮合生成物は、温血動物に対して、抗体産生が可能な部位にそれ自体あるいは担体、希釈剤とともに投与される。投与に際して抗体産生能を高めるため、完全フロイントアジュバントや不完全フロイントアジュバントを投与してもよい。投与は、通常約2～6週毎に1回ずつ、計約3～10回程度行なうことができる。

ポリクローナル抗体は、上記の方法で免疫された哺乳動物の血液、腹水など、好ましくは血液から採取することができる。

抗血清中のポリクローナル抗体価の測定は、上記の血清中の抗体価の測定と同様にして測定できる。ポリクローナル抗体の分離精製は、上記のモノクローナル抗体の分離精製と同様の免疫グロブリンの分離精製法に従って行なうことができる。

本発明のレセプター蛋白質またはその塩、その部分ペプチドまたはその塩、および該レセプター蛋白質またはその部分ペプチドをコードするDNAは、

(1) 本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質に対するリガンド（アゴニスト）の決定、(2) 本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質の機能不全に関連する疾患の予防および／または治療剤、(3) 遺伝子診断剤、(4) 本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの発現量を変化させる化合物のスクリーニング方法、(5) 本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの発現量を変化させる化合物を含有する各種疾病の予防および／または治療剤、(6) 本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質に対するリガンドの定量法、(7) 本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質とリガンドとの結合性を変化させる化合物（アゴニスト、アンタゴニストなど）のスクリーニング方法、(8) 本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質とリガンドとの結合性を変化させる

- 化合物（アゴニスト、アンタゴニスト）を含有する各種疾病の予防および／または治療剤、（９）本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩の定量、（１０）細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を変化させる化合物のスクリーニング方法、（１１）細胞
- 5 膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を変化させる化合物を含有する各種疾病の予防および／または治療剤、（１２）本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩に対する抗体による中和、（１３）本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードするDNAを有する非ヒト動物の作製などに用いることができる。
- 10 特に、本発明の組換え型G蛋白質共役型レセプター蛋白質の発現系を用いたレセプター結合アッセイ系を用いることによって、ヒトや哺乳動物に特異的なG蛋白質共役型レセプターに対するリガンドの結合性を変化させる化合物（例、アゴニスト、アンタゴニストなど）をスクリーニングすることができ、該アゴニストまたはアンタゴニストを各種疾病の予防・治療剤などとして使用すること
- 15 ができる。

本発明のレセプター蛋白質もしくは部分ペプチドまたはその塩（以下、本発明のレセプタータンパク質等と略記する場合がある）、本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドをコードするDNA（以下、本発明のDNAと略記する場合がある）および本発明のレセプター蛋白質等に対する抗体（以下、

20 本発明の抗体と略記する場合がある）の用途について、以下に具体的に説明する。

（１）本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質に対するリガンド（アゴニスト）の決定

本発明のレセプター蛋白質もしくはその塩または本発明の部分ペプチドもしくはその塩は、本発明のレセプター蛋白質またはその塩に対するリガンド（ア

25 ゴニスト）を探索し、または決定するための試薬として有用である。

すなわち、本発明は、本発明のレセプター蛋白質もしくはその塩または本発明の部分ペプチドもしくはその塩と、試験化合物とを接触させることを特徴とする本発明のレセプター蛋白質に対するリガンドの決定方法を提供する。

- 試験化合物としては、公知のリガンド（例えば、アンギオテンシン、ボンベシン、カナビノイド、コレシストキニン、グルタミン、セロトニン、メラトニン、ニューロペプチドY、オピオイド、プリン、バソプレッシン、オキシトシン、PACAP、セクレチン、グルカゴン、カルシトニン、アドレノメジュリン、ソマトスタチン、GHRH、CRF、ACTH、GRP、PTH、VIP
- 5 （バソアクティブ インテスティナル アンド リレイテッド ポリペプチド）、ソマトスタチン、ドーパミン、モチリン、アミリン、ブラジキニン、CGRP（カルシトニンジーンリレーティッドペプチド）、ロイコトリエン、パングレアスタチン、プロスタグランジン、トロンボキサン、アデノシン、アドレナリン、 α および β -ケモカイン（chemokine）（例えば、IL-8、GRO α 、GRO β 、GRO γ 、NAP-2、ENA-78、PF4、IP10、GCP-2、MCP-1、HC14、MCP-3、I-309、MIP1 α 、MIP-1 β 、RANTESなど）、エンドセリン、エンテログastrin、ヒスタミン、ニューロテンシン、TRH、パングレアティックポリペプチドまたはガラニンなど）の他に、例えば、ヒトまたは哺乳動物（例えば、マウス、ラット、ブタ、ウシ、ヒツジ、サルなど）の組織抽出物、細胞培養上清などが用いられる。例えば、該組織抽出物、細胞培養上清などを本発明のレセプター蛋白質に添加し、細胞刺激活性などを測定しながら分画し、最終的に単一のリガ
- 15 ンドを得ることができる。
- 20 具体的には、本発明のリガンド決定方法は、本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドもしくはその塩を用いるか、または組換え型レセプター蛋白質の発現系を構築し、該発現系を用いたレセプター結合アッセイ系を用いることによって、本発明のレセプター蛋白質に結合して細胞刺激活性（例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内Ca²⁺遊離、細胞内cAMP
- 25 生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fos活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性）を有する化合物（例えば、ペプチド、蛋白質、非ペプチド性化合物、合成化合物、発酵生産物など）またはその塩を決定する方法である。

本発明のリガンド決定方法においては、本発明のレセプター蛋白質またはそ

の部分ペプチドと試験化合物とを接触させた場合の、例えば、該レセプター蛋白質または該部分ペプチドに対する試験化合物の結合量や、細胞刺激活性などを測定することを特徴とする。

より具体的には、本発明は、

- 5 ①標識した試験化合物を、本発明のレセプター蛋白質もしくはその塩または本発明の部分ペプチドもしくはその塩に接触させた場合における、標識した試験化合物の該蛋白質もしくはその塩、または該部分ペプチドもしくはその塩に対する結合量を測定することを特徴とする本発明のレセプター蛋白質またはその塩に対するリガンドの決定方法、
- 10 ②標識した試験化合物を、本発明のレセプター蛋白質を含有する細胞または該細胞の膜画分に接触させた場合における、標識した試験化合物の該細胞または該膜画分に対する結合量を測定することを特徴とする本発明のレセプター蛋白質またはその塩に対するリガンドの決定方法、
- 15 ③標識した試験化合物を、本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAを含有する形質転換体を培養することによって細胞膜上に発現したレセプター蛋白質に接触させた場合における、標識した試験化合物の該レセプター蛋白質またはその塩に対する結合量を測定しすることを特徴とする本発明のレセプター蛋白質に対するリガンドの決定方法、
- 20 ④試験化合物を、本発明のレセプター蛋白質を含有する細胞に接触させた場合における、レセプター蛋白質を介した細胞刺激活性（例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca^{2+} 遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など）を測定することを特徴とする本発明のレセプター蛋白質またはその塩
- 25 に対するリガンドの決定方法、および
- ⑤試験化合物を、本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAを含有する形質転換体を培養することによって細胞膜上に発現したレセプター蛋白質に接触させた場合における、レセプター蛋白質を介する細胞刺激活性（例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca^{2+} 遊離、細胞内cAMP生成、

細胞内 c G M P 生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c - f o s の活性化、p H の低下などを促進する活性または抑制する活性など) を測定することを特徴とする本発明のレセプター蛋白質またはその塩に対するリガンドの決定方法を提供する。

- 5 特に、上記①～③の試験を行ない、試験化合物が本発明のレセプター蛋白質に結合することを確認した後に、上記④～⑤の試験を行なうことが好ましい。

まず、リガンド決定方法に用いるレセプター蛋白質としては、上記した本発明のレセプター蛋白質または本発明の部分ペプチドを含有するものであれば何れのものであってもよいが、動物細胞を用いて大量発現させたレセプター蛋白質が適している。

- 本発明のレセプター蛋白質を製造するには、前述の発現方法が用いられるが、該レセプター蛋白質をコードする DNA を哺乳動物細胞や昆虫細胞で発現することにより行なうことが好ましい。目的とする蛋白質部分をコードする DNA 断片には、通常、相補 DNA が用いられるが、必ずしもこれに制約されるものではない。例えば、遺伝子断片や合成 DNA を用いてもよい。本発明のレセプター蛋白質をコードする DNA 断片を宿主動物細胞に導入し、それらを効率よく発現させるためには、該 DNA 断片を昆虫を宿主とするバキュロウイルスに属する核多角体病ウイルス (nuclear polyhedrosis virus ; N P V) のポリヘドリンプロモーター、S V 4 0 由来のプロモーター、レトロウイルスのプロモーター、メタロチオネインプロモーター、ヒトヒートショックプロモーター、サイトメガロウイルスプロモーター、S R α プロモーターなどの下流に組み込むのが好ましい。発現したレセプターの量と質の検査はそれ自体公知の方法で行うことができる。例えば、文献 [Nambi, P. ら、ザ・ジャーナル・オブ・バイオロジカル・ケミストリー (J. Biol. Chem.) , 267 巻, 19555 ~ 19559 頁, 1992 年] に記載の方法に従って行うことができる。

したがって、本発明のリガンド決定方法において、本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩を含有するものとしては、それ自体公知の方法に従って精製したレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩であってもよいし、該レセプター蛋白質を含有する細胞またはその細

胞膜画分を用いてもよい。

本発明のリガンド決定方法において、本発明のレセプター蛋白質を含有する細胞を用いる場合、該細胞をグルタルアルデヒド、ホルマリンなどで固定化してもよい。固定化方法はそれ自体公知の方法に従って行なうことができる。

- 5 本発明のレセプター蛋白質を含有する細胞としては、本発明のレセプター蛋白質を発現した宿主細胞をいうが、該宿主細胞としては、大腸菌、枯草菌、酵母、昆虫細胞、動物細胞などが用いられる。

- 細胞膜画分としては、細胞を破碎した後、それ自体公知の方法で得られる細胞膜が多く含まれる画分のことをいう。細胞の破碎方法としては、Potter-
10 Elvehjem型ホモジナイザーで細胞を押し潰す方法、ワーリングブレンダーやポリトロン（Kinematica社製）による破碎、超音波による破碎、フレンチプレスなどで加圧しながら細胞を細いノズルから噴出させることによる破碎などが挙げられる。細胞膜の分画には、分画遠心分離法や密度勾配遠心分離法などの遠心力による分画法が主として用いられる。例えば、細胞破碎液を低速（500
15 rpm～3000rpm）で短時間（通常、約1分～10分）遠心し、上清をさらに高速（15000rpm～30000rpm）で通常30分～2時間遠心し、得られる沈澱を膜画分とする。該膜画分中には、発現したレセプター蛋白質と細胞由来のリン脂質や膜蛋白質などの膜成分が多く含まれる。

- 該レセプター蛋白質を含有する細胞やその膜画分中のレセプター蛋白質の量は、1細胞当たり $10^3 \sim 10^8$ 分子であるのが好ましく、 $10^5 \sim 10^7$ 分子であるのが好適である。なお、発現量が多いほど膜画分当たりのリガンド結合活性（比活性）が高くなり、高感度なスクリーニング系の構築が可能になるばかりでなく、同一ロットで大量の試料を測定できるようになる。

- 本発明のレセプター蛋白質またはその塩に対するリガンドを決定する上記の
25 ①～③の方法を実施するためには、適当なレセプター蛋白質画分と、標識した試験化合物が必要である。

レセプター蛋白質画分としては、天然型のレセプター蛋白質画分か、またはそれと同等の活性を有する組換え型レセプター画分などが望ましい。ここで、同等の活性とは、同等のリガンド結合活性、シグナル情報伝達作用などを示す。

標識した試験化合物としては、 $[^3\text{H}]$ 、 $[^{125}\text{I}]$ 、 $[^{14}\text{C}]$ 、 $[^{35}\text{S}]$ などで標識したアンギオテンシン、ボンベシン、カナビノイド、コレシストキニン、グルタミン、セロトニン、メラトニン、ニューロペプチドY、オピオイド、ブリン、バソプレッシン、オキシトシン、PACAP、セクレチン、グルカゴン、カルシトニン、アドレノメジュリン、ソマトスタチン、GHRH、CRF、
5 ACTH、GRP、PTH、VIP（バソアクティブ インテスティナル アンド リイテッド ポリペプチド）、ソマトスタチン、ドーパミン、モチリン、アミリン、ブラジキニン、CGRP（カルシトニンジーンリレーティッドペプチド）、ロイコトリエン、パンクレアスタチン、プロスタグランジン、トロンボキサン、アデノシン、アドレナリン、 α および β -ケモカイン（chemokine）
10 （例えば、IL-8、GRO α 、GRO β 、GRO γ 、NAP-2、ENA-78、PF4、IP10、GCP-2、MCP-1、HC14、MCP-3、I-309、MIP1 α 、MIP-1 β 、RANTESなど）、エンドセリン、エンテロガストリン、ヒスタミン、ニューロテンシン、TRH、パンクレアティックポリペプチドまたはガラニンなどが好適である。

具体的には、本発明のレセプター蛋白質またはその塩に対するリガンドの決定方法を行なうには、まず本発明のレセプター蛋白質を含有する細胞または細胞の膜画分を、決定方法に適したバッファーに懸濁することによりレセプター標品を調製する。バッファーには、pH4~10（望ましくはpH6~8）の
20 リン酸バッファー、トリス-塩酸バッファーなどのリガンドとレセプター蛋白質との結合を阻害しないバッファーであればいずれでもよい。また、非特異的結合を低減させる目的で、CHAPS、Tween-80TM（花王-アトラス社）、ジギトニン、デオキシコレートなどの界面活性剤やウシ血清アルブミンやゼラチンなどの各種蛋白質をバッファーに加えることもできる。さらに、
25 プロテアーゼによるレセプターやリガンドの分解を抑える目的でPMSF、ロイペプチン、E-64（ペプチド研究所製）、ペプスタチンなどのプロテアーゼ阻害剤を添加することもできる。0.01ml~10mlの該レセプター溶液に、一定量（5000cpm~500000cpm）の $[^3\text{H}]$ 、 $[^{125}\text{I}]$ 、 $[^{14}\text{C}]$ 、 $[^{35}\text{S}]$ などで標識した試験化合物を共存させる。非特異的結合量（N

S B)を知るために大過剰の未標識の試験化合物を加えた反応チューブも用意する。反応は約0℃から50℃、望ましくは約4℃から37℃で、約20分から24時間、望ましくは約30分から3時間行なう。反応後、ガラス繊維濾紙等で濾過し、適量の同バッファーで洗浄した後、ガラス繊維濾紙に残存する放射活性を液体シンチレーションカウンターあるいはγ-カウンターで計測する。全結合量(B)から非特異的結合量(NSB)を引いたカウント(B-NSB)が0 cpmを越える試験化合物を本発明のレセプター蛋白質またはその塩に対するリガンド(アゴニスト)として選択することができる。

本発明のレセプター蛋白質またはその塩に対するリガンドを決定する上記の④~⑤の方法を実施するためには、該レセプター蛋白質を介する細胞刺激活性(例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内Ca²⁺遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など)を公知の方法または市販の測定用キットを用いて測定することができる。具体的には、まず、レセプター蛋白質を含有する細胞をマルチウェルプレート等に培養する。リガンド決定を行なうにあたっては前もって新鮮な培地あるいは細胞に毒性を示さない適当なバッファーに交換し、試験化合物などを添加して一定時間インキュベートした後、細胞を抽出あるいは上清液を回収して、生成した産物をそれぞれの方法に従って定量する。細胞刺激活性の指標とする物質(例えば、アラキドン酸など)の生成が、細胞が含有する分解酵素によって検定困難な場合は、該分解酵素に対する阻害剤を添加してアッセイを行なってもよい。また、cAMP産生抑制などの活性については、フォルスコリンなどで細胞の基礎的産生量を増大させておいた細胞に対する産生抑制作用として検出することができる。

本発明のレセプター蛋白質またはその塩に結合するリガンド決定用キットは、本発明のレセプター蛋白質もしくはその塩、本発明の部分ペプチドもしくはその塩、本発明のレセプター蛋白質を含有する細胞、または本発明のレセプター蛋白質を含有する細胞の膜画分などを含有するものである。

本発明のリガンド決定用キットの例としては、次のものが挙げられる。

1. リガンド決定用試薬

①測定用緩衝液および洗浄用緩衝液

Hanks' Balanced Salt Solution (ギブコ社製) に、0.05%のウシ血清アルブミン (シグマ社製) を加えたもの。

- 5 孔径0.45 μ mのフィルターで濾過滅菌し、4℃で保存するか、あるいは用時調製しても良い。

②G蛋白質共役型レセプター蛋白質標品

- 本発明のレセプター蛋白質を発現させたCHO細胞を、12穴プレートに5 \times 10⁵個/穴で継代し、37℃、5%CO₂、95%airで2日間培養したもの。
- 10

③標識試験化合物

市販の [³H]、[¹²⁵I]、[¹⁴C]、[³⁵S]などで標識した化合物、または適当な方法で標識化したもの

- 水溶液の状態のものを4℃あるいは-20℃にて保存し、用時に測定用緩衝液にて1 μ Mに希釈する。水に難溶性を示す試験化合物については、ジメチルホルムアミド、DMSO、メタノール等に溶解する。
- 15

④非標識試験化合物

標識化合物と同じものを100~1000倍濃い濃度に調製する。

2. 測定法

- 20 ①12穴組織培養用プレートにて培養した本発明のレセプター蛋白質発現CHO細胞を、測定用緩衝液1mlで2回洗浄した後、490 μ lの測定用緩衝液を各穴に加える。

②標識試験化合物を5 μ l加え、室温にて1時間反応させる。非特異的結合量を知るためには非標識試験化合物を5 μ l加えておく。

- 25 ③反応液を除去し、1mlの洗浄用緩衝液で3回洗浄する。細胞に結合した標識試験化合物を0.2N NaOH-1%SDSで溶解し、4mlの液体シンチレーターA (和光純薬製) と混合する。

④液体シンチレーションカウンター (ベックマン社製) を用いて放射活性を測定する。

本発明のレセプター蛋白質またはその塩に結合することができるリガンドとしては、例えば、脳、下垂体、膵臓などに特異的に存在する物質などが挙げられ、具体的には、アンギオテンシン、ボンベシン、カナビノイド、コレシストキニン、グルタミン、セロトニン、メラトニン、ニューロペプチドY、オピオイド、プリン、バソプレッシン、オキシトシン、PACAP、セクレチン、グルカゴン、カルシトニン、アドレノメジュリン、ソマトスタチン、GHRH、CRF、ACTH、GRP、PTH、VIP（バソアクティブ インテスティナル アンド リレイテッド ポリペプチド）、ソマトスタチン、ドーパミン、モチリン、アミリン、ブラジキニン、CGRP（カルシトニンジーンリレーテッドペプチド）、ロイコトリエン、パンクレアスタチン、プロスタグランジン、トロンボキサン、アデノシン、アドレナリン、 α および β -ケモカイン（chemokine）（例えば、IL-8、GRO α 、GRO β 、GRO γ 、NAP-2、ENA-78、PF4、IP10、GCP-2、MCP-1、HC14、MCP-3、I-309、MIP1 α 、MIP-1 β 、RANTESなど）、エンドセリン、エンテロガストリン、ヒスタミン、ニューロテンシン、TRH、パンクレアティックポリペプチド、ガラニンなどが用いられる。

（２）本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質の機能不全に関連する疾患の予防および／または治療剤

上記（１）の方法において、本発明のレセプター蛋白質に対するリガンドが明らかになれば、該リガンドが有する作用に応じて、①本発明のレセプター蛋白質または②該レセプター蛋白質をコードするDNAを、本発明のレセプター蛋白質の機能不全に関連する疾患の予防および／または治療剤などの医薬として使用することができる。

例えば、生体内において本発明のレセプター蛋白質が減少しているためにリガンドの生理作用が期待できない（該レセプター蛋白質の欠乏症）患者がいる場合に、①本発明のレセプター蛋白質を該患者に投与し該レセプター蛋白質の量を補充したり、②（イ）本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAを該患者に投与し発現させることによって、あるいは（ロ）対象となる細胞に本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAを挿入し発現させた後に、該細胞を

該患者に移植することなどによって、患者の体内におけるレセプター蛋白質の量を増加させ、リガンドの作用を十分に発揮させることができる。即ち、本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAは、安全で低毒性な本発明のレセプター蛋白質の機能不全に関連する疾患の予防および／または治療剤として有用である。

- 本発明のレセプター蛋白質は、G蛋白共役型レセプター蛋白質である アンジオテンシンIIのタイプI受容体(AT1)にアミノ酸配列レベルで約30%の相同性が認められる。AT1は、高血圧症・心肥大・動脈硬化等の病態に関連していると報告されている[日本臨床 56巻7号1906-1911(1998)]。
- 従って、AT1と相同性が認められる本発明のレセプターは、循環器疾患(例えば高血圧症・心肥大・動脈硬化等)の予防および／または治療に有用である。また、AT1を介する作用としては、中枢においてバソプレッシン/LH/FSH分泌・飲水・食塩嗜好・脳血流自動調節、心臓において肥大・収縮増強・リモデリング、副腎皮質からのアルドステロン分泌、副腎髄質からのカテコールアミン分泌、腎臓において近位尿細管におけるナトリウムの再吸収の促進・輸出/入細動脈収縮、血管において収縮・肥厚促進等の作用が知られている[現代の神経内分泌学(吉田尚 監修)、75-83ページ]。従って、AT1と相同性が認められる本発明のレセプター蛋白質は、呼吸器疾患・循環器疾患・消化管疾患・肝/胆/脾疾患・内分泌疾患の予防および／または治療に有用である。
- 本発明のレセプター蛋白質を上記予防・治療剤として使用する場合は、常套手段に従って製剤化することができる。

- 一方、本発明のレセプター蛋白質をコードするDNA(以下、本発明のDNAと略記する場合がある)を上記予防・治療剤として使用する場合は、本発明のDNAを単独あるいはレトロウイルスベクター、アデノウイルスベクター、アデノウイルスアソシエーテッドウイルスベクターなどの適当なベクターに挿入した後、常套手段に従って実施することができる。本発明のDNAは、そのまま、あるいは摂取促進のための補助剤とともに、遺伝子銃やハイドロゲルカテーテルのようなカテーテルによって投与できる。

例えば、①本発明のレセプター蛋白質または②該レセプター蛋白質をコード

- するDNAは、必要に応じて糖衣を施した錠剤、カプセル剤、エリキシル剤、マイクロカプセル剤などとして経口的に、あるいは水もしくはそれ以外の薬学的に許容し得る液との無菌性溶液、または懸濁液剤などの注射剤の形で非経口的に使用できる。例えば、①本発明のレセプター蛋白質または②該レセプター蛋白質をコードするDNAを生理学的に認められる公知の担体、香味剤、賦形剤、ベヒクル、防腐剤、安定剤、結合剤などとともに一般に認められた製剤実施に要求される単位用量形態で混和することによって製造することができる。これら製剤における有効成分量は指示された範囲の適当な容量が得られるようにするものである。
- 10 錠剤、カプセル剤などに混和することができる添加剤としては、例えばゼラチン、コーンスターチ、トラガント、アラビアゴムのような結合剤、結晶性セルロースのような賦形剤、コーンスターチ、ゼラチン、アルギン酸などのような膨化剤、ステアリン酸マグネシウムのような潤滑剤、ショ糖、乳糖またはサッカリンのような甘味剤、ペパーミント、アカモノ油またはチェリーのような香味剤などが用いられる。調剤単位形態がカプセルである場合には、上記タイプの材料にさらに油脂のような液状担体を含有することができる。注射のための無菌組成物は注射用水のようなベヒクル中の活性物質、胡麻油、椰子油などのような天然産出植物油などを溶解または懸濁させるなどの通常の製剤実施に従って処方することができる。注射用の水性液としては、例えば、生理食塩水、
- 20 ブドウ糖やその他の補助薬を含む等張液（例えば、D-ソルビトール、D-マンニトール、塩化ナトリウムなど）などが用いられ、適当な溶解補助剤、例えば、アルコール（例、エタノール）、ポリアルコール（例、プロピレングリコール、ポリエチレングリコール）、非イオン性界面活性剤（例、ポリソルベート80TM、HCO-50）などと併用してもよい。油性液としては、例えば、
- 25 ゴマ油、大豆油などが用いられ、溶解補助剤である安息香酸ベンジル、ベンジルアルコールなどと併用してもよい。

また、上記予防・治療剤は、例えば、緩衝剤（例えば、リン酸塩緩衝液、酢酸ナトリウム緩衝液）、無痛化剤（例えば、塩化ベンザルコニウム、塩酸プロカインなど）、安定剤（例えば、ヒト血清アルブミン、ポリエチレングリコー

ルなど)、保存剤(例えば、ベンジルアルコール、フェノールなど)、酸化防止剤などと配合してもよい。調製された注射液は通常、適当なアンプルに充填される。

このようにして得られる製剤は安全で低毒性であるので、例えば、ヒトや哺乳動物(例えば、ラット、マウス、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど)に対して投与することができる。

本発明のレセプター蛋白質の投与量は、投与対象、対象臓器、症状、投与方法などにより差異はあるが、経口投与の場合、一般的に例えば、高血圧症患者(60kgとして)においては、一日につき約0.1mg~100mg、好ましくは約1.0~50mg、より好ましくは約1.0~20mgである。非経口的に投与する場合は、その1回投与量は投与対象、対象臓器、症状、投与方法などによっても異なるが、例えば、注射剤の形では通常例えば、高血圧症患者(60kgとして)においては、一日につき約0.01~30mg程度、好ましくは約0.1~20mg程度、より好ましくは約0.1~10mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60kg当

りに換算した量を投与することができる。

本発明のDNAの投与量は、投与対象、対象臓器、症状、投与方法などにより差異はあるが、経口投与の場合、一般的に例えば、高血圧症患者(60kgとして)においては、一日につき約0.1mg~100mg、好ましくは約1.0~50mg、より好ましくは約1.0~20mgである。非経口的に投与する場合は、その1回投与量は投与対象、対象臓器、症状、投与方法などによっても異なるが、例えば、注射剤の形では通常例えば、高血圧症患者(60kgとして)においては、一日につき約0.01~30mg程度、好ましくは約0.1~20mg程度、より好ましくは約0.1~10mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60kg当

(3) 遺伝子診断剤

本発明のDNAは、プローブとして使用することにより、ヒトまたは哺乳動物(例えば、ラット、マウス、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サ

ルなど)における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドをコードするDNAまたはmRNAの異常(遺伝子異常)を検出することができるので、例えば、該DNAまたはmRNAの損傷、突然変異あるいは発現低下や、該DNAまたはmRNAの増加あるいは発現過多などの遺伝子診断剤として有用である。

本発明のDNAを用いる上記の遺伝子診断は、例えば、自体公知のノーザンハイブリダイゼーションやPCR-SSCP法(ゲノミックス(Genomics)、第5巻、874~879頁(1989年)、プロシーディングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンシズ・オブ・ユーエスエー(Proceedings of the National Academy of Sciences of the United States of America)、第86巻、2766~2770頁(1989年))などにより実施することができる。

(4) 本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの発現量を変化させる化合物のスクリーニング方法

本発明のDNAは、プローブとして用いることにより、本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの発現量を変化させる化合物のスクリーニングに用いることができる。

すなわち本発明は、例えば、(i) 非ヒト哺乳動物の①血液、②特定の臓器、③臓器から単離した組織もしくは細胞、または(ii) 形質転換体等に含まれる本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドのmRNA量を測定することによる、本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの発現量を変化させる化合物のスクリーニング方法を提供する。

本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドのmRNA量の測定は具体的には以下のようにして行なう。

(i) 正常あるいは疾患モデル非ヒト哺乳動物(例えば、マウス、ラット、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど、より具体的には痴呆ラット、肥満マウス、動脈硬化ウサギ、担癌マウスなど)に対して、薬剤(例えば、抗痴呆薬、血圧低下薬、抗癌剤、抗肥満薬など)あるいは物理的ストレス(例えば、浸水ストレス、電気ショック、明暗、低温など)などを与え、一定時間

経過した後に、血液、あるいは特定の臓器（例えば、脳、肝臓、腎臓など）、または臓器から単離した組織、あるいは細胞を得る。

得られた細胞に含まれる本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドのmRNAは、例えば、通常の方法により細胞等からmRNAを抽出し、例えば TaqManPCR などの手法を用いることにより定量することができ、
5 自体公知の手段によりノザンプロットを行うことにより解析することもできる。

(ii) 本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドを発現する形質転換体を前述の方法に従い作製し、該形質転換体に含まれる本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドのmRNAを同様にして定量、解析することが
10 できる。

本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの発現量を変化させる化合物のスクリーニングは、

(i) 正常あるいは疾患モデル非ヒト哺乳動物に対して、薬剤あるいは物理的
15 ストレスなどを与える一定時間前（30分前ないし24時間前、好ましくは30分前ないし12時間前、より好ましくは1時間前ないし6時間前）もしくは一定時間後（30分後ないし3日後、好ましくは1時間後ないし2日後、より好ましくは1時間後ないし24時間後）、または薬剤あるいは物理的ストレスと同時に被検化合物を投与し、投与後一定時間経過後（30分後ないし3日後、
20 好ましくは1時間後ないし2日後、より好ましくは1時間後ないし24時間後）、細胞に含まれる本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドのmRNA量を定量、解析することにより行なうことができ、

(ii) 形質転換体を常法に従い培養する際に被検化合物を培地中に混合させ、一定時間培養後（1日後ないし7日後、好ましくは1日後ないし3日後、より
25 好ましくは2日後ないし3日後）、該形質転換体に含まれる本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドのmRNA量を定量、解析することにより行なうことができる。

本発明のスクリーニング方法を用いて得られる化合物またはその塩は、本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの発現量を変化させる作用を有

する化合物であり、具体的には、(イ) 本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの発現量を増加させることにより、G蛋白質共役型レセプターを介する細胞刺激活性（例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca^{2+} 遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など）を増強させる化合物、(ロ) 本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの発現量を減少させることにより、該細胞刺激活性を減弱させる化合物である。

該化合物としては、ペプチド、タンパク、非ペプチド性化合物、合成化合物、発酵生産物などが挙げられ、これら化合物は新規な化合物であってもよいし、公知の化合物であってもよい。

該細胞刺激活性を増強させる化合物は、本発明のレセプター蛋白質等の生理活性を増強するための安全で低毒性な医薬として有用である。

該細胞刺激活性を減弱させる化合物は、本発明のレセプター蛋白質等の生理活性を減少させるための安全で低毒性な医薬として有用である。

本発明のスクリーニング方法を用いて得られる化合物またはその塩を医薬組成物として使用する場合、常套手段に従って実施することができる。例えば、上記した本発明のレセプター蛋白質を含有する医薬と同様にして、錠剤、カプセル剤、エリキシル剤、マイクロカプセル剤、無菌性溶液、懸濁液剤などとすることができる。

このようにして得られる製剤は安全で低毒性であるので、例えば、ヒトや哺乳動物（例えば、ラット、マウス、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど）に対して投与することができる。

該化合物またはその塩の投与量は、投与対象、対象臓器、症状、投与方法などにより差異はあるが、経口投与の場合、一般的に例えば、高血圧患者（60 kgとして）においては、一日につき約0.1～100 mg、好ましくは約1.0～50 mg、より好ましくは約1.0～20 mgである。非経口的に投与する場合、その1回投与量は投与対象、対象臓器、症状、投与方法などによっても異なるが、例えば、注射剤の形では通常例えば、高血圧患者（60 kgと

して)においては、一日につき約0.01~30mg程度、好ましくは約0.1~20mg程度、より好ましくは約0.1~10mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60kgあたりに換算した量を投与することができる。

- 5 (5) 本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの発現量を変化させる化合物を含有する各種疾病の予防および/または治療剤

本発明のレセプター蛋白質は前述のとおり、例えば中枢機能など生体内で何らかの重要な役割を果たしていると考えられる。従って、本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの発現量を変化させる化合物は、本発明のレセ
10 プター蛋白質の機能不全に関連する疾患の予防および/または治療剤として用いることができる。

該化合物を本発明のレセプター蛋白質の機能不全に関連する疾患の予防および/または治療剤として使用する場合は、常套手段に従って製剤化することができる。

- 15 例えば、該化合物は、必要に応じて糖衣を施した錠剤、カプセル剤、エリキシル剤、マイクロカプセル剤などとして経口的に、あるいは水もしくはそれ以外の薬学的に許容し得る液との無菌性溶液、または懸濁液剤などの注射剤の形で非経口的に使用できる。例えば、該化合物を生理学的に認められる公知の担体、香味剤、賦形剤、ベヒクル、防腐剤、安定剤、結合剤などとともに一般に
20 認められた製剤実施に要求される単位用量形態で混和することによって製造することができる。これら製剤における有効成分量は指示された範囲の適当な容量が得られるようにするものである。

- 錠剤、カプセル剤などに混和することができる添加剤としては、例えばゼラチン、コーンスターチ、トラガント、アラビアゴムのような結合剤、結晶性セル
25 ルロースのような賦形剤、コーンスターチ、ゼラチン、アルギン酸などのような膨化剤、ステアリン酸マグネシウムのような潤滑剤、ショ糖、乳糖またはサッカリンのような甘味剤、ペパーミント、アカモノ油またはチェリーのような香味剤などが用いられる。調剤単位形態がカプセルである場合には、上記タイプの材料にさらに油脂のような液状担体を含有することができる。注射のため

の無菌組成物は注射用水のようなベヒクル中の活性物質、胡麻油、椰子油などのような天然産出植物油などを溶解または懸濁させるなどの通常の製剤実施に従って処方することができる。注射用の水性液としては、例えば、生理食塩水、ブドウ糖やその他の補助薬を含む等張液（例えば、D-ソルビトール、D-マンニトール、塩化ナトリウムなど）などが用いられ、適当な溶解補助剤、例えば、アルコール（例、エタノール）、ポリアルコール（例、プロピレングリコール、ポリエチレングリコール）、非イオン性界面活性剤（例、ポリソルベート 80TM、HCO-50）などと併用してもよい。油性液としては、例えば、ゴマ油、大豆油などが用いられ、溶解補助剤である安息香酸ベンジル、ベンジルアルコールなどと併用してもよい。

また、上記予防・治療剤は、例えば、緩衝剤（例えば、リン酸塩緩衝液、酢酸ナトリウム緩衝液）、無痛化剤（例えば、塩化ベンザルコニウム、塩酸プロカインなど）、安定剤（例えば、ヒト血清アルブミン、ポリエチレングリコールなど）、保存剤（例えば、ベンジルアルコール、フェノールなど）、酸化防止剤などと配合してもよい。調製された注射液は通常、適当なアンプルに充填される。

このようにして得られる製剤は安全で低毒性であるので、例えば、ヒトや哺乳動物（例えば、ラット、マウス、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど）に対して投与することができる。

該化合物またはその塩の投与量は、投与対象、対象臓器、症状、投与方法などにより差異はあるが、経口投与の場合、一般的に例えば、高血圧症患者（60 kgとして）においては、一日につき約0.1～100 mg、好ましくは約1.0～50 mg、より好ましくは約1.0～20 mgである。非経口的に投与する場合は、その1回投与量は投与対象、対象臓器、症状、投与方法などによっても異なるが、例えば、注射剤の形では通常例えば、高血圧症患者（60 kgとして）においては、一日につき約0.01～30 mg程度、好ましくは約0.1～20 mg程度、より好ましくは約0.1～10 mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60 kgあたりに換算した量を投与することができる。

(6) 本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質に対するリガンドの定量法

本発明のレセプター蛋白質等は、リガンドに対して結合性を有しているので、生体内におけるリガンド濃度を感度良く定量することができる。

本発明の定量法は、例えば、競合法と組み合わせることによって用いることができる。すなわち、被検体を本発明のレセプター蛋白質等と接触させることによって被検体中のリガンド濃度を測定することができる。具体的には、例えば、以下の①または②などに記載の方法あるいはそれに準じる方法に従って用いることができる。

①入江寛編「ラジオイムノアッセイ」(講談社、昭和49年発行)

10 ②入江寛編「続ラジオイムノアッセイ」(講談社、昭和54年発行)

(7) 本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質とリガンドとの結合性を变化させる化合物(アゴニスト、アンタゴニストなど)のスクリーニング方法

本発明のレセプター蛋白質等を用いるか、または組換え型レセプター蛋白質等の発現系を構築し、該発現系を用いたレセプター結合アッセイ系を用いることによって、リガンドと本発明のレセプター蛋白質等との結合性を变化させる化合物(例えば、ペプチド、蛋白質、非ペプチド性化合物、合成化合物、発酵生産物など)またはその塩を効率よくスクリーニングすることができる。

このような化合物には、(イ) G蛋白質共役型レセプターを介して細胞刺激活性(例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca^{2+} 遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など)を有する化合物(いわゆる、本発明のレセプター蛋白質に対するアゴニスト)、(ロ)該細胞刺激活性を有しない化合物(いわゆる、本発明のレセプター蛋白質に対するアンタゴニスト)、(ハ)リガンドと本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質との結合力を増強する化合物、あるいは(ニ)リガンドと本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質との結合力を減少させる化合物などが含まれる(なお、上記(イ)の化合物は、上記したリガンド決定方法によってスクリーニングすることが好ましい)。

すなわち、本発明は、(i)本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペ

- プチドまたはその塩と、リガンドとを接触させた場合と (ii) 本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩と、リガンドおよび試験化合物とを接触させた場合との比較を行なうことを特徴とするリガンドと本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩との結合性を变化
- 5 させる化合物またはその塩のスクリーニング方法を提供する。

本発明のスクリーニング方法においては、(i) と (ii) の場合における、例えば、該レセプター蛋白質等に対するリガンドの結合量、細胞刺激活性などを測定して、比較することを特徴とする。

より具体的には、本発明は、

- 10 ①標識したリガンドを、本発明のレセプター蛋白質等に接触させた場合と、標識したリガンドおよび試験化合物を本発明のレセプター蛋白質等に接触させた場合における、標識したリガンドの該レセプター蛋白質等に対する結合量を測定し、比較することを特徴とするリガンドと本発明のレセプター蛋白質等との結合性を变化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、
- 15 ②標識したリガンドを、本発明のレセプター蛋白質等を含有する細胞または該細胞の膜画分に接触させた場合と、標識したリガンドおよび試験化合物を本発明のレセプター蛋白質等を含有する細胞または該細胞の膜画分に接触させた場合における、標識したリガンドの該細胞または該膜画分に対する結合量を測定し、比較することを特徴とするリガンドと本発明のレセプター蛋白質等との結
- 20 合性を变化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、
- ③標識したリガンドを、本発明のDNAを含有する形質転換体を培養することによって細胞膜上に発現したレセプター蛋白質等に接触させた場合と、標識したリガンドおよび試験化合物を本発明のDNAを含有する形質転換体を培養することによって細胞膜上に発現した本発明のレセプター蛋白質等に接触させた
- 25 場合における、標識したリガンドの該レセプター蛋白質等に対する結合量を測定し、比較することを特徴とするリガンドと本発明のレセプター蛋白質等との結合性を变化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、
- ④本発明のレセプター蛋白質等を活性化する化合物（例えば、本発明のレセプター蛋白質等に対するリガンドなど）を本発明のレセプター蛋白質等を含有す

る細胞に接触させた場合と、本発明のレセプター蛋白質等を活性化する化合物および試験化合物を本発明のレセプター蛋白質等を含有する細胞に接触させた場合における、レセプターを介した細胞刺激活性（例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca^{2+} 遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など）を測定し、比較することを特徴とするリガンドと本発明のレセプター蛋白質等との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、および

⑤本発明のレセプター蛋白質等を活性化する化合物（例えば、本発明のレセプター蛋白質等に対するリガンドなど）を本発明のDNAを含有する形質転換体を培養することによって細胞膜上に発現した本発明のレセプター蛋白質等に接触させた場合と、本発明のレセプター蛋白質等を活性化する化合物および試験化合物を本発明のDNAを含有する形質転換体を培養することによって細胞膜上に発現した本発明のレセプター蛋白質等に接触させた場合における、レセプターを介する細胞刺激活性（例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca^{2+} 遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など）を測定し、比較することを特徴とするリガンドと本発明のレセプター蛋白質等との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法を提供する。

本発明のレセプター蛋白質等が得られる以前は、G蛋白質共役型レセプターアゴニストまたはアンタゴニストをスクリーニングする場合、まずラットなどのG蛋白質共役型レセプター蛋白質を含む細胞、組織またはその細胞膜画分を用いて候補化合物を得て（一次スクリーニング）、その後に該候補化合物が実際にヒトのG蛋白質共役型レセプター蛋白質とリガンドとの結合を阻害するか否かを確認する試験（二次スクリーニング）が必要であった。細胞、組織または細胞膜画分をそのまま用いれば他のレセプター蛋白質も混在するために、目的とするレセプター蛋白質に対するアゴニストまたはアンタゴニストを実際にスクリーニングすることは困難であった。

しかしながら、例えば、本発明のヒト由来レセプター蛋白質を用いることによって、一次スクリーニングの必要がなくなり、リガンドとG蛋白質共役型レセプター蛋白質との結合を阻害する化合物を効率良くスクリーニングすることができる。さらに、スクリーニングされた化合物がアゴニストかアンタゴニストかを簡便に評価することができる。

本発明のスクリーニング方法の具体的な説明を以下にする。

まず、本発明のスクリーニング方法に用いる本発明のレセプター蛋白質等としては、上記した本発明のレセプター蛋白質等を含有するものであれば何れのものであってもよいが、本発明のレセプター蛋白質等を含有する哺乳動物の臓器の細胞膜画分が好適である。しかし、特にヒト由来の臓器は入手が極めて困難なことから、スクリーニングに用いられるものとしては、組換え体を用いて大量発現させたヒト由来のレセプター蛋白質等などが適している。

本発明のレセプター蛋白質等を製造するには、前述の方法が用いられるが、本発明のDNAを哺乳細胞や昆虫細胞で発現することにより行なうことが好ましい。目的とする蛋白質部分をコードするDNA断片には相補DNAが用いられるが、必ずしもこれに制約されるものではない。例えば、遺伝子断片や合成DNAを用いてもよい。本発明のレセプター蛋白質をコードするDNA断片を宿主動物細胞に導入し、それらを効率よく発現させるためには、該DNA断片を昆虫を宿主とするバキュロウイルスに属する核多角体病ウイルス (nuclear polyhedrosis virus ; NPV) のポリヘドリンプロモーター、SV40由来のプロモーター、レトロウイルスのプロモーター、メタロチオネインプロモーター、ヒトヒートショックプロモーター、サイトメガロウイルスプロモーター、SR α プロモーターなどの下流に組み込むのが好ましい。発現したレセプターの量と質の検査はそれ自体公知の方法で行うことができる。例えば、文献 (Nambi, P. ら、ザ・ジャーナル・オブ・バイオロジカル・ケミストリー (J. Biol. Chem.), 267 巻, 19555~19559頁, 1992年) に記載の方法に従って行なうことができる。

したがって、本発明のスクリーニング方法において、本発明のレセプター蛋白質等を含有するものとしては、それ自体公知の方法に従って精製したレセプター蛋白質等であってもよいし、該レセプター蛋白質等を含有する細胞を用い

てもよく、また該レセプター蛋白質等を含有する細胞の膜画分を用いてもよい。

本発明のスクリーニング方法において、本発明のレセプター蛋白質等を含有する細胞を用いる場合、該細胞をグルタルアルデヒド、ホルマリンなどで固定化してもよい。固定化方法はそれ自体公知の方法に従って行なうことができる。

- 5 本発明のレセプター蛋白質等を含有する細胞としては、該レセプター蛋白質等を発現した宿主細胞をいうが、該宿主細胞としては、大腸菌、枯草菌、酵母、昆虫細胞、動物細胞などが好ましい。

- 細胞膜画分としては、細胞を破碎した後、それ自体公知の方法で得られる細胞膜が多く含まれる画分のことをいう。細胞の破碎方法としては、Potter-
10 Elvehjem型ホモジナイザーで細胞を押し潰す方法、ワーリングブレンダーやポリトロン（Kinematica社製）のよる破碎、超音波による破碎、フレンチプレスなどで加圧しながら細胞を細いノズルから噴出させることによる破碎などが挙げられる。細胞膜の分画には、分画遠心分離法や密度勾配遠心分離法などの遠心力による分画法が主として用いられる。例えば、細胞破碎液を低速（500
15 rpm～3000rpm）で短時間（通常、約1分～10分）遠心し、上清をさらに高速（15000rpm～30000rpm）で通常30分～2時間遠心し、得られる沈澱を膜画分とする。該膜画分中には、発現したレセプター蛋白質等と細胞由来のリン脂質や膜蛋白質などの膜成分が多く含まれる。

- 該レセプター蛋白質等を含有する細胞や膜画分中のレセプター蛋白質の量は、
20 1細胞当たり $10^3 \sim 10^8$ 分子であるのが好ましく、 $10^5 \sim 10^7$ 分子であるのが好適である。なお、発現量が多いほど膜画分当たりのリガンド結合活性（比活性）が高くなり、高感度なスクリーニング系の構築が可能になるばかりでなく、同一ロットで大量の試料を測定できるようになる。

- リガンドと本発明のレセプター蛋白質等との結合性を変化させる化合物をス
25 クリーニングする上記の①～③を実施するためには、例えば、適当なレセプター蛋白質画分と、標識したリガンドが必要である。

レセプター蛋白質画分としては、天然型のレセプター蛋白質画分か、またはそれと同等の活性を有する組換え型レセプター蛋白質画分などが望ましい。ここで、同等の活性とは、同等のリガンド結合活性、シグナル情報伝達作用など

を示す。

標識したリガンドとしては、標識したリガンド、標識したリガンドアナログ化合物などが用いられる。例えば $[^3\text{H}]$ 、 $[^{125}\text{I}]$ 、 $[^{14}\text{C}]$ 、 $[^{35}\text{S}]$ などで標識されたリガンドなどが用いられる。

- 5 具体的には、リガンドと本発明のレセプター蛋白質等との結合性を变化させる化合物のスクリーニングを行なうには、まず本発明のレセプター蛋白質等を含有する細胞または細胞の膜画分を、スクリーニングに適したバッファーに懸濁することによりレセプター蛋白質標品を調製する。バッファーには、pH 4 ~ 1.0 (望ましくは pH 6 ~ 8) のリン酸バッファー、トリス-塩酸バッファ
- 10 ーなどのリガンドとレセプター蛋白質との結合を阻害しないバッファーであればいずれでもよい。また、非特異的結合を低減させる目的で、CHAPS、Tween-80TM (花王-アトラス社)、ジギトニン、デオキシコレートなどの界面活性剤をバッファーに加えることもできる。さらに、プロテアーゼによるレセプターやリガンドの分解を抑える目的でPMSF、ロイペプチン、E-
15 64 (ペプチド研究所製)、ペプスタチンなどのプロテアーゼ阻害剤を添加することもできる。0.01ml ~ 10ml の該レセプター溶液に、一定量 (5000cpm ~ 500000cpm) の標識したリガンドを添加し、同時に 10^{-4}M ~ 10^{-10}M の試験化合物を共存させる。非特異的結合量 (NSB) を知るために大過剰の未標識のリガンドを加えた反応チューブも用意する。反応は約
20 4℃ から 50℃ 、望ましくは約 4℃ から 37℃ で、約 20 分から 24 時間、望ましくは約 30 分から 3 時間行う。反応後、ガラス繊維濾紙等で濾過し、適量の同バッファーで洗浄した後、ガラス繊維濾紙に残存する放射活性を液体シンチレーションカウンターまたは γ -カウンターで計測する。拮抗する物質がない場合のカウント (B_0) から非特異的結合量 (NSB) を引いたカウント ($B - \text{NSB}$) を 100% とした時、特異的結合量 ($B - \text{NSB}$) が、例えば、5
25 0% 以下になる試験化合物を拮抗阻害能力のある候補物質として選択することができる。

リガンドと本発明のレセプター蛋白質等との結合性を变化させる化合物スクリーニングする上記の④~⑤の方法を実施するためには、例えば、レセプター

蛋白質を介する細胞刺激活性（例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内Ca²⁺遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など）を公知の方法または市販の測定用キットを用いて測定することができる。

具体的には、まず、本発明のレセプター蛋白質等を含有する細胞をマルチウェルプレート等に培養する。スクリーニングを行なうにあたっては前もって新鮮な培地あるいは細胞に毒性を示さない適当なバッファーに交換し、試験化合物などを添加して一定時間インキュベートした後、細胞を抽出あるいは上清液を回収して、生成した産物をそれぞれの方法に従って定量する。細胞刺激活性の指標とする物質（例えば、アラキドン酸など）の生成が、細胞が含有する分解酵素によって検定困難な場合は、該分解酵素に対する阻害剤を添加してアッセイを行なってもよい。また、cAMP産生抑制などの活性については、フォルスコリンなどで細胞の基礎的産生量を増大させておいた細胞に対する産生抑制作用として検出することができる。

細胞刺激活性を測定してスクリーニングを行なうには、適当なレセプター蛋白質を発現した細胞が必要である。本発明のレセプター蛋白質等を発現した細胞としては、天然型の本発明のレセプター蛋白質等を有する細胞株、前述の組換え型レセプター蛋白質等を発現した細胞株などが望ましい。

試験化合物としては、例えば、ペプチド、タンパク、非ペプチド性化合物、合成化合物、発酵生産物、細胞抽出液、植物抽出液、動物組織抽出液などが用いられ、これら化合物は新規な化合物であってもよいし、公知の化合物であってもよい。

リガンドと本発明のレセプター蛋白質等との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング用キットは、本発明のレセプター蛋白質等、本発明のレセプター蛋白質等を含有する細胞、または本発明のレセプター蛋白質等を含有する細胞の膜画分を含有するものなどである。

本発明のスクリーニング用キットの例としては、次のものが挙げられる。

1. スクリーニング用試薬

①測定用緩衝液および洗浄用緩衝液

Hanks' Balanced Salt Solution (ギブコ社製) に、0.05%のウシ血清アルブミン (シグマ社製) を加えたもの。

- 5 孔径0.45 μm のフィルターで濾過滅菌し、4℃で保存するか、あるいは用時調製しても良い。

②G蛋白質共役型レセプター標品

本発明のレセプター蛋白質を発現させたCHO細胞を、12穴プレートに 5×10^5 個/穴で継代し、37℃、5% CO_2 、95% airで2日間培養したもの。

10 ③標識リガンド

市販の [^3H]、[^{125}I]、[^{14}C]、[^{35}S]などで標識したリガンド水溶液の状態のものを4℃あるいは-20℃にて保存し、用時に測定用緩衝液にて1 μM に希釈する。

④リガンド標準液

- 15 リガンドを0.1%ウシ血清アルブミン (シグマ社製) を含むPBSで1mMとなるように溶解し、-20℃で保存する。

2. 測定法

- ①12穴組織培養用プレートにて培養した本発明のレセプター蛋白質発現CHO細胞を、測定用緩衝液1mlで2回洗浄した後、490 μl の測定用緩衝液
20 を各穴に加える。

② $10^{-3} \sim 10^{-10}\text{M}$ の試験化合物溶液を5 μl 加えた後、標識リガンドを5 μl 加え、室温にて1時間反応させる。非特異的結合量を知るためには試験化合物の代わりに 10^{-3}M のリガンドを5 μl 加えておく。

- ③反応液を除去し、1mlの洗浄用緩衝液で3回洗浄する。細胞に結合した標
25 識リガンドを0.2N NaOH-1%SDSで溶解し、4mlの液体シンチレーターA (和光純薬製) と混合する。

④液体シンチレーションカウンター (バックマン社製) を用いて放射活性を測定し、Percent Maximum Binding (PMB) を次の式で求める。

$$PMB = [(B - NSB) / (B_0 - NSB)] \times 100$$

PMB : Percent Maximum Binding

B : 検体を加えた時の値

NSB : Non-specific Binding (非特異的結合量)

5 B₀ : 最大結合量

本発明のスクリーニング方法またはスクリーニング用キットを用いて得られる化合物またはその塩は、リガンドと本発明のレセプター蛋白質等との結合性を変化させる作用を有する化合物であり、具体的には、(イ) G蛋白質共役型
 10 レセプターを介して細胞刺激活性（例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内Ca²⁺遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など）を有する化合物（いわゆる、本発明のレセプター蛋白質に対するアゴニスト）、(ロ)
 15 該細胞刺激活性を有しない化合物（いわゆる、本発明のレセプター蛋白質に対するアンタゴニスト）、(ハ) リガンドと本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質との結合力を増強する化合物、あるいは(ニ) リガンドと本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質との結合力を減少させる化合物である。

該化合物としては、ペプチド、タンパク、非ペプチド性化合物、合成化合物、
 20 発酵生産物などが挙げられ、これら化合物は新規な化合物であってもよいし、公知の化合物であってもよい。

本発明のレセプター蛋白質等に対するアゴニストは、本発明のレセプター蛋白質等に対するリガンドが有する生理活性と同様の作用を有しているので、該リガンド活性に応じて安全で低毒性な医薬として有用である。

25 本発明のレセプター蛋白質等に対するアンタゴニストは、本発明のレセプター蛋白質等に対するリガンドが有する生理活性を抑制することができるので、該リガンド活性を抑制する安全で低毒性な医薬として有用である。

リガンドと本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質との結合力を増強する化合物は、本発明のレセプター蛋白質等に対するリガンドが有する生理活性を

増強するための安全で低毒性な医薬として有用である。

リガンドと本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質との結合力を減少させる化合物は、本発明のレセプター蛋白質等に対するリガンドが有する生理活性を減少させるための安全で低毒性な医薬として有用である。

5 本発明のスクリーニング方法またはスクリーニング用キットを用いて得られる化合物またはその塩を上述の医薬組成物として使用する場合、常套手段に従って実施することができる。例えば、上記した本発明のレセプター蛋白質を含有する医薬と同様にして、錠剤、カプセル剤、エリキシル剤、マイクロカプセル剤、無菌性溶液、懸濁液剤などとすることができる。

10 このようにして得られる製剤は安全で低毒性であるので、例えば、ヒトや哺乳動物（例えば、ラット、マウス、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど）に対して投与することができる。

該化合物またはその塩の投与量は、投与対象、対象臓器、症状、投与方法などにより差異はあるが、経口投与の場合、一般的に例えば、高血圧症患者（60 kgとして）においては、一日につき約0.1～100 mg、好ましくは約1.0～50 mg、より好ましくは約1.0～20 mgである。非経口的に投与する場合は、その1回投与量は投与対象、対象臓器、症状、投与方法などによっても異なるが、例えば、注射剤の形では通常例えば、高血圧症患者（60 kgとして）においては、一日につき約0.01～30 mg程度、好ましくは約0.1～20 mg程度、より好ましくは約0.1～10 mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60 kgあたりに換算した量を投与することができる。

（8）本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質とリガンドとの結合性を变化させる化合物（アゴニスト、アンタゴニスト）を含有する各種疾病の予防および/または治療剤

本発明のレセプター蛋白質は前述のとおり、例えば中枢機能など生体内で何らかの重要な役割を果たしていると考えられる。従って、本発明のレセプター蛋白質とリガンドとの結合性を变化させる化合物（アゴニスト、アンタゴニスト）は、本発明のレセプター蛋白質の機能不全に関連する疾患の予防および/

または治療剤として用いることができる。

該化合物を本発明のレセプター蛋白質の機能不全に関連する疾患の予防および／または治療剤として使用する場合は、常套手段に従って製剤化することができる。

- 5 例えば、該化合物は、必要に応じて糖衣を施した錠剤、カプセル剤、エリキシル剤、マイクロカプセル剤などとして経口的に、あるいは水もしくはそれ以外の薬学的に許容し得る液との無菌性溶液、または懸濁液剤などの注射剤の形で非経口的に使用できる。例えば、該化合物を生理学的に認められる公知の担体、香味剤、賦形剤、ベヒクル、防腐剤、安定剤、結合剤などとともに一般に
- 10 認められた製剤実施に要求される単位用量形態で混和することによって製造することができる。これら製剤における有効成分量は指示された範囲の適当な容量が得られるようにするものである。

- 錠剤、カプセル剤などに混和することができる添加剤としては、例えばゼラチン、コーンスターチ、トラガント、アラビアゴムのような結合剤、結晶性セル
- 15 ルロースのような賦形剤、コーンスターチ、ゼラチン、アルギン酸などのような膨化剤、ステアリン酸マグネシウムのような潤滑剤、ショ糖、乳糖またはサッカリンのような甘味剤、ペパーミント、アカモノ油またはチェリーのような香味剤などが用いられる。調剤単位形態がカプセルである場合には、上記タイプの材料にさらに油脂のような液状担体を含有することができる。注射のため
- 20 の無菌組成物は注射用水のようなベヒクル中の活性物質、胡麻油、椰子油などのような天然産出植物油などを溶解または懸濁させるなどの通常の製剤実施に従って処方することができる。注射用の水性液としては、例えば、生理食塩水、ブドウ糖やその他の補助薬を含む等張液（例えば、D-ソルビトール、D-マンニトール、塩化ナトリウムなど）などが用いられ、適当な溶解補助剤、例え
- 25 ば、アルコール（例、エタノール）、ポリアルコール（例、プロピレングリコール、ポリエチレングリコール）、非イオン性界面活性剤（例、ポリソルベート 80TM、HCO-50）などと併用してもよい。油性液としては、例えば、ゴマ油、大豆油などが用いられ、溶解補助剤である安息香酸ベンジル、ベンジルアルコールなどと併用してもよい。

また、上記予防・治療剤は、例えば、緩衝剤（例えば、リン酸塩緩衝液、酢酸ナトリウム緩衝液）、無痛化剤（例えば、塩化ベンザルコニウム、塩酸プロカインなど）、安定剤（例えば、ヒト血清アルブミン、ポリエチレングリコールなど）、保存剤（例えば、ベンジルアルコール、フェノールなど）、酸化防止剤などと配合してもよい。調製された注射液は通常、適当なアンプルに充填される。

このようにして得られる製剤は安全で低毒性であるので、例えば、ヒトや哺乳動物（例えば、ラット、マウス、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど）に対して投与することができる。

10 該化合物またはその塩の投与量は、投与対象、対象臓器、症状、投与方法などにより差異はあるが、経口投与の場合、一般的に例えば、高血圧症患者（60 kgとして）においては、一日につき約0.1～100 mg、好ましくは約1.0～50 mg、より好ましくは約1.0～20 mgである。非経口的に投与する場合は、その1回投与量は投与対象、対象臓器、症状、投与方法などによっても異なるが、例えば、注射剤の形では通常例えば、高血圧症患者（60 kgとして）においては、一日につき約0.01～30 mg程度、好ましくは約0.1～20 mg程度、より好ましくは約0.1～10 mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60 kgあたりに換算した量を投与することができる。

20 （9）本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩の定量

本発明の抗体は、本発明のレセプター蛋白質等を特異的に認識することができるので、被検液中の本発明のレセプター蛋白質等の定量、特にサンドイッチ免疫測定法による定量などに使用することができる。すなわち、本発明は、例えば、（i）本発明の抗体と、被検液および標識化レセプター蛋白質等とを競合的に反応させ、該抗体に結合した標識化レセプター蛋白質等の割合を測定することを特徴とする被検液中の本発明のレセプター蛋白質等の定量法、

25 （ii）被検液と担体上に不溶化した本発明の抗体および標識化された本発明の抗体とを同時あるいは連続的に反応させたのち、不溶化担体上の標識剤の活性

を測定することを特徴とする被検液中の本発明のレセプター蛋白質等の定量法を提供する。

上記 (ii) においては、一方の抗体が本発明のレセプター蛋白質等のN端部を認識する抗体で、他方の抗体が本発明のレセプター蛋白質等のC端部に反応する抗体であることが好ましい。

本発明のレセプター蛋白質等に対するモノクローナル抗体（以下、本発明のモノクローナル抗体と称する場合がある）を用いて本発明のレセプター蛋白質等の測定を行なえるほか、組織染色等による検出を行なうこともできる。これらの目的には、抗体分子そのものを用いてもよく、また、抗体分子のF(a b')₂、F a b'、あるいはF a b画分を用いてもよい。本発明のレセプター蛋白質等に対する抗体を用いる測定法は、特に制限されるべきものではなく、被測定液中の抗原量（例えば、レセプター蛋白質量）に対応した抗体、抗原もしくは抗体-抗原複合体の量を化学的または物理的手段により検出し、これを既知量の抗原を含む標準液を用いて作製した標準曲線より算出する測定法であれば、いずれの測定法を用いてもよい。例えば、ネフロメトリー、競合法、イムノメトリック法およびサンドイッチ法が好適に用いられるが、感度、特異性の点で、後述するサンドイッチ法を用いるのが特に好ましい。

標識物質を用いる測定法に用いられる標識剤としては、例えば、放射性同位元素、酵素、蛍光物質、発光物質などが用いられる。放射性同位元素としては、例えば、[¹²⁵I]、[¹³¹I]、[³H]、[¹⁴C]などが用いられる。上記酵素としては、安定で比活性の大きなものが好ましく、例えば、β-ガラクトシダーゼ、β-グルコシダーゼ、アルカリフォスファターゼ、パーオキシダーゼ、リンゴ酸脱水素酵素などが用いられる。蛍光物質としては、例えば、フルオレスカミン、フルオレッセンイソチオシアネートなどが用いられる。発光物質としては、例えば、ルミノール、ルミノール誘導体、ルシフェリン、ルシゲニンなどが用いられる。さらに、抗体あるいは抗原と標識剤との結合にビオチン-アビジン系を用いることもできる。

抗原あるいは抗体の不溶化に当っては、物理吸着を用いてもよく、また通常、蛋白質あるいは酵素等を不溶化、固定化するのに用いられる化学結合を用いる

方法でもよい。担体としては、例えば、アガロース、デキストラン、セルロースなどの不溶性多糖類、ポリスチレン、ポリアクリルアミド、シリコン等の合成樹脂、あるいはガラス等が用いられる。

5 サンドイッチ法においては不溶化した本発明のモノクローナル抗体に被検液を反応させ（１次反応）、さらに標識化した本発明のモノクローナル抗体を反応させ（２次反応）たのち、不溶化担体上の標識剤の活性を測定することにより被検液中の本発明のレセプター蛋白質量を定量することができる。１次反応と２次反応は逆の順序に行なっても、また、同時に行なってもよいし時間をずらして行なってもよい。標識化剤および不溶化の方法は上記のそれらに準じることが
10 ことができる。

また、サンドイッチ法による免疫測定法において、固相用抗体あるいは標識用抗体に用いられる抗体は必ずしも１種類である必要はなく、測定感度を向上させる等の目的で２種類以上の抗体の混合物を用いてもよい。

本発明のサンドイッチ法によるレセプター蛋白質等の測定法においては、
15 １次反応と２次反応に用いられる本発明のモノクローナル抗体はレセプター蛋白質等の結合する部位が相異なる抗体が好ましく用いられる。即ち、１次反応および２次反応に用いられる抗体は、例えば、２次反応で用いられる抗体が、レセプター蛋白質のＣ端部を認識する場合、１次反応で用いられる抗体は、好ましくはＣ端部以外、例えばＮ端部を認識する抗体が用いられる。

20 本発明のモノクローナル抗体をサンドイッチ法以外の測定システム、例えば、競合法、イムノメトリック法あるいはネフロメトリーなどに用いることができる。競合法では、被検液中の抗原と標識抗原とを抗体に対して競合的に反応させたのち、未反応の標識抗原と（Ｆ）と抗体と結合した標識抗原（Ｂ）とを分離し（Ｂ／Ｆ分離）、Ｂ、Ｆいずれかの標識量を測定し、被検液中の抗原量を定
25 量する。本反応法には、抗体として可溶性抗体を用い、Ｂ／Ｆ分離をポリエチレングリコール、上記抗体に対する第２抗体などを用いる液相法、および、第１抗体として固相化抗体を用いるか、あるいは、第１抗体は可溶性のものを用い第２抗体として固相化抗体を用いる固相化法とが用いられる。

イムノメトリック法では、被検液中の抗原と固相化抗原とを一定量の標識化

抗体に対して競合反応させた後固相と液相を分離するか、あるいは、被検液中の抗原と過剰量の標識化抗体とを反応させ、次に固相化抗原を加え未反応の標識化抗体を固相に結合させたのち、固相と液相を分離する。次に、いずれかの相の標識量を測定し被検液中の抗原量を定量する。

- 5 また、ネフロメトリーでは、ゲル内あるいは溶液中で抗原抗体反応の結果、生じた不溶性の沈降物の量を測定する。被検液中の抗原量が僅かであり、少量の沈降物しか得られない場合にもレーザーの散乱を利用するレーザーネフロメトリーなどが好適に用いられる。

- これら個々の免疫学的測定法を本発明の測定方法に適用するにあたっては、
10 特別の条件、操作等の設定は必要とされない。それぞれの方法における通常の条件、操作法に当業者の通常の技術的配慮を加えて本発明のレセプター蛋白質またはその塩の測定系を構築すればよい。これらの一般的な技術手段の詳細については、総説、成書などを参照することができる〔例えば、入江 寛編「ラジオイムノアッセイ」(講談社、昭和49年発行)、入江 寛編「続ラジオイ
15 ムノアッセイ」(講談社、昭和54年発行)、石川栄治ら編「酵素免疫測定法」(医学書院、昭和53年発行)、石川栄治ら編「酵素免疫測定法」(第2版)(医学書院、昭和57年発行)、石川栄治ら編「酵素免疫測定法」(第3版)(医学書院、昭和62年発行)、「メソッズ・イン・エンジモロジー (Methods in ENZYMOLOGY)」Vol. 70(Immunochemical Techniques(Part A))、同書 Vol.
20 73(Immunochemical Techniques(Part B))、同書 Vol. 74(Immunochemical Techniques(Part C))、同書 Vol. 84(Immunochemical Techniques(Part D:Selected Immunoassays))、同書 Vol. 92(Immunochemical Techniques(Part E:Monoclonal Antibodies and General Immunoassay Methods))、同書 Vol. 121(Immunochemical Techniques(Part I:Hybridoma Technology and Monoclonal
25 Antibodies)) (以上、アカデミックプレス社発行)など参照〕。

以上のように、本発明の抗体を用いることによって、本発明のレセプター蛋白質またはその塩を感度良く定量することができる。

さらに、本発明の抗体を用いて、生体内での本発明のレセプター蛋白質またはその塩を定量することによって、本発明のレセプター蛋白質の機能不全に関

連する各種疾患の診断をすることができる。

また、本発明の抗体は、体液や組織などの被検体中に存在する本発明のレセプター蛋白質等を特異的に検出するために使用することができる。また、本発明のレセプター蛋白質等を精製するために使用する抗体カラムの作製、精製時
5 の各分画中の本発明のレセプター蛋白質等の検出、被検細胞内における本発明のレセプター蛋白質の挙動の分析などのために使用することができる。

(10) 細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を変化させる化合物のスクリーニング方法

本発明の抗体は、本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩を特異的に認識することができるので、細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を変化させる化合物のスクリーニングに用いることができる。

すなわち本発明は、例えば、

(i) 非ヒト哺乳動物の①血液、②特定の臓器、③臓器から単離した組織もしくは細胞等を破壊した後、細胞膜画分を単離し、細胞膜画分に含まれる本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドを定量することによる、細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を変化させる化合物のスクリーニング方法、
15

(ii) 本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドを発現する形質転換体等を破壊した後、細胞膜画分を単離し、細胞膜画分に含まれる本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドを定量することによる、細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を変化させる化合物のスクリーニング方法、
20

(iii) 非ヒト哺乳動物の①血液、②特定の臓器、③臓器から単離した組織もしくは細胞等を切片とした後、免疫染色法を用いることにより、細胞表層での該受容体タンパク質の染色度合いを定量化することにより、細胞膜上の該タンパク質を確認することによる、細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を変化させる化合物のスクリーニング方法を提供する。
25

(iv) 本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドを発現する形質転

換体等を切片とした後、免疫染色法を用いることにより、細胞表層での該受容体タンパク質の染色度合いを定量化することにより、細胞膜上の該タンパク質を確認することによる、細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を変化させる化合物のスクリーニング方法を提供する。

- 5 細胞膜画分に含まれる本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの定量は具体的には以下のようにして行なう。

- (i) 正常あるいは疾患モデル非ヒト哺乳動物（例えば、マウス、ラット、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど、より具体的には痴呆ラット、肥満マウス、動脈硬化ウサギ、担癌マウスなど）に対して、薬剤（例えば、
10 抗痴呆薬、血圧低下薬、抗癌剤、抗肥満薬など）あるいは物理的ストレス（例えば、浸水ストレス、電気ショック、明暗、低温など）などを与え、一定時間経過した後、血液、あるいは特定の臓器（例えば、脳、肝臓、腎臓など）、または臓器から単離した組織、あるいは細胞を得る。得られた臓器、組織または細胞等を、例えば、適当な緩衝液（例えば、トリス塩酸緩衝液、リン酸緩衝液、ヘペス緩衝液など）等に懸濁し、臓器、組織あるいは細胞を破壊し、界面
15 活性剤（例えば、トリトンX100TM、ツイーン20TMなど）などを用い、さらに遠心分離や濾過、カラム分画などの手法を用いて細胞膜画分を得る。

- 細胞膜画分としては、細胞を破碎した後、それ自体公知の方法で得られる細胞膜が多く含まれる画分のことをいう。細胞の破碎方法としては、Potter-
20 Elvehjem型ホモジナイザーで細胞を押し潰す方法、ワーリングブレンダーやポリトロン（Kinematica社製）のよる破碎、超音波による破碎、フレンチプレスなどで加圧しながら細胞を細いノズルから噴出させることによる破碎などが挙げられる。細胞膜の分画には、分画遠心分離法や密度勾配遠心分離法などの遠心力による分画法が主として用いられる。例えば、細胞破碎液を低速（500
25 rpm～3000rpm）で短時間（通常、約1分～10分）遠心し、上清をさらに高速（15000rpm～30000rpm）で通常30分～2時間遠心し、得られる沈澱を膜画分とする。該膜画分中には、発現したレセプター蛋白質等と細胞由来のリン脂質や膜蛋白質などの膜成分が多く含まれる。

細胞膜画分に含まれる本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドは、

例えば、本発明の抗体を用いたサンドイッチ免疫測定法、ウエスタンブロット解析などにより定量することができる。

かかるサンドイッチ免疫測定法は前述の方法と同様にして行なうことができ、ウエスタンブロットは自体公知の手段により行なうことができる。

- 5 (ii) 本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドを発現する形質転換体を前述の方法に従い作製し、細胞膜画分に含まれる本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドを定量することができる。

細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を変化させる化合物のスクリーニングは、

- 10 (i) 正常あるいは疾患モデル非ヒト哺乳動物に対して、薬剤あるいは物理的ストレスなどを与える一定時間前（30分前ないし24時間前、好ましくは30分前ないし12時間前、より好ましくは1時間前ないし6時間前）もしくは一定時間後（30分後ないし3日後、好ましくは1時間後ないし2日後、より好ましくは1時間後ないし24時間後）、または薬剤あるいは物理的ストレス
15 と同時に被検化合物を投与し、投与後一定時間経過後（30分後ないし3日後、好ましくは1時間後ないし2日後、より好ましくは1時間後ないし24時間後）、細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を定量することにより行なうことができ、

- (ii) 形質転換体を常法に従い培養する際に被検化合物を培地中に混合させ、
20 一定時間培養後（1日後ないし7日後、好ましくは1日後ないし3日後、より好ましくは2日後ないし3日後）、細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を定量することにより行なうことができる。

細胞膜画分に含まれる本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの確認は具体的には以下のようにして行なう。

- 25 (iii) 正常あるいは疾患モデル非ヒト哺乳動物（例えば、マウス、ラット、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど、より具体的には痴呆ラット、肥満マウス、動脈硬化ウサギ、担癌マウスなど）に対して、薬剤（例えば、抗痴呆薬、血圧低下薬、抗癌剤、抗肥満薬など）あるいは物理的ストレス（例えば、浸水ストレス、電気ショック、明暗、低温など）などを与え、一定時間

経過した後に、血液、あるいは特定の臓器（例えば、脳、肝臓、腎臓など）、または臓器から単離した組織、あるいは細胞を得る。得られた臓器、組織または細胞等を、常法に従い組織切片とし、本発明の抗体を用いて免疫染色を行う。細胞表層での該受容体タンパク質の染色度合いを定量化することにより、細胞膜上の該タンパク質を確認することにより、定量的または定性的に、細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を確認することができる。

- (iv) 本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドを発現する形質転換体等を用いて同様の手段をとることにより確認することもできる。
- 10 本発明のスクリーニング方法を用いて得られる化合物またはその塩は、細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を変化させる作用を有する化合物であり、具体的には、（イ）細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を増加させることにより、G蛋白質共役型レセプターを介する細胞刺激活性（例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca^{2+} 遊離、細胞内 cAMP 生成、細胞内 cGMP 生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fos の活性化、pH の低下などを促進する活性または抑制する活性など）を増強させる化合物、（ロ）細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を減少させることにより、該細胞刺激活性を減弱させる化合物である。
- 15 20

該化合物としては、ペプチド、タンパク、非ペプチド性化合物、合成化合物、発酵生産物などが挙げられ、これら化合物は新規な化合物であってもよいし、公知の化合物であってもよい。

- 該細胞刺激活性を増強させる化合物は、本発明のレセプター蛋白質等の生理活性を増強するための安全で低毒性な医薬として有用である。
- 25

該細胞刺激活性を減弱させる化合物は、本発明のレセプター蛋白質等の生理活性を減少させるための安全で低毒性な医薬として有用である。

本発明のスクリーニング方法を用いて得られる化合物またはその塩を医薬組成物として使用する場合、常套手段に従って実施することができる。例えば、

上記した本発明のレセプター蛋白質を含有する医薬と同様にして、錠剤、カプセル剤、エリキシル剤、マイクロカプセル剤、無菌性溶液、懸濁液剤などとすることができる。

このようにして得られる製剤は安全で低毒性であるので、例えば、ヒトや哺乳動物（例えば、ラット、マウス、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど）に対して投与することができる。

該化合物またはその塩の投与量は、投与対象、対象臓器、症状、投与方法などにより差異はあるが、経口投与の場合、一般的に例えば、高血圧症患者（60 kg として）においては、一日につき約0.1～100 mg、好ましくは約10～50 mg、より好ましくは約1.0～20 mg である。非経口的に投与する場合は、その1回投与量は投与対象、対象臓器、症状、投与方法などによっても異なるが、例えば、注射剤の形では通常例えば、高血圧症患者（60 kg として）においては、一日につき約0.01～30 mg 程度、好ましくは約0.1～20 mg 程度、より好ましくは約0.1～10 mg 程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60 kg 当りに換算した量を投与することができる。

（11）細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を変化させる化合物を含有する各種疾病の予防および／または治療剤

本発明のレセプター蛋白質は前述のとおり、例えば中枢機能など生体内で何らかの重要な役割を果たしていると考えられる。従って、細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を変化させる化合物は、本発明のレセプター蛋白質の機能不全に関連する疾患の予防および／または治療剤として用いることができる。

該化合物を本発明のレセプター蛋白質の機能不全に関連する疾患の予防および／または治療剤として使用する場合は、常套手段に従って製剤化することができる。

例えば、該化合物は、必要に応じて糖衣を施した錠剤、カプセル剤、エリキシル剤、マイクロカプセル剤などとして経口的に、あるいは水もしくはそれ以外の薬学的に許容し得る液との無菌性溶液、または懸濁液剤などの注射剤の形

で非経口的に使用できる。例えば、該化合物を生理学的に認められる公知の担体、香味剤、賦形剤、ベヒクル、防腐剤、安定剤、結合剤などとともに一般に認められた製剤実施に要求される単位用量形態で混和することによって製造することができる。これら製剤における有効成分量は指示された範囲の適当な容量が得られるようにするものである。

錠剤、カプセル剤などに混和することができる添加剤としては、例えばゼラチン、コーンスターチ、トラガント、アラビアゴムのような結合剤、結晶性セルロースのような賦形剤、コーンスターチ、ゼラチン、アルギン酸などのような膨化剤、ステアリン酸マグネシウムのような潤滑剤、ショ糖、乳糖またはサッカリンのような甘味剤、ペパーミント、アカモノ油またはチェリーのような香味剤などが用いられる。調剤単位形態がカプセルである場合には、上記タイプの材料にさらに油脂のような液状担体を含有することができる。注射のための無菌組成物は注射用水のようなベヒクル中の活性物質、胡麻油、椰子油などのような天然産出植物油などを溶解または懸濁させるなどの通常の製剤実施に従って処方することができる。注射用の水性液としては、例えば、生理食塩水、ブドウ糖やその他の補助薬を含む等張液（例えば、D-ソルビトール、D-マンニトール、塩化ナトリウムなど）などが用いられ、適当な溶解補助剤、例えば、アルコール（例、エタノール）、ポリアルコール（例、プロピレングリコール、ポリエチレングリコール）、非イオン性界面活性剤（例、ポリソルベート 80TM、HCO-50）などと併用してもよい。油性液としては、例えば、ゴマ油、大豆油などが用いられ、溶解補助剤である安息香酸ベンジル、ベンジルアルコールなどと併用してもよい。

また、上記予防・治療剤は、例えば、緩衝剤（例えば、リン酸塩緩衝液、酢酸ナトリウム緩衝液）、無痛化剤（例えば、塩化ベンザルコニウム、塩酸プロカインなど）、安定剤（例えば、ヒト血清アルブミン、ポリエチレングリコールなど）、保存剤（例えば、ベンジルアルコール、フェノールなど）、酸化防止剤などと配合してもよい。調製された注射液は通常、適当なアンプルに充填される。

このようにして得られる製剤は安全で低毒性であるので、例えば、ヒトや哺乳

乳動物（例えば、ラット、マウス、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど）に対して投与することができる。

該化合物またはその塩の投与量は、投与対象、対象臓器、症状、投与方法などにより差異はあるが、経口投与の場合、一般的に例えば、高血圧症患者（60 kgとして）においては、一日につき約0.1～100 mg、好ましくは約1.0～50 mg、より好ましくは約1.0～20 mgである。非経口的に投与する場合は、その1回投与量は投与対象、対象臓器、症状、投与方法などによっても異なるが、例えば、注射剤の形では通常例えば、高血圧症患者（60 kgとして）においては、一日につき約0.01～30 mg程度、好ましくは約0.1～20 mg程度、より好ましくは約0.1～10 mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60 kgあたりに換算した量を投与することができる。

（12）本発明のレセプター蛋白質、その部分ペプチドまたはそれらの塩に対する抗体による中和

15 本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩に対する抗体の、それらレセプター蛋白質などに対する中和活性とは、即ち、該レセプター蛋白質の関与するシグナル伝達機能を不活性化する活性を意味する。従って、該抗体が中和活性を有する場合は、該レセプター蛋白質の関与するシグナル伝達、例えば、該レセプター蛋白質を介する細胞刺激活性（例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca^{2+} 遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など）を不活性化することができる。従って、該レセプター蛋白質の過剰発現などに起因する疾患の予防および／または治療に用いることができる。

25 （13）本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードするDNAを有する動物の作製

本発明のDNAを用いて、本発明のレセプター蛋白質等を発現するトランスジェニック動物を作製することができる。動物としては、哺乳動物（例えば、

ラット、マウス、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど）など（以下、動物と略記する場合がある）が挙げれるが、特に、マウス、ウサギなどが好適である。

本発明のDNAを対象動物に転移させるにあたっては、該DNAを動物細胞
5 で発現させうるプロモーターの下流に結合した遺伝子コンストラクトとして用いるのが一般に有利である。例えば、ウサギ由来の本発明のDNAを転移させる場合、これと相同性が高い動物由来の本発明のDNAを動物細胞で発現させる各種プロモーターの下流に結合した遺伝子コンストラクトを、例えば、ウサギ受精卵へマイクロインジェクションすることによって本発明のレセプター
10 蛋白質等を高産生するDNA転移動物を作成できる。このプロモーターとしては、例えば、ウイルス由来プロモーター、メタロチオネイン等のユビキアスな発現プロモーターも使用しうるが、好ましくは脳で特異的に発現するNGF遺伝子プロモーターやエノラーゼ遺伝子プロモーターなどが用いられる。

受精卵細胞段階における本発明のDNAの転移は、対象動物の胚芽細胞および体細胞の全てに存在するように確保される。DNA転移後の作出動物の胚芽細胞において本発明のレセプター蛋白質等が存在することは、作出動物の子孫が全てその胚芽細胞及び体細胞の全てに本発明のレセプター蛋白質等を有することを意味する。遺伝子を受け継いだこの種の動物の子孫はその胚芽細胞および体細胞の全てに本発明のレセプター蛋白質等を有する。

20 本発明のDNA転移動物は、交配により遺伝子を安定に保持することを確認して、該DNA保有動物として通常の飼育環境で飼育継代を行うことができる。さらに、目的DNAを保有する雌雄の動物を交配することにより、導入遺伝子を相同染色体の両方に持つホモザイゴート動物を取得し、この雌雄の動物を交配することによりすべての子孫が該DNAを有するように繁殖継代することが
25 できる。

本発明のDNAが転移された動物は、本発明のレセプター蛋白質等が高発現させられているので、本発明のレセプター蛋白質等に対するアゴニストまたはアンタゴニストのスクリーニング用の動物などとして有用である。

本発明のDNA転移動物を、組織培養のための細胞源として使用することも

できる。例えば、本発明のDNA転移マウスの組織中のDNAもしくはRNAを直接分析するか、あるいは遺伝子により発現された本発明のレセプター蛋白質が存在する組織を分析することにより、本発明のレセプター蛋白質等について分析することができる。本発明のレセプター蛋白質等を有する組織の細胞を

5 標準組織培養技術により培養し、これらを使用して、例えば、脳や末梢組織由来のような一般に培養困難な組織からの細胞の機能を研究することができる。また、その細胞を用いることにより、例えば、各種組織の機能を高めるような医薬の選択も可能である。また、高発現細胞株があれば、そこから、本発明のレセプター蛋白質等を単離精製することも可能である。

10 本明細書および図面において、塩基やアミノ酸などを略号で表示する場合、IUPAC-IUB Commission on Biochemical Nomenclature による略号あるいは当該分野における慣用略号に基づくものであり、その例を下記する。またアミノ酸に関し光学異性体があり得る場合は、特に明示しなければL体を示すものとする。

15	DNA	: デオキシリボ核酸
	cDNA	: 相補的デオキシリボ核酸
	A	: アデニン
	T	: チミン
	G	: グアニン
20	C	: シトシン
	RNA	: リボ核酸
	mRNA	: メッセンジャーリボ核酸
	dATP	: デオキシアデノシン三リン酸
	dTTP	: デオキシチミジン三リン酸
25	dGTP	: デオキシグアノシン三リン酸
	dCTP	: デオキシシチジン三リン酸
	ATP	: アデノシン三リン酸
	EDTA	: エチレンジアミン四酢酸
	SDS	: ドデシル硫酸ナトリウム

	G l y	: グリシン
	A l a	: アラニン
	V a l	: バリン
	L e u	: ロイシン
5	I l e	: イソロイシン
	S e r	: セリン
	T h r	: スレオニン
	C y s	: システイン
	M e t	: メチオニン
10	G l u	: グルタミン酸
	A s p	: アスパラギン酸
	L y s	: リジン
	A r g	: アルギニン
	H i s	: ヒスチジン
15	P h e	: フェニルアラニン
	T y r	: チロシン
	T r p	: トリプトファン
	P r o	: プロリン
	A s n	: アスパラギン
20	G l n	: グルタミン
	p G l u	: ピログルタミン酸
	M e	: メチル基
	E t	: エチル基
	B u	: ブチル基
25	P h	: フェニル基
	T C	: チアゾリジン-4 (R) -カルボキサミド基

また、本明細書中で繁用される置換基、保護基および試薬を下記の記号で表記する。

	T o s	: p-トルエンスルフォニル
	CHO	:ホルミル
	B z l	: ベンジル
	Cl ₂ Bzl	: 2, 6-ジクロロベンジル
5	B o m	: ベンジルオキシメチル
	Z	: ベンジルオキシカルボニル
	C l - Z	: 2-クロロベンジルオキシカルボニル
	B r - Z	: 2-ブロモベンジルオキシカルボニル
	B o c	: t-ブトキシカルボニル
10	DNP	: ジニトロフェノール
	T r t	: トリチル
	B u m	: t-ブトキシメチル
	Fm o c	: N-9-フルオレニルメトキシカルボニル
	H O B t	: 1-ヒドロキシベンズトリアゾール
15	H O O B t	: 3, 4-ジヒドロ-3-ヒドロキシ-4-オキソ- 1, 2, 3-ベンゾトリアジン
	H O N B	: 1-ヒドロキシ-5-ノルボルネン-2, 3-ジカルボキシイミド
	D C C	: N, N'-ジシクロヘキシルカルボジイミド

本明細書の配列表の配列番号は、以下の配列を示す。

20 〔配列番号：1〕

本発明のラット脳幹周辺部由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質 r O T 7 T 0 0 9 Cのアミノ酸配列を示す。

〔配列番号：2〕

25 本発明のラット脳幹周辺部由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質 r O T 7 T 0 0 9 Tのアミノ酸配列を示す。

〔配列番号：3〕

配列番号：1で表わされるアミノ酸配列を有する本発明のラット脳幹周辺部由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質 r O T 7 T 0 0 9 Cをコードするc DNAの塩基配列を示す。

〔配列番号：4〕

配列番号：2で表わされるアミノ酸配列を有する本発明のラット脳幹周辺部由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質 rOT7T009TをコードするcDNAの塩基配列を示す。

5 〔配列番号：5〕

本発明のラット脳幹周辺部由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質 rOT7T009CおよびrOT7T009TをコードするcDNAをクローニングするために使用したプライマー1の塩基配列を示す。

〔配列番号：6〕

10 本発明のラット脳幹周辺部由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質 rOT7T009CおよびrOT7T009TをコードするcDNAをクローニングするために使用したプライマー2の塩基配列を示す。

〔配列番号：7〕

15 本発明のヒト胎児脳由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質 hOT7T009のアミノ酸配列を示す。

〔配列番号：8〕

配列番号：7で表わされるアミノ酸配列を有する本発明のヒト胎児脳由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質 hOT7T009をコードするcDNAの塩基配列を示す。

20 〔配列番号：9〕

本発明のヒト胎児脳由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質 hOT7T009をコードするcDNAをクローニングするために使用したプライマー3の塩基配列を示す。

〔配列番号：10〕

25 本発明のヒト胎児脳由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質 hOT7T009をコードするcDNAをクローニングするために使用したプライマー4の塩基配列を示す。

〔配列番号：11〕

本発明のヒト胎児脳由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質 hOT7T0

09をコードするcDNAをクローニングするために使用したプライマー5の塩基配列を示す。

〔配列番号：12〕

本発明のヒト胎児脳由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質hOT7T0
5 09をコードするcDNAをクローニングするために使用したプライマー6の塩基配列を示す。

後述の実施例1で得られた形質転換体エシェリヒア コリ (Escherichia coli)DH10B/pAK-rOT009Cは、平成10年10月19日から通商産業省工業技術院生命工学工業技術研究所(NIBH)に寄託番号FERM
10 BP-6550として、平成10年10月01日から財団法人・発酵研究所(IFO)に寄託番号IFO 16208として寄託されている。

後述の実施例2で得られた形質転換体エシェリヒア コリ (Escherichia coli)DH10B/pAK-hOT009は、平成10年12月21日から通商産業省工業技術院生命工学工業技術研究所(NIBH)に寄託番号FERM B
15 P-6610として、平成10年12月07日から財団法人・発酵研究所(IFO)に寄託番号IFO 16223として寄託されている。

以下に実施例を示して、本発明をより詳細に説明するが、これらは本発明の範囲を限定するものではない。なお、大腸菌を用いての遺伝子操作法は、モレキュラー・クローニング(Molecular cloning)に記載されている方法に従った。

20

実施例1 ラット脳幹周辺部脳幹周辺部のG蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードするcDNAのクローニングと塩基配列の決定

ラット脳幹周辺部脳幹周辺部cDNAを鋳型とし、2個のプライマー、プライマー1(配列番号：5)およびプライマー2(配列番号：6)を用いてPCR
25 R反応を行った。該反応における反応液の組成は上記cDNAの10分の1量を鋳型として使用し、Advantage cDNA Polymerase Mix (CLONTECH社)1/50量、プライマー1(配列番号：5)およびプライマー2(配列番号：6)を各0.2μM、dNTPs 200μM、および酵素に添付のバッファーを加え、50μlの液量とした。PCR反応は、

① 94℃・2分の後、② 94℃・30秒、72℃・2分のサイクルを3回、
③ 94℃・30秒、68℃・2分のサイクルを3回、④ 94℃・30秒、64℃・30秒、68℃2分のサイクルを30回繰り返す、⑤ 最後に68℃・8分の伸長反応を行った。該PCR反応後の反応産物をTAクローニングキット
5 (Invitrogen社)の処方に従いプラスミドベクターpCR2.1(Invitrogen社)へサブクローニングした。これを大腸菌DH5αに導入し、cDNAをもつクローンをアンピシリンを含むLB寒天培地中で選択した後、個々のクローンの配列を解析した結果、新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードするcDNA配列(配列番号:3および4)を得た。このcDNA
10 Aより導き出されるアミノ酸配列(配列番号:1および2)を含有する新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質をrOT7T009(配列番号:1を含有する蛋白:rOT7T009C;配列番号:2を含有する蛋白:rOT7T009T)と命名した。

本発明のラット脳幹周辺部脳幹周辺部由来のG蛋白質共役型レセプター蛋白質rOT7T009CをコードするcDNA(配列番号:3)がサブクローニングされたプラスミドpAK-rOT009Cを、自体公知の方法に従い大腸菌(Escherichia coli)DH10Bに導入して、形質転換体:大腸菌(Escherichia coli)DH10B/pAK-rOT009Cを得た。

20 実施例2 ヒト胎児脳由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質hOT7T009のcDNAのクローニングと塩基配列の決定

ヒト胎児脳cDNA(CLONTECH社)を鋳型とし、2個のプライマー、プライマー3(配列番号:9)およびプライマー4(配列番号:10)を用いてPCR反応を行った。該反応における反応液の組成は上記cDNAの25分の1量を鋳型として使用し、Advantage cDNA Polymerase Mix(CLONTECH社)1/50量、プライマー3(配列番号:9)およびプライマー4(配列番号:10)を各0.2μM、dNTPs 200μM、および酵素に添付のバッファーを加え、25μlの液量とした。PCR反応は、① 94℃・2分の後、② 94℃・20秒、70℃・2分のサイ

クルを3回、③ 94℃・20秒、66℃・20秒、68℃・2分のサイクルを3回、④ 94℃・20秒、62℃・20秒、68℃・2分のサイクルを32回繰り返す、⑤ 最後に68℃・7分の伸長反応を行った。該PCR反応後の反応産物をTAクローニングキット(Invitrogen社)の処方に従いプラスミドベクターpCR2.1(Invitrogen社)へサブクローニングした。

5 これを大腸菌DH5αに導入し、cDNAをもつクローンをアンピシリンを含むLB寒天培地中で選択した後、個々のクローンの配列を解析した結果、新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードするcDNA配列(配列番号:8)を得た。このcDNAより導き出されるアミノ酸配列(配列番号:7を含有する新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質をhOT7T009と命名した。

10

上記クローンから自体公知の方法に従いプラスミドを精製し、それを鋳型として、2個のプライマー、プライマー5(配列番号:11)およびプライマー6(配列番号:12)を用いてPCR反応を行った。該反応における反応液の組成は上記プラスミド約100pgを鋳型として使用し、Advantage

15 cDNA Polymerase Mix (CLONTECH社) 1/50量、プライマー3(配列番号:9)およびプライマー4(配列番号:10)を各0.2μM、dNTPs 200μM、および酵素に添付のバッファーを加え、25μlの液量とした。PCR反応は、① 94℃・2分の後、② 94℃・20秒、72℃・2分のサイクルを3回、③ 94℃・20秒、68℃・2分のサイ

20 クルを3回、④ 94℃・20秒、64℃・20秒、68℃・2分のサイクルを25回繰り返す、⑤ 最後に68℃・7分の伸長反応を行った。該PCR反応後の反応産物をTAクローニングキット(Invitrogen社)の処方に従いプラスミドベクターpCR2.1(Invitrogen社)へサブクローニングした。

25 これを自体公知の方法に従い大腸菌(Escherichia coli) DH5αに導入して、形質転換体:大腸菌(Escherichia coli) DH5α/pCR2.1-hOT7T009を得た。さらにこのプラスミドから制限酵素SalI/SpeIによって切り出した本発明のヒト胎児脳由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質hOT7T009をコードするcDNA(配列番号:8)がサブクローニングされたプ

ラスミド pAK-hOT009 を、自体公知の方法に従い大腸菌 (*Escherichia coli*) DH10B に導入して、形質転換体: 大腸菌 (*Escherichia coli*) DH10B/pAK-hOT009 を得た。

5 実施例 3 rOT7T009 発現 CHO 細胞の樹立

直径 10 cm の組織培養用シャーレに 5×10^5 個の CHO dhfr 細胞を播種し、24 時間培養した。実施例 1 で得られた rOT7T009C 発現ベクター pAK-rOT009C を $10 \mu\text{g}$ 用い、非リポソーム法による遺伝子導入キット (FuGENE6 トランスフェクションリジェント、ベーリンガーマンハイム社) を用いて、DNA・試薬の複合体を形成させた。培地を新鮮なものに交換し、これに DNA・試薬の複合体を添加して 30 時間インキュベートした。その後、トリプシン-EDTA 処理によってシャーレ内の細胞を回収し、形質転換体選択用の培地で、細胞密度が希薄な状態にて再培養を行うことによって、形質転換体の割合の増加を図った。これにより、rOT7T009C を安定に高発現する細胞株 CHO-rOT7T009C のクローンを得た。

選択した rOT7T009 発現 CHO 細胞から常法に従い、全 RNA を抽出した後、TaqMan 法により rOT7T009C の mRNA 量を測定・コピー数を算出した。結果を下表に示す。

20 表 1

クローン No.	発現量 (コピー/ng 全 RNA)
3	6335
5	4669
14	4678
18	5852
20	7602
21	3400
28	5500
29	4917

産業上の利用可能性

- 本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩、該レセプター蛋白質またはその部分ペプチドをコードするポリヌクレオチド（例えば、DNA、RNAおよびそれらの誘導体）は、①リガンド（アゴニスト）の決定、②抗体および抗血清の入手、③組換え型レセプター蛋白質の発現系の構築、④同発現系を用いたレセプター結合アッセイ系の開発と医薬品候補化合物のスクリーニング、⑤構造的に類似したリガンド・レセプターとの比較にもとづいたドラッグデザインの実施、⑥遺伝子診断におけるプローブやPCRプライマーの作成のための試薬、⑦トランスジェニック動物の作製または⑧遺伝子予防・治療剤等の医薬等として用いることができる。

請求の範囲

1. 配列番号：1 で表わされるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有することを特徴とするG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩。
2. 配列番号：1 で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列が配列番号：2 または配列番号：7 で表わされるアミノ酸配列である請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩。
3. 請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質の部分ペプチドまたはその塩。
4. 請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードする塩基配列を有するポリヌクレオチドを含有するポリヌクレオチド。
5. DNAである請求項4記載のポリヌクレオチド。
6. 配列番号：3、配列番号：4 または配列番号：8 で表される塩基配列を有する請求項4記載のポリヌクレオチド。
7. 請求項4記載のポリヌクレオチドを含有する組換えベクター。
8. 請求項7記載の組換えベクターで形質転換させた形質転換体。
9. 請求項8記載の形質転換体を培養し、請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質を生成せしめることを特徴とする請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩の製造法。
10. 請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは請求項3記載の部分ペプチドまたはその塩に対する抗体。
11. 請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質のシグナル伝達を不活性化する中和抗体である請求項10記載の抗体。
12. 請求項10記載の抗体を含有してなる診断薬。
13. 請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは請求項3記載の部分ペプチドまたはその塩を用いることにより得られうる請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩に対するリガンド。
14. 請求項13記載のG蛋白質共役型レセプターのリガンドを含有してなる

医薬。

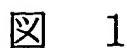
15. 請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは請求項3記載の部分ペプチドまたはその塩を用いることを特徴とする、請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩に対するリガンドの決定方法。
- 5 16. 請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは請求項3記載の部分ペプチドまたはその塩を用いることを特徴とする、リガンドと請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法。
- 10 17. 請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは請求項3記載の部分ペプチドまたはその塩を含有することを特徴とする、リガンドと請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング用キット。
- 15 18. 請求項16記載のスクリーニング方法または請求項17記載のスクリーニング用キットを用いて得られうる、リガンドと請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩。
19. 請求項16記載のスクリーニング方法または請求項17記載のスクリーニング用キットを用いて得られうる、リガンドと請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩を含有してなる医薬。
- 20 20. 請求項4記載のポリヌクレオチドとハイストリンジェントな条件下でハイブリダイズするポリヌクレオチド。
21. 請求項4記載のポリヌクレオチドと相補的な塩基配列またはその一部を含有してなるポリヌクレオチド。
22. 請求項4記載のポリヌクレオチドまたはその一部を用いることを特徴とする請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質のmRNAの定量方法。
- 25 23. 請求項10記載の抗体を用いることを特徴とする請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質の定量方法。
24. 請求項22または請求項23記載の定量方法を用いることを特徴とする請求項1記載のG蛋白質共役型レセプターの機能が関連する疾患の診断剤。

25. 請求項22記載の定量方法を用いることを特徴とする、請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質の発現量を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法。

26. 請求項23記載の定量方法を用いることを特徴とする、細胞膜における
5 請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質量を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法。

27. 請求項25記載のスクリーニング方法を用いて得られうる、請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質の発現量を変化させる化合物またはその塩。

10 28. 請求項26記載のスクリーニング方法を用いて得られうる、細胞膜における請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質量を変化させる化合物またはその塩。



10	20	30	40	50	60
ATG CCC AAA GCG CAC CTG AGC ATG CAA GTG GCT TCT GCA ACC ACC GCA GCC CCC ATG AGT					
Met Pro Lys Ala His Leu Ser Met Gln Val Ala Ser Ala Thr Thr Ala Ala Pro Met Ser					
70	80	90	100	110	120
AAG GCA GCT GCG GGT GAT GAG CTC TCC GGA TTC TTC GGC CTG ATC CCA GAC TTG CTG GAG					
Lys Ala Ala Ala Gly Asp Glu Leu Ser Gly Phe Phe Gly Leu Ile Pro Asp Leu Leu Glu					
130	140	150	160	170	180
GTT GCC AAC AGG AGC AGC AAT GCG TCG CTG CAG CTT CAG GAC TTG TGG TGG GAG CTG GGG					
Val Ala Asn Arg Ser Ser Asn Ala Ser Leu Gln Leu Gln Asp Leu Trp Trp Glu Leu Gly					
190	200	210	220	230	240
CTG GAG TTG CCC GAC GGT GCG GCG CCT GGG CAT CCC CCG GGC AGC GGT GGG GCA GAG AGC					
Leu Glu Leu Pro Asp Gly Ala Ala Pro Gly His Pro Pro Gly Ser Gly Gly Ala Glu Ser					
250	260	270	280	290	300
GCG GAC ACA GAG GCC AGG GTA CGG ATC CTC ATC AGC GCC GTT TAC TGG GTG GTT TGT GCC					
Ala Asp Thr Glu Ala Arg Val Arg Ile Leu Ile Ser Ala Val Tyr Trp Val Val Cys Ala					
310	320	330	340	350	360
CTG GGA CTG GCT GGC AAC CTG CTG GTT CTC TAC CTG ATG AAG AGC AAA CAG GGC TGG CGC					
Leu Gly Leu Ala Gly Asn Leu Leu Val Leu Tyr Leu Met Lys Ser Lys Gln Gly Trp Arg					

☒ 2

370 380 390 400 410 420
AAA TCC TCC ATT AAC CTC TTT GTC ACT AAC CTG GCG CTG ACT GAC TTT CAG TTT GTG CTC
Lys Ser Ser Ile Asn Leu Phe Val Thr Asn Leu Ala Leu Thr Asp Phe Gln Phe Val Leu

430 440 450 460 470 480
ACT CTG CCC TTC TGG GCG GTG GAG AAC GCA CTA GAT TTC AAG TGG CCC TTT GGC AAG GCC
Thr Leu Pro Phe Trp Ala Val Glu Asn Ala Leu Asp Phe Lys Trp Pro Phe Gly Lys Ala

490 500 510 520 530 540
ATG TGT AAG ATC GTA TCT ATG GTG ACA TCC ATG AAC ATG TAT GCC AGC GTC TTC TTT CTC
Met Cys Lys Ile Val Ser Met Val Thr Ser Met Asn Met Tyr Ala Ser Val Phe Phe Leu

550 560 570 580 590 600
ACT GCT ATG AGT GTG GCG CGC TAC CAC TCG GTG GCC TCA GCT CTC AAG AGC CAT CGG ACC
Thr Ala Met Ser Val Ala Arg Tyr His Ser Val Ala Ser Ala Leu Lys Ser His Arg Thr

610 620 630 640 650 660
CGC GGC CAT GGC CGT GGC GAC TGC TGC GGC CAG AGC TTG GGG GAG AGC TGC TGT TTC TCA
Arg Gly His Gly Arg Gly Asp Cys Cys Gly Gln Ser Leu Gly Glu Ser Cys Cys Phe Ser

670 680 690 700 710 720
GCC AAG GTG CTG TGT GGA TTG ATC TGG GCT TCT GCC GCG ATA GCT TCG CTG CCC AAT GTC
Ala Lys Val Leu Cys Gly Leu Ile Trp Ala Ser Ala Ala Ile Ala Ser Leu Pro Asn Val

730 740 750 760 770 780
ATT TTT TCT ACC ACC ATC AAT GTG TTG GGC GAG GAG CTG TGC CTC ATG CAC TTT CCG GAC
Ile Phe Ser Thr Thr Ile Asn Val Leu Gly Glu Glu Leu Cys Leu Met His Phe Pro Asp

790 800 810 820 830 840
AAG CTC CTG GGT TGG GAC CGG CAG TTC TGG CTG GGT TTG TAC CAC CTG CAG AAG GTG CTG
Lys Leu Leu Gly Trp Asp Arg Gln Phe Trp Leu Gly Leu Tyr His Leu Gln Lys Val Leu

850 860 870 880 890 900
CTG GGC TTC CTG CTG CCG CTG AGC ATC ATC AGT TTG TGT TAC CTG TTG CTC GTG CGC TTC
Leu Gly Phe Leu Leu Pro Leu Ser Ile Ile Ser Leu Cys Tyr Leu Leu Leu Val Arg Phe

910 920 930 940 950 960
ATC TCC GAC CGC CGC GTA GTG GGG ACA ACG GAT GGA GCA ACA GCG CCT GGG GGG AGC CTG
Ile Ser Asp Arg Arg Val Val Gly Thr Thr Asp Gly Ala Thr Ala Pro Gly Gly Ser Leu

970 980 990 1000 1010 1020
AGT ACA GCC GGC GCT CGG AGA CGC TCC AAG GTC ACC AAG TCG GTG ACC ATC GTA GTC CTT
Ser Thr Ala Gly Ala Arg Arg Arg Ser Lys Val Thr Lys Ser Val Thr Ile Val Val Leu

4/13

 4

1030	1040	1050	1060	1070	1080
TCC TTC TTC TTA TGT TGG CTG CCC AAC CAA GCG CTC ACC ACC TGG AGC ATC CTC ATC AAG					
Ser Phe Phe Leu Cys Trp Leu Pro Asn Gln Ala Leu Thr Thr Trp Ser Ile Leu Ile Lys					
1090	1100	1110	1120	1130	1140
TTC AAC GTA GTG CCC TTC AGT CAG GAG TAC TTT CAG TGC CAA GTG TAC GCG TTC CCA GTC					
Phe Asn Val Val Pro Phe Ser Gln Glu Tyr Phe Gln Cys Gln Val Tyr Ala Phe Pro Val					
1150	1160	1170	1180	1190	1200
AGC GTG TGC CTG GCA CAC TCC AAC AGC TGC CTC AAC CCC ATC CTC TAC TGC TTA GTG CGC					
Ser Val Cys Leu Ala His Ser Asn Ser Cys Leu Asn Pro Ile Leu Tyr Cys Leu Val Arg					
1210	1220	1230	1240	1250	1260
CGC GAG TTC CGC AAG GCG CTC AAG AAC CTG CTG TGG CGT ATA GCA TCG CCT TCG CTC ACC					
Arg Glu Phe Arg Lys Ala Leu Lys Asn Leu Leu Trp Arg Ile Ala Ser Pro Ser Leu Thr					
1270	1280	1290	1300	1310	1320
AGC ATG CGC CCC TTC ACC GCC ACC ACC AAG CCA GAA CCT GAA GAT CAC GGG CTG CAG GCC					
Ser Met Arg Pro Phe Thr Ala Thr Thr Lys Pro Glu Pro Glu Asp His Gly Leu Gln Ala					
1330	1340	1350	1360	1370	1380
CTG GCG CCA CTT AAT GCT ACT GCA GAG CCT GAC CTG ATC TAC TAT CCA CCC GGT GTG GTG					
Leu Ala Pro Leu Asn Ala Thr Ala Glu Pro Asp Leu Ile Tyr Tyr Pro Pro Gly Val Val					
1390	1400	1410	1420	1430	1440
GTC TAC AGC GGA GGT CGC TAC GAC CTT CTC CCT AGC AGC TCT GCC TAC TGA					
Val Tyr Ser Gly Gly Arg Tyr Asp Leu Leu Pro Ser Ser Ser Ala Tyr ***					

5/13

☒ 5

10 20 30 40 50 60
ATG CCC AAA GCG CAC CTG AGC ATG CAA GTG GCT TCT GCA ACC ACC GCA GCC CCC ATG AGT
Met Pro Lys Ala His Leu Ser Met Gln Val Ala Ser Ala Thr Thr Ala Ala Pro Met Ser

70 80 90 100 110 120
AAG GCA GCT GCG GGT GAT GAG CTC TCC GGA TTC TTC GGC CTG ATC CCA GAC TTG CTG GAG
Lys Ala Ala Ala Gly Asp Glu Leu Ser Gly Phe Phe Gly Leu Ile Pro Asp Leu Leu Glu

130 140 150 160 170 180
GTT GCC AAC AGG AGC AGC AAT GCG TCG CTG CAG CTT CAG GAC TTG TGG TGG GAG CTG GGG
Val Ala Asn Arg Ser Ser Asn Ala Ser Leu Gln Leu Gln Asp Leu Trp Trp Glu Leu Gly

190 200 210 220 230 240
CTG GAG TTG CCC GAC GGT GCG GCG CCT GGG CAT CCC CCG GGC AGC GGT GGG GCA GAG AGC
Leu Glu Leu Pro Asp Gly Ala Ala Pro Gly His Pro Pro Gly Ser Gly Gly Ala Glu Ser

250 260 270 280 290 300
GCG GAC ACA GAG GCC AGG GTA CGG ATC CTC ATC AGC GCC GTT TAC TGG GTG GTT TGT GCC
Ala Asp Thr Glu Ala Arg Val Arg Ile Leu Ile Ser Ala Val Tyr Trp Val Val Cys Ala

310 320 330 340 350 360
CTG GGA CTG GCT GGC AAC CTG CTG GTT CTC TAC CTG ATG AAG AGC AAA CAG GGC TGG CGC
Leu Gly Leu Ala Gly Asn Leu Leu Val Leu Tyr Leu Met Lys Ser Lys Gln Gly Trp Arg

6/13

☒ 6

370 380 390 400 410 420
AAA TCC TCC ATT AAC CTC TTT GTC ACT AAC CTG GCG CTG ACT GAC TTT CAG TTT GTG CTC
Lys Ser Ser Ile Asn Leu Phe Val Thr Asn Leu Ala Leu Thr Asp Phe Gln Phe Val Leu

430 440 450 460 470 480
ACT CTG CCC TTC TGG GCG GTG GAG AAC GCA CTA GAT TTC AAG TGG CCC TTT GGC AAG GCC
Thr Leu Pro Phe Trp Ala Val Glu Asn Ala Leu Asp Phe Lys Trp Pro Phe Gly Lys Ala

490 500 510 520 530 540
ATG TGT AAG ATC GTA TCT ATG GTG ACA TCC ATG AAC ATG TAT GCC AGC GTC TTC TTT CTC
Met Cys Lys Ile Val Ser Met Val Thr Ser Met Asn Met Tyr Ala Ser Val Phe Phe Leu

550 560 570 580 590 600
ACT GCT ATG AGT GTG GCG CGC TAC CAC TCG GTG GCC TCA GCT CTC AAG AGC CAT CGG ACC
Thr Ala Met Ser Val Ala Arg Tyr His Ser Val Ala Ser Ala Leu Lys Ser His Arg Thr

610 620 630 640 650 660
CGC GGG CAT GGC CGT GGC GAC TGC TGC GGC CAG AGC TTG GGG GAG AGC TGC TGT TTC TCA
Arg Gly His Gly Arg Gly Asp Cys Cys Gly Gln Ser Leu Gly Glu Ser Cys Cys Phe Ser

670 680 690 700 710 720
GCC AAG GTG CTG TGT GGA TTG ATC TGG GCT TCT GCC GCG ATA GCT TCG CTG CCC AAT GTC
Ala Lys Val Leu Cys Gly Leu Ile Trp Ala Ser Ala Ala Ile Ala Ser Leu Pro Asn Val



730	740	750	760	770	780
ATT TTT TCT ACC ACC ATC AAT GTG TTG GGC GAG GAG CTG TGC CTC ATG CAC TTT CCG GAC					
Ile Phe Ser Thr Thr Ile Asn Val Leu Gly Glu Glu Leu Cys Leu Met His Phe Pro Asp					
790	800	810	820	830	840
AAG CTC CTG GGT TGG GAC CGG CAG TTC TGG CTG GGT TTG TAC CAC CTG CAG AAG GTG CTG					
Lys Leu Leu Gly Trp Asp Arg Gln Phe Trp Leu Gly Leu Tyr His Leu Gln Lys Val Leu					
850	860	870	880	890	900
CTG GGC TTC CTG CTG CCG CTG AGC ATC ATC AGT TTG TGT TAC CTG TTG CTC GTG CGC TTC					
Leu Gly Phe Leu Leu Pro Leu Ser Ile Ile Ser Leu Cys Tyr Leu Leu Leu Val Arg Phe					
910	920	930	940	950	960
ATC TCC GAC CGC CGC GTA GTG GGG ACA ATG GAT GGA GCA ACA GCG CCT GGG GGG AGC CTG					
Ile Ser Asp Arg Arg Val Val Gly Thr Met Asp Gly Ala Thr Ala Pro Gly Gly Ser Leu					
970	980	990	1000	1010	1020
AGT ACA GCC GGC GCT CGG AGA CGC TCC AAG GTC ACC AAG TCG GTG ACC ATC GTA GTC CTT					
Ser Thr Ala Gly Ala Arg Arg Arg Ser Lys Val Thr Lys Ser Val Thr Ile Val Val Leu					
1030	1040	1050	1060	1070	1080
TCC TTC TTC TTA TGT TGG CTG CCC AAC CAA GCG CTC ACC ACC TGG AGC ATC CTC ATC AAG					
Ser Phe Phe Leu Cys Trp Leu Pro Asn Gln Ala Leu Thr Thr Trp Ser Ile Leu Ile Lys					



1090 1100 1110 1120 1130 1140
TTC AAC GTA GTG CCC TTC AGT CAG GAG TAC TTT CAG TGC CAA GTG TAC GCG TTC CCA GTC
Phe Asn Val Val Pro Phe Ser Gln Glu Tyr Phe Gln Cys Gln Val Tyr Ala Phe Pro Val

1150 1160 1170 1180 1190 1200
AGC GTG TGC CTG GCA CAC TCC AAC AGC TGC CTC AAC CCC ATC CTC TAC TGC TTA GTG CGC
Ser Val Cys Leu Ala His Ser Asn Ser Cys Leu Asn Pro Ile Leu Tyr Cys Leu Val Arg

1210 1220 1230 1240 1250 1260
CGC GAG TTC CGC AAG GCG CTC AAG AAC CTG CTG TGG CGT ATA GCA TCG CCT TCG CTC ACC
Arg Glu Phe Arg Lys Ala Leu Lys Asn Leu Leu Trp Arg Ile Ala Ser Pro Ser Leu Thr

1270 1280 1290 1300 1310 1320
AGC ATG CGC CCC TTC ACC GCC ACC ACC AAG CCA GAA CCT GAA GAT CAC GGG CTG CAG GCC
Ser Met Arg Pro Phe Thr Ala Thr Thr Lys Pro Glu Pro Glu Asp His Gly Leu Gln Ala

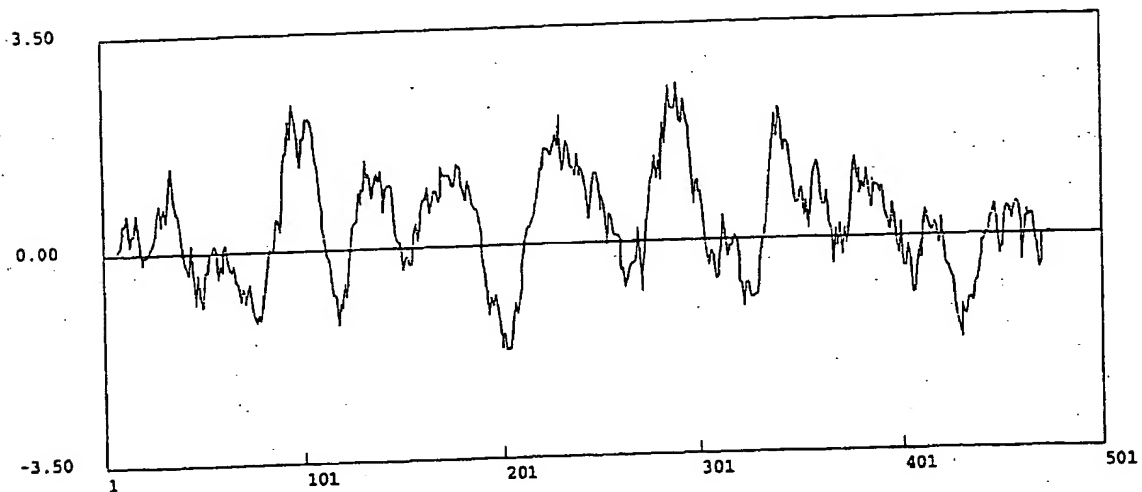
1330 1340 1350 1360 1370 1380
CTG GCG CCA CTT AAT GCT ACT GCA GAG CCT GAC CTG ATC TAC TAT CCA CCC GGT GTG GTG
Leu Ala Pro Leu Asn Ala Thr Ala Glu Pro Asp Leu Ile Tyr Tyr Pro Pro Gly Val Val

1390 1400 1410 1420 1430 1440
GTC TAC AGC GGA GGT CGC TAC GAC CTT CTC CCT AGC AGC TCT GCC TAC TGA
Val Tyr Ser Gly Gly Arg Tyr Asp Leu Leu Pro Ser Ser Ser Ala Tyr ***

9/13

☒ 9


Parameter : Kyte & Doolittle
Range to Average : 15



10/13

☒ 1 0

10	20	30	40	50	60
ATG CAG ATG GCC GAT GCA GCC ACG ATA GCC ACC ATG AAT AAG GCA GCA GGC GGG GAC AAG					
Met Gln Met Ala Asp Ala Ala Thr Ile Ala Thr Met Asn Lys Ala Ala Gly Gly Asp Lys					
70	80	90	100	110	120
CTA GCA GAA CTC TTC AGT CTG GTC CCG GAC CTT CTG GAG GCG GCC AAC ACG AGT GGT AAC					
Leu Ala Glu Leu Phe Ser Leu Val Pro Asp Leu Leu Glu Ala Ala Asn Thr Ser Gly Asn					
130	140	150	160	170	180
GGG TCG CTG CAG CTT CCG GAC TTG TGG TGG GAG CTG GGG CTG GAG TTG CCG GAC GGC GCG					
Ala Ser Leu Gln Leu Pro Asp Leu Trp Trp Glu Leu Gly Leu Glu Leu Pro Asp Gly Ala					
190	200	210	220	230	240
CCG CCA GGA CAT CCC CCG GGC AGC GGC GGG GCA GAG AGC GCG GAC ACA GAG GCC CGG GTG					
Pro Pro Gly His Pro Pro Gly Ser Gly Gly Ala Glu Ser Ala Asp Thr Glu Ala Arg Val					
250	260	270	280	290	300
CGG ATT CTC ATC AGC GTG GTG TAC TGG GTG GTG TGC GCC CTG GGG TTG GCG GGC AAC CTG					
Arg Ile Leu Ile Ser Val Val Tyr Trp Val Val Cys Ala Leu Gly Leu Ala Gly Asn Leu					
310	320	330	340	350	360
CTG GTT CTC TAC CTG ATG AAG AGC ATG CAG GGC TGG CGC AAG TCC TCT ATC AAC CTC TTC					
Leu Val Leu Tyr Leu Met Lys Ser Met Gln Gly Trp Arg Lys Ser Ser Ile Asn Leu Phe					
370	380	390	400	410	420
GTC ACC AAC CTG GCG CTG ACG GAC TTT CAG TTT GTG CTC ACC CTG CCC TTC TGG GCG GTG					
Val Thr Asn Leu Ala Leu Thr Asp Phe Gln Phe Val Leu Thr Leu Pro Phe Trp Ala Val					
430	440	450	460	470	480
GAG AAC GCT CTT GAC TTC AAA TGG CCC TTC GGC AAG GCC ATG TGT AAG ATC GTG TCC ATG					
Glu Asn Ala Leu Asp Phe Lys Trp Pro Phe Gly Lys Ala Met Cys Lys Ile Val Ser Met					

 1 1

490	500	510	520	530	540
GTG ACG TCC ATG AAC ATG TAC GCC AGC GTG TTC TTC CTC ACT GCC ATG AGT GTG ACG CGC					
Val Thr Ser Met Asn Met Tyr Ala Ser Val Phe Phe Leu Thr Ala Met Ser Val Thr Arg					
550	560	570	580	590	600
TAC CAT TCG GTG GCC TCG GCT CTG AAG AGC CAC CGG ACC CGA GGA CAC GGC CGG GGC GAC					
Tyr His Ser Val Ala Ser Ala Leu Lys Ser His Arg Thr Arg Gly His Gly Arg Gly Asp					
610	620	630	640	650	660
TGC TGC GGC CGG AGC CTG GGG GAC AGC TGC TGC TTC TCG GCC AAG GCG CTG TGT GTG TGG					
Cys Cys Gly Arg Ser Leu Gly Asp Ser Cys Cys Phe Ser Ala Lys Ala Leu Cys Val Trp					
670	680	690	700	710	720
ATC TGG GCT TTG GCC GCG CTG GCC TCG CTG CCC AGT GCC ATT TTC TCC ACC ACG GTC AAG					
Ile Trp Ala Leu Ala Ala Leu Ala Ser Leu Pro Ser Ala Ile Phe Ser Thr Thr Val Lys					
730	740	750	760	770	780
GTG ATG GGC GAG GAG CTG TGC CTG GTG CGT TTC CCG GAC AAG TTG CTG GGC CGC GAC AGG					
Val Met Gly Glu Glu Leu Cys Leu Val Arg Phe Pro Asp Lys Leu Leu Gly Arg Asp Arg					
790	800	810	820	830	840
CAG TTC TGG CTG GGC CTC TAC CAC TCG CAG AAG GTG CTG CTG GGC TTC GTG CTG CCG CTG					
Gln Phe Trp Leu Gly Leu Tyr His Ser Gln Lys Val Leu Leu Gly Phe Val Leu Pro Leu					
850	860	870	880	890	900
GGC ATC ATT ATC TTG TGC TAC CTG CTG CTG GTG CGC TTC ATC GCC GAC CGC CGC GCG GCG					
Gly Ile Ile Ile Leu Cys Tyr Leu Leu Leu Val Arg Phe Ile Ala Asp Arg Arg Ala Ala					
910	920	930	940	950	960
GGG ACC AAA GGA GGG GCC GCG GTA GCC GGA GGA CGC CCG ACC GGA GCC AGC GCC CGG AGA					
Gly Thr Lys Gly Gly Ala Ala Val Ala Gly Gly Arg Pro Thr Gly Ala Ser Ala Arg Arg					

12/13

☒ 1 2

970 980 990 1000 1010 1020
 CTG TCG AAG GTC ACC AAA TCA GTG ACC ATC GTT GTC CTG TCC TTC CTC TGT TGG CTG
 Leu Ser Lys Val Thr Lys Ser Val Thr Ile Val Val Leu Ser Phe Phe Leu Cys Trp Leu

1030 1040 1050 1060 1070 1080
 CCC AAC CAG GCG CTC ACC ACC TGG AGC ATC CTC ATC AAG TTC AAC GCG GTG CCC TTC AGC
 Pro Asn Gln Ala Leu Thr Thr Trp Ser Ile Leu Ile Lys Phe Asn Ala Val Pro Phe Ser

1090 1100 1110 1120 1130 1140
 CAG GAG TAT TTC CTG TGC CAG GTA TAC GCG TTC CCT GTG AGC GTG TGC CTA GCG CAC TCC
 Gln Glu Tyr Phe Leu Cys Gln Val Tyr Ala Phe Pro Val Ser Val Cys Leu Ala His Ser

1150 1160 1170 1180 1190 1200
 AAC AGC TGC CTC AAC CCC GTC CTC TAC TGC CTC GTG CGC CGC GAG TTC CGC AAG GCG CTC
 Asn Ser Cys Leu Asn Pro Val Leu Tyr Cys Leu Val Arg Arg Glu Phe Arg Lys Ala Leu

1210 1220 1230 1240 1250 1260
 AAG AGC CTG CTG TGG CGC ATC GCG TCT CCT TCG ATC ACC AGC ATG CGC CCC TTC ACC GCC
 Lys Ser Leu Leu Trp Arg Ile Ala Ser Pro Ser Ile Thr Ser Met Arg Pro Phe Thr Ala

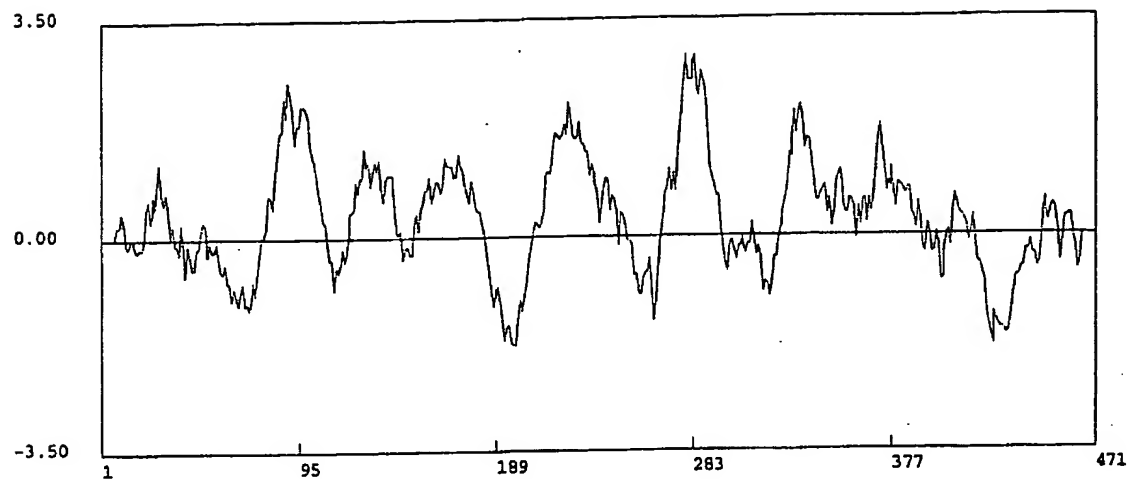
1270 1280 1290 1300 1310 1320
 ACT ACC AAG CCG GAG CAC GAG GAT CAG GGG CTG CAG GCC CCG GCG CCG CCC CAC GCG GCC
 Thr Thr Lys Pro Glu His Glu Asp Gln Gly Leu Gln Ala Pro Ala Pro Pro His Ala Ala

1330 1340 1350 1360 1370 1380
 GCG GAG CCG GAC CTG CTC TAC TAC CCA CCT GGC GTC GTG GTC TAC AGC GGG GGG CGC TAC
 Ala Glu Pro Asp Leu Leu Tyr Tyr Pro Pro Gly Val Val Val Tyr Ser Gly Gly Arg Tyr

1390 1400 1410
 GAC CTG CTG CCC AGC AGC TCT GCC TAC TGA
 Asp Leu Leu Pro Ser Ser Ser Ala Tyr ***

☒ 1 3

Parameter : Kyte & Doolittle
Range to Average : 15



SEQUENCE LISTING

<110> Takeda Chemical Industries, Ltd.

<120> Novel G Protein-Coupled Receptor and its DNA

<130> A99214

<150> JP 10-306543

<151> 1998-10-28

<150> JP 11-20356

<151> 1999-01-28

<160> 12

<210> 1

<211> 476

<212> PRT

<213> Rat

<400> 1

Met Pro Lys Ala His Leu Ser Met Gln Val Ala Ser Ala Thr Thr Ala

5

10

15

Ala Pro Met Ser Lys Ala Ala Ala Gly Asp Glu Leu Ser Gly Phe Phe

20

25

30

Gly Leu Ile Pro Asp Leu Leu Glu Val Ala Asn Arg Ser Ser Asn Ala

35

40

45

Ser Leu Gln Leu Gln Asp Leu Trp Trp Glu Leu Gly Leu Glu Leu Pro

50

55

60

Asp Gly Ala Ala Pro Gly His Pro Pro Gly Ser Gly Gly Ala Glu Ser

65

70

75

80

Ala Asp Thr Glu Ala Arg Val Arg Ile Leu Ile Ser Ala Val Tyr Trp

85

90

95

Val Val Cys Ala Leu Gly Leu Ala Gly Asn Leu Leu Val Leu Tyr Leu

100

105

110

2/12

Met Lys Ser Lys Gln Gly Trp Arg Lys Ser Ser Ile Asn Leu Phe Val

115

120

125

Thr Asn Leu Ala Leu Thr Asp Phe Gln Phe Val Leu Thr Leu Pro Phe

130

135

140

Trp Ala Val Glu Asn Ala Leu Asp Phe Lys Trp Pro Phe Gly Lys Ala

145

150

155

160

Met Cys Lys Ile Val Ser Met Val Thr Ser Met Asn Met Tyr Ala Ser

165

170

175

Val Phe Phe Leu Thr Ala Met Ser Val Ala Arg Tyr His Ser Val Ala

180

185

190

Ser Ala Leu Lys Ser His Arg Thr Arg Gly His Gly Arg Gly Asp Cys

195

200

205

Cys Gly Gln Ser Leu Gly Glu Ser Cys Cys Phe Ser Ala Lys Val Leu

210

215

220

Cys Gly Leu Ile Trp Ala Ser Ala Ala Ile Ala Ser Leu Pro Asn Val

225

230

235

240

Ile Phe Ser Thr Thr Ile Asn Val Leu Gly Glu Glu Leu Cys Leu Met

245

250

255

His Phe Pro Asp Lys Leu Leu Gly Trp Asp Arg Gln Phe Trp Leu Gly

260

265

270

Leu Tyr His Leu Gln Lys Val Leu Leu Gly Phe Leu Leu Pro Leu Ser

275

280

285

Ile Ile Ser Leu Cys Tyr Leu Leu Leu Val Arg Phe Ile Ser Asp Arg

290

295

300

Arg Val Val Gly Thr Thr Asp Gly Ala Thr Ala Pro Gly Gly Ser Leu

305

310

315

320

Ser Thr Ala Gly Ala Arg Arg Arg Ser Lys Val Thr Lys Ser Val Thr

325

330

335

Ile Val Val Leu Ser Phe Phe Leu Cys Trp Leu Pro Asn Gln Ala Leu

340

345

350

Thr Thr Trp Ser Ile Leu Ile Lys Phe Asn Val Val Pro Phe Ser Gln

355

360

365

Glu Tyr Phe Gln Cys Gln Val Tyr Ala Phe Pro Val Ser Val Cys Leu

370

375

380

Ala His Ser Asn Ser Cys Leu Asn Pro Ile Leu Tyr Cys Leu Val Arg

385

390

395

400

Arg Glu Phe Arg Lys Ala Leu Lys Asn Leu Leu Trp Arg Ile Ala Ser

405

410

415

Pro Ser Leu Thr Ser Met Arg Pro Phe Thr Ala Thr Thr Lys Pro Glu

420

425

430

Pro Glu Asp His Gly Leu Gln Ala Leu Ala Pro Leu Asn Ala Thr Ala

435

440

445

Glu Pro Asp Leu Ile Tyr Tyr Pro Pro Gly Val Val Val Tyr Ser Gly

450

455

460

Gly Arg Tyr Asp Leu Leu Pro Ser Ser Ser Ala Tyr

465

470

475

<210> 2

<211> 476

<212> PRT

<213> Rat

<400> 2

Met Pro Lys Ala His Leu Ser Met Gln Val Ala Ser Ala Thr Thr Ala

5

10

15

Ala Pro Met Ser Lys Ala Ala Ala Gly Asp Glu Leu Ser Gly Phe Phe

20

25

30

Gly Leu Ile Pro Asp Leu Leu Glu Val Ala Asn Arg Ser Ser Asn Ala

35

40

45

4/12

Ser Leu Gln Leu Gln Asp Leu Trp Trp Glu Leu Gly Leu Glu Leu Pro
50 55 60
Asp Gly Ala Ala Pro Gly His Pro Pro Gly Ser Gly Gly Ala Glu Ser
65 70 75 80
Ala Asp Thr Glu Ala Arg Val Arg Ile Leu Ile Ser Ala Val Tyr Trp
85 90 95
Val Val Cys Ala Leu Gly Leu Ala Gly Asn Leu Leu Val Leu Tyr Leu
100 105 110
Met Lys Ser Lys Gln Gly Trp Arg Lys Ser Ser Ile Asn Leu Phe Val
115 120 125
Thr Asn Leu Ala Leu Thr Asp Phe Gln Phe Val Leu Thr Leu Pro Phe
130 135 140
Trp Ala Val Glu Asn Ala Leu Asp Phe Lys Trp Pro Phe Gly Lys Ala
145 150 155 160
Met Cys Lys Ile Val Ser Met Val Thr Ser Met Asn Met Tyr Ala Ser
165 170 175
Val Phe Phe Leu Thr Ala Met Ser Val Ala Arg Tyr His Ser Val Ala
180 185 190
Ser Ala Leu Lys Ser His Arg Thr Arg Gly His Gly Arg Gly Asp Cys
195 200 205
Cys Gly Gln Ser Leu Gly Glu Ser Cys Cys Phe Ser Ala Lys Val Leu
210 215 220
Cys Gly Leu Ile Trp Ala Ser Ala Ala Ile Ala Ser Leu Pro Asn Val
225 230 235 240
Ile Phe Ser Thr Thr Ile Asn Val Leu Gly Glu Glu Leu Cys Leu Met
245 250 255
His Phe Pro Asp Lys Leu Leu Gly Trp Asp Arg Gln Phe Trp Leu Gly
260 265 270

Leu Tyr His Leu Gln Lys Val Leu Leu Gly Phe Leu Leu Pro Leu Ser

275

280

285

Ile Ile Ser Leu Cys Tyr Leu Leu Leu Val Arg Phe Ile Ser Asp Arg

290

295

300

Arg Val Val Gly Thr Met Asp Gly Ala Thr Ala Pro Gly Gly Ser Leu

305

310

315

320

Ser Thr Ala Gly Ala Arg Arg Arg Ser Lys Val Thr Lys Ser Val Thr

325

330

335

Ile Val Val Leu Ser Phe Phe Leu Cys Trp Leu Pro Asn Gln Ala Leu

340

345

350

Thr Thr Trp Ser Ile Leu Ile Lys Phe Asn Val Val Pro Phe Ser Gln

355

360

365

Glu Tyr Phe Gln Cys Gln Val Tyr Ala Phe Pro Val Ser Val Cys Leu

370

375

380

Ala His Ser Asn Ser Cys Leu Asn Pro Ile Leu Tyr Cys Leu Val Arg

385

390

395

400

Arg Glu Phe Arg Lys Ala Leu Lys Asn Leu Leu Trp Arg Ile Ala Ser

405

410

415

Pro Ser Leu Thr Ser Met Arg Pro Phe Thr Ala Thr Thr Lys Pro Glu

420

425

430

Pro Glu Asp His Gly Leu Gln Ala Leu Ala Pro Leu Asn Ala Thr Ala

435

440

445

Glu Pro Asp Leu Ile Tyr Tyr Pro Pro Gly Val Val Val Tyr Ser Gly

450

455

460

Gly Arg Tyr Asp Leu Leu Pro Ser Ser Ser Ala Tyr

465

470

475

<210> 3

<211> 1431

<212> DNA

<213> Rat

<400> 3

ATGCCCAAAG CGCACCTGAG CATGCAAGTG GCTTCTGCAA CCACCGCAGC CCCCATGAGT 60
AAGGCAGCTG CGGGTGATGA GCTCTCCGGA TTCTTCGGCC TGATCCCAGA CTTGCTGGAG 120
GTTGCCAACA GGAGCAGCAA TGCCTCGCTG CAGCTTCAGG ACTTGTGGTG GGAGCTGGGG 180
CTGGAGTTGC CCGACGGTGC GCGCCTGGG CATCCCCCGG GCAGCGGTGG GGCAGAGAGC 240
GCGGACACAG AGGCCAGGGT ACGGATCCTC ATCAGCGCCG TTTACTGGGT GGTTCGTGCC 300
CTGGGACTGG CTGGCAACCT GCTGGTCTC TACCTGATGA AGAGCAAACA GGGCTGGCGC 360
AAATCCTCCA TTAACCTCTT TGTCATAAC CTGGCGCTGA CTGACTTTCA GTTTCGTCTC 420
ACTCTGCCCT TCTGGGCGGT GGAGAACGCA CTAGATTTC AGTGGCCCTT TGGCAAGGCC 480
ATGTGTAAGA TCGTATCTAT GGTGACATCC ATGAACATGT ATGCCAGCGT CTTCTTTCTC 540
ACTGCTATGA GTGTGGCGCG CTACCACTCG GTGGCCTCAG CTCTCAAGAG CCATCGGACC 600
CGCGGGCATG GCCGTGGCGA CTGCTCGGC CAGAGCTTGG GGGAGAGCTG CTGTTTCTCA 660
GCCAAGGTGC TGTGTGGATT GATCTGGGCT TCTGCCGCGA TAGCTTCGCT GCCCAATGTC 720
ATTTTTTCTA CCACCATCAA TGTGTTGGGC GAGGAGCTGT GCCTCATGCA CTTTCCGGAC 780
AAGCTCCTGG GTTGGGACCG GCAGTTCTGG CTGGGTTTGT ACCACCTGCA GAAGGTGCTG 840
CTGGGCTTCC TGCTGCCGCT GAGCATCATC AGTTTGTGTT ACCTGTTGCT CGTGCGCTTC 900
ATCTCCGACC GCCGCTAGT GGGGACAACG GATGGAGCAA CAGCGCCTGG GGGGAGCCTG 960
AGTACAGCCG GCGCTCGGAG ACGCTCCAAG GTCACCAAGT CCGTGACCAT CGTAGTCCTT 1020
TCCTTCTTCT TATGTTGGCT GCCCAACCAA GCGCTCACCA CCTGGAGCAT CCTCATCAAG 1080
TTCAACGTAG TGCCCTTCAG TCAGGAGTAC TTTAGTGCC AAGTGTACGC GTTCCCAGTC 1140
AGCGTGTGCC TGGCACACTC CAACAGCTGC CTCAACCCCA TCCTCTACTG CTTAGTGCGC 1200
CGCGAGTTCC GCAAGGCGCT CAAGAACCTG CTGTGGCGTA TAGCATCGCC TTCGCTCACC 1260
AGCATGCGCC CCTTCACCGC CACCACCAAG CCAGAACCTG AAGATCACGG GCTGCAGGCC 1320
CTGGCGCCAC TTAATGCTAC TGCAGAGCCT GACCTGATCT ACTATCCACC CGGTGTGGTG 1380
GTCTACAGCG GAGGTGCTA CGACCTTCTC CCTAGCAGCT CTGCCTACTG A 1431

<210> 4

<211> 1431

<212> DNA

<213> Rat

<400> 4

ATGCCCAAAG CGCACCTGAG CATGCAAGTG GCTTCTGCAA CCACCGCAGC CCCCATGAGT 60
AAGGCAGCTG CGGGTGATGA GCTCTCCGGA TTCTTCGGCC TGATCCCAGA CTTGCTGGAG 120
GTTGCCAACA GGAGCAGCAA TGCCTCGCTG CAGCTTCAGG ACTTGTGGTG GGAGCTGGGG 180
CTGGAGTTGC CCGACGGTGC GCGCCTGGG CATCCCCCGG GCAGCGGTGG GGCAGAGAGC 240
GCGGACACAG AGGCCAGGGT ACGGATCCTC ATCAGCGCCG TTTACTGGGT GGTTCGTGCC 300
CTGGGACTGG CTGGCAACCT GCTGGTTCTC TACCTGATGA AGAGCAAACA GGGCTGGCGC 360
AAATCCTCCA TTAACCTCTT TGTCATAAC CTGGCGCTGA CTGACTTTCA GTTGTGCTC 420
ACTCTGCCCT TCTGGGCGGT GGAGAACGCA CTAGATTTC AAGTGGCCCTT TGGCAAGGCC 480
ATGTGTAAGA TCGTATCTAT GGTGACATCC ATGAACATGT ATGCCAGCGT CTTCTTTCTC 540
ACTGCTATGA GTGTGGCGCG CTACCACTCG GTGGCCTCAG CTCTCAAGAG CCATCGGACC 600
CGCGGGCATG GCCGTGGCGA CTGCTGCGGC CAGAGCTTGG GGGAGAGCTG CTGTTTCTCA 660
GCCAAGGTGC TGTGTGGATT GATCTGGGCT TCTGCCGCGA TAGCTTCGCT GCCCAATGTC 720
ATTTTTTCTA CCACCATCAA TGTGTTGGGC GAGGAGCTGT GCCTCATGCA CTTTCCGGAC 780
AAGCTCCTGG GTTGGGACCG GCAGTTCTGG CTGGGTTTGT ACCACCTGCA GAAGGTGCTG 840
CTGGGCTTCC TGCTGCCGCT GAGCATCATC AGTTTGTGTT ACCTGTTGCT CGTGCGCTTC 900
ATCTCCGACC GCCGCGTAGT GGGGACAATG GATGGAGCAA CAGCGCCTGG GGGGAGCCTG 960
AGTACAGCCG GCGCTCGGAG ACGCTCCAAG GTCACCAAGT CGGTGACCAT CGTAGTCCTT 1020
TCCTTCTTCT TATGTTGGCT GCCCAACCAA GCGCTCACCA CCTGGAGCAT CCTCATCAAG 1080
TTCAACGTAG TGCCCTTCAG TCAGGAGTAC TTTCAAGTGC AAGTGTACGC GTTCCCAGTC 1140
AGCGTGTGCC TGGCACAATC CAACAGCTGC CTCAACCCCA TCCTCTACTG CTTAGTGCGC 1200
CGCGAGTTCC GCAAGGCGCT CAAGAACCTG CTGTGGCGTA TAGCATCGCC TTCGCTCACC 1260
AGCATGCGCC CCTTCACCGC CACCACCAAG CCAGAACCTG AAGATCACGG GCTGCAGGCC 1320
CTGGCGCCAC TTAATGCTAC TGCAGAGCCT GACCTGATCT ACTATCCACC CGGTGTGGTG 1380
GTCTACAGCG GAGGTCGCTA CGACCTTCTC CCTAGCAGCT CTGCCTACTG A 1431

<210> 5

<211> 29

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223>

<400> 5

GTCGACATGC CCAAAGCGCA CCTGAGCAT

29

<210> 6

<211> 36

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223>

<400> 6

ACTAGTTCAG TAGGCAGAGC TGCTAGGGAG AAGGTC

36

<210> 7

<211> 469

<212> PRT

<213> Human

<400> 7

Met Gln Met Ala Asp Ala Ala Thr Ile Ala Thr Met Asn Lys Ala Ala

5

10

15

Gly Gly Asp Lys Leu Ala Glu Leu Phe Ser Leu Val Pro Asp Leu Leu

20

25

30

Glu Ala Ala Asn Thr Ser Gly Asn Ala Ser Leu Gln Leu Pro Asp Leu

35

40

45

Trp Trp Glu Leu Gly Leu Glu Leu Pro Asp Gly Ala Pro Pro Gly His

50

55

60

Pro Pro Gly Ser Gly Gly Ala Glu Ser Ala Asp Thr Glu Ala Arg Val

65

70

75

80

9/12

Arg Ile Leu Ile Ser Val Val Tyr Trp Val Val Cys Ala Leu Gly Leu

85

90

95

Ala Gly Asn Leu Leu Val Leu Tyr Leu Met Lys Ser Met Gln Gly Trp

100

105

110

Arg Lys Ser Ser Ile Asn Leu Phe Val Thr Asn Leu Ala Leu Thr Asp

115

120

125

Phe Gln Phe Val Leu Thr Leu Pro Phe Trp Ala Val Glu Asn Ala Leu

130

135

140

Asp Phe Lys Trp Pro Phe Gly Lys Ala Met Cys Lys Ile Val Ser Met

145

150

155

160

Val Thr Ser Met Asn Met Tyr Ala Ser Val Phe Phe Leu Thr Ala Met

165

170

175

Ser Val Thr Arg Tyr His Ser Val Ala Ser Ala Leu Lys Ser His Arg

180

185

190

Thr Arg Gly His Gly Arg Gly Asp Cys Cys Gly Arg Ser Leu Gly Asp

195

200

205

Ser Cys Cys Phe Ser Ala Lys Ala Leu Cys Val Trp Ile Trp Ala Leu

210

215

220

Ala Ala Leu Ala Ser Leu Pro Ser Ala Ile Phe Ser Thr Thr Val Lys

225

230

235

240

Val Met Gly Glu Glu Leu Cys Leu Val Arg Phe Pro Asp Lys Leu Leu

245

250

255

Gly Arg Asp Arg Gln Phe Trp Leu Gly Leu Tyr His Ser Gln Lys Val

260

265

270

Leu Leu Gly Phe Val Leu Pro Leu Gly Ile Ile Ile Leu Cys Tyr Leu

275

280

285

Leu Leu Val Arg Phe Ile Ala Asp Arg Arg Ala Ala Gly Thr Lys Gly

290

295

300

10/12

Gly Ala Ala Val Ala Gly Gly Arg Pro Thr Gly Ala Ser Ala Arg Arg

305 310 315 320

Leu Ser Lys Val Thr Lys Ser Val Thr Ile Val Val Leu Ser Phe Phe

325 330 335

Leu Cys Trp Leu Pro Asn Gln Ala Leu Thr Thr Trp Ser Ile Leu Ile

340 345 350

Lys Phe Asn Ala Val Pro Phe Ser Gln Glu Tyr Phe Leu Cys Gln Val

355 360 365

Tyr Ala Phe Pro Val Ser Val Cys Leu Ala His Ser Asn Ser Cys Leu

370 375 380

Asn Pro Val Leu Tyr Cys Leu Val Arg Arg Glu Phe Arg Lys Ala Leu

385 390 395 400

Lys Ser Leu Leu Trp Arg Ile Ala Ser Pro Ser Ile Thr Ser Met Arg

405 410 415

Pro Phe Thr Ala Thr Thr Lys Pro Glu His Glu Asp Gln Gly Leu Gln

420 425 430

Ala Pro Ala Pro Pro His Ala Ala Ala Glu Pro Asp Leu Leu Tyr Tyr

435 440 445

Pro Pro Gly Val Val Val Tyr Ser Gly Gly Arg Tyr Asp Leu Leu Pro

450 455 460

Ser Ser Ser Ala Tyr

465 469

<210> 8

<211> 1410

<212> DNA

<213> Human

<400> 8

ATGCAGATGG CCGATGCAGC CACGATAGCC ACCATGAATA AGGCAGCAGG CGGGGACAAG 60

CTAGCAGAAC TCTTCAGTCT GGTCCCGGAC CTTCTGGAGG CGGCCAACAC GAGTGGTAAC 120

GGCTCGCTGC AGCTTCCGGA CTTGTGGTGG GAGCTGGGGC TGGAGTTGCC GGACGGCGCG 180
CCGCCAGGAC ATCCCCCGGG CAGCGGCGGG GCAGAGAGCG CGGACACAGA GGCCCGGGTG 240
CGGATTCTCA TCAGCGTGGT GTACTGGGTG GTGTGCGCCC TGGGGTTGGC GGGCAACCTG 300
CTGGTTCTCT ACCTGATGAA GAGCATGCAG GGCTGGCGCA AGTCCTCTAT CAACCTCTTC 360
GTCACCAACC TGGCGCTGAC GGACTTTCAG TTTGTGCTCA CCCTGCCCTT CTGGGCGGTG 420
GAGAAGCCTC TTGACTTCAA ATGGCCCTTC GGCAAGGCCA TGTGTAAGAT CGTGTCCATG 480
GTGACGTCCA TGAACATGTA CGCCAGCGTG TTCTTCCTCA CTGCCATGAG TGTGACGCGC 540
TACCATTCCG TGGCCTCGGC TCTGAAGAGC CACCGGACCC GAGGACACGG CCGGGGCGAC 600
TGCTGCGGCC GGAGCCTGGG GGACAGCTGC TGCTTCTCGG CCAAGGCGCT GTGTGTGTGG 660
ATCTGGGCTT TGGCCGCGCT GGCCTCGCTG CCCAGTGCCA TTTTCTCCAC CACGGTCAAG 720
GTGATGGGCG AGGAGCTGTG CCTGGTGCCT TTCCCGGACA AGTTGCTGGG CCGCGACAGG 780
CAGTTCTGGC TGGGCCTCTA CCACTCGCAG AAGGTGCTGC TGGGCTTCGT GCTGCCGCTG 840
GGCATCATT TCTTGTGCTA CCTGCTGCTG GTGCGCTTCA TCGCCGACCG CCGCGCGGCG 900
GGGACCAAAG GAGGGGCGCG GGTAGCCGGA GGACGCCCGA CCGGAGCCAG CGCCCGGAGA 960
CTGTGCAAGG TCACCAAATC AGTGACCATC GTTGTCCTGT CCTTCTTCCT GTGTTGGCTG 1020
CCCAACCAGG CGCTCACCAC CTGGAGCATC CTCATCAAGT TCAACGCGGT GCCCTTCAGC 1080
CAGGAGTATT TCCTGTGCCA GGTATACGCG TTCCCTGTGA GCGTGTGCCT AGCGCACTCC 1140
AACAGCTGCC TCAACCCCGT CCTCTACTGC CTCGTGCGCC GCGAGTTCCG CAAGGCGCTC 1200
AAGAGCCTGC TGTGGCGCAT CGCGTCTCCT TCGATCACCA GCATGCGCCC CTTCACCGCC 1260
ACTACCAAGC CGGAGCACGA GGATCAGGGG CTGCAGGCCC CGGCGCCGCC CCACGCGGCC 1320
GCGGAGCCGG ACCTGCTCTA CTACCCACCT GCGTCTGTGG TCTACAGCGG GGGGCGCTAC 1380
GACCTGCTGC CCAGCAGCTC TGCCTACTGA 1410

<210> 9

<211> 24

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223>

<400> 9

TGAAAGCTCC CACGCACGTC CCGC

24

<210> 10

<211> 25

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223>

<400> 10

ACGGCGCGCC CTGGGCCTGA GGCCT

25

<210> 11

<211> 34

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223>

<400> 11

GTCGACATGC AGATGGCCGA TGCAGCCACG ATAG

34

<210> 12

<211> 31

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223>

<400> 12

ACTAGTTCAG TAGGCAGAGC TGCTGGGCAG C

31

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/JP99/05938

A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER

Int.Cl⁷ C12N15/12, C07K14/705, C07K16/28, C12Q1/02, C12Q1/68, C12N5/10, C12N1/21, C12P21/02, C07H21/04, A61K38/00

According to International Patent Classification (IPC) or to both national classification and IPC

B. FIELDS SEARCHED

Minimum documentation searched (classification system followed by classification symbols)

Int.Cl⁷ C12N15/12, C07K14/705, C07K16/28, C12Q1/02, C12Q1/68, C12N5/10, C12N1/21, C12P21/02, C07H21/04, A61K38/00

Documentation searched other than minimum documentation to the extent that such documents are included in the fields searched

Electronic data base consulted during the international search (name of data base and, where practicable, search terms used)

WPI (DIALOG), BIOSIS (DIALOG), JICST (JOIS),
Genbank/EMBL/DDBJ/Geneseq

C. DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
Y	Hata, S. et al., " cDNA cloning of a putative G protein-coupled receptor from brain" Biochim. Biophys. Acta (1995), Vol. 1261, No. 1, pages 121-125	1-28
Y	Harrison, J. K. et al., "cDNA cloning of a G-protein-coupled receptor expressed in rat spinal cord and brain related to chemokine receptors", Neurosci. Lett. (1994), Vol. 169, Nos. 1-2, pages 85-89	1-28
Y	Feng, Y. et al., " Cloning of a novel member of the G protein-coupled receptor family related to peptide receptors", Biochem. Biophys. Res. Commun. (1997), Vol. 231, No. 3, Pages 651-654	1-28
Y	Mayer, H. et al., "Isolation, molecular characterization, and tissue-specific expression of a novel putative G-protein-coupled receptor", Biochim. Biophys. Acta (1998, Feb.), Vol. 1395, No. 3, pages 301-308	1-28

☒ Further documents are listed in the continuation of Box C. ☐ See patent family annex.

* Special categories of cited documents:	"T" later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention
"A" document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance	"X" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone
"E" earlier document but published on or after the international filing date	"Y" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art
"L" document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other special reason (as specified)	"&" document member of the same patent family
"O" document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means	
"P" document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed	

Date of the actual completion of the international search
26 January, 2000 (26.01.00)

Date of mailing of the international search report
08 February, 2000 (08.02.00)

Name and mailing address of the ISA/
Japanese Patent Office

Authorized officer

Facsimile No.

Telephone No.

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/JP99/05938

C (Continuation). DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
A	O'Dowd, B. F. et al., "A human gene that shows identity with the gene encoding the angiotensin receptor is located on chromosome 11", Gene (1993), Vol. 136, No. 1/2, Pages 355-360	1-28
A	JP, 7-503611, A (Arch Development Corporation), 20 April, 1995 (20.04.95) & WO, 93/13130, A1 & AU, 9334269, A & EP, 621874, A1 & AU, 661110, B & US, 5436155, A & EP, 621874, A4 & US, 5723299, A	1-28
A	JP, 10-127289, A (Takeda Chemical Industries, Ltd.), 19 May, 1998 (19.05.98) & EP, 845529, A2	1-28
A	JP, 9-278798, A (Takeda Chemical Industries, Ltd.), 28 October, 1997 (28.10.97) & EP, 789076, A2 & CA, 219964, A	1-28
A	JP, 9-268, A (Takeda Chemical Industries, Ltd.), 07 January, 1997 (07.01.97) & WO, 96/05302, A1 & AU, 9644262, A & EP, 804575, A1	1-28

A. 発明の属する分野の分類 (国際特許分類 (IPC))		
Int. Cl ⁷ C12N15/12, C07K14/705, C07K16/28, C12Q1/02, C12Q1/68, C12N5/10, C12N1/21, C12P21/02, C07H21/04, A61K38/00		
B. 調査を行った分野		
調査を行った最小限資料 (国際特許分類 (IPC))		
Int. Cl ⁷ C12N15/12, C07K14/705, C07K16/28, C12Q1/02, C12Q1/68, C12N5/10, C12N1/21, C12P21/02, C07H21/04, A61K38/00		
最小限資料以外の資料で調査を行った分野に含まれるもの		
国際調査で使用した電子データベース (データベースの名称、調査に使用した用語)		
WPI (DIALOG), BIOSIS (DIALOG), JICSTファイル (JOIS), Genbank/EMBL/DDBJ/Geneseq		
C. 関連すると認められる文献		
引用文献の カテゴリー*	引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する 請求の範囲の番号
Y	Hata, S. et al. "cDNA cloning of a putative G protein-coupled receptor from brain" Biochim. Biophys. Acta (1995) 第1261巻 第1号 p. 121-125	1-28
Y	Harrison, J. K. et al. "cDNA cloning of a G-protein-coupled receptor expressed in rat spinal cord and brain related to chemokine receptors" Neurosci. Lett. (1994) 第169巻 第1-2号 p. 85-89	1-28
Y	Feng, Y. et al. "Cloning of a novel member of the G protein-coupled receptor family related to peptide receptors" Biochem. Biophys. Res. Commun. (1997) 第231巻 第3号 p. 651-654	1-28
<input checked="" type="checkbox"/> C欄の続きにも文献が列挙されている。 <input type="checkbox"/> パテントファミリーに関する別紙を参照。		
* 引用文献のカテゴリー 「A」 特に関連のある文献ではなく、一般的技術水準を示すもの 「E」 国際出願日前の出願または特許であるが、国際出願日以後に公表されたもの 「L」 優先権主張に疑義を提起する文献又は他の文献の発行日若しくは他の特別な理由を確立するために引用する文献 (理由を付す) 「O」 口頭による開示、使用、展示等に言及する文献 「P」 国際出願日前で、かつ優先権の主張の基礎となる出願日の後に公表された文献 「T」 国際出願日又は優先日後に公表された文献であって出願と矛盾するものではなく、発明の原理又は理論の理解のために引用するもの 「X」 特に関連のある文献であって、当該文献のみで発明の新規性又は進歩性がないと考えられるもの 「Y」 特に関連のある文献であって、当該文献と他の1以上の文献との、当業者にとって自明である組合せによって進歩性がないと考えられるもの 「&」 同一パテントファミリー文献		
国際調査を完了した日	26.01.00	国際調査報告の発送日
国際調査機関の名称及びあて先 日本国特許庁 (ISA/J P) 郵便番号100-8915 東京都千代田区霞が関三丁目4番3号		特許庁審査官 (権限のある職員) 引地 進 電話番号 03-3581-1101 内線 3488 4N 9549

C (続き) . 関連すると認められる文献		
引用文献の カテゴリー*	引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する 請求の範囲の番号
Y	Mayer, H. et al. "Isolation, molecular characterization, and tissue-specific expression of a novel putative G-protein-coupled receptor" Biochim. Biophys. Acta (1998, Feb.) 第1395巻 第3号 p. 301-308	1-28
A	O'Dowd, B. F. et al. "A human gene that shows identity with the gene encoding the angiotensin receptor is located on chromosome 11" Gene (1993) 第136巻 第1/2号 p. 355-360	1-28
A	JP, 7-503611, A (アチ・ディベロップメント・コーポレーション) 20.4月.1995 (20.04.95) & WO, 93/13130, A1 & AU, 9334269, A & EP, 621874, A1 & AU, 661110, B & US, 5436155, A & EP, 621874, A4 & US, 5723299, A	1-28
A	JP, 10-127289, A (武田薬品工業株式会社) 19.5月.1998 (19.05.98) & EP, 845529, A2	1-28
A	JP, 9-278798, A (武田薬品工業株式会社) 28.10月.1997 (28.10.97) & EP, 789076, A2 & CA, 219964, A	1-28
A	JP, 9-268, A (武田薬品工業株式会社) 7.1月.1997 (07.01.97) & WO, 96/05302, A1 & AU, 9644262, A & EP, 804575, A1	1-28

FLOOR CAPTAINS LIST

Parking Area Assignment	Floor Level	Wing	Functional Area	Floor Captain	Alternate Captain
1	Basement	North	LAM	Richard Charbono	Kevin Sharp
1	Basement	South	Biology/Chemistry	TBD	TBD
2	Basement	West	Mach. Shop/Break-Fix	TBD	TBD
2	First	North	Shipping/Receiving	Tony Chavez	Arturo Gutierrez
3	First	West	Admin	Duane Kiihne	Kate Gregory
3	First	East	Admin	Donna Uranowski	Ann Holmes
4	First	East	Biology	Brian Morrow	Lynn Young
4	First	East	Chemistry	Kelly McClure	Liu Tang
5	First	North	Biology	Michael Maher	Kirsten Miller
5	First	North	Chemistry	Nick Carruthers	Emily Stocking
6	First	South	Biology	TBD	TBD
6	First	South	Chemistry	Dan Pippel	Jing Liu
7	First / Second	North	Informatics	Jackson Wan	Albert Leung
8	Second	West	Admin (GIS)	Brian Veltri	Michelle Peltzer
8	Second	West	Admin (Future)	TBD	TBD
9	Second	East	Biology	Juli DeGraw	Karen Stegman
9	Second	East	Chemistry	Mark Rosen	Brett Allison
10	Second	North	Biology	Jon Blevitt	Rob Thurmond
10	Second	North	Chemistry	Steve Meduna	Kevin Tays
11	Second	South	Biology	TBD	TBD
11	Second	South	Chemistry	TBD	TBD

THIS PAGE BLANK (USPTO)